This Page Is Inserted by IFW Operations and is not a part of the Official Record

BEST AVAILABLE IMAGES

Defective images within this document are accurate representations of the original documents submitted by the applicant.

Defects in the images may include (but are not limited to):

- BLACK BORDERS
- TEXT CUT OFF AT TOP, BOTTOM OR SIDES
- FADED TEXT
- ILLEGIBLE TEXT
- SKEWED/SLANTED IMAGES
- COLORED PHOTOS
- BLACK OR VERY BLACK AND WHITE DARK PHOTOS
- GRAY SCALE DOCUMENTS

IMAGES ARE BEST AVAILABLE COPY.

As rescanning documents will not correct images, please do not report the images to the Image Problem Mailbox.

PATENT ABSTRACTS OF JAPAN

(11) Publication number: 09124509 A

(43) Date of publication of application: 13.05.97

(51) Int. CI

A61K 39/395 C07K 14/47 C07K 16/18

(21) Application number: 07303491

(22) Date of filing: 27.10.95

(71) Applicant:

SUMITOMO ELECTRIC IND LTD

(72) Inventor:

KIYONO KENICHIRO KAYAGAKI NOBUHIKO YAKIDA HIDEO **OKUMURA YASUSHI NAKADA MOTOMI**

(54) THERAPEUTIC AGENT FOR HEPATITIS

(57) Abstract:

PROBLEM TO BE SOLVED: To obtain a therapeutic agent effective for treating hepatitis developing by death of hepatocyte by apoptosis, comprising an antibody against human Fas ligand or its active fragment as an active ingredient.

SOLUTION: This therapeutic agent for hepatitis comprises preferably 0.5-70wt.% of an antibody against human Fas ligand or its active fragment as an active ingredient. The dose of the objective therapeutic agent is preferably 0.01-600mg based on the active ingredient per human adult daily. A monoclonal antibody to be specifically reacted with Fas ligand is preferable as the antibody against a human Fas ligand. A monoclonal antibody produced from hybridoma NOKI (FERM BP-5044), for example, may be cited as the monoclonal antibody. When the monoclonal antibody is made into a

human type or a chimera type monoclonal antibody, preferably the monoclonal antibody suppresses formation of an antibody against an adventitious protein and effectively acts.

COPYRIGHT: (C)1997,JPO

BEST AVAILABLE COPY

(19)日本国特許庁 (JP)

(12) 公開特許公報(A)

(11)特許出願公開番号

特開平9-124509

(43)公開日 平成9年(1997)5月13日

(51) Int.Cl. ⁶		酸別記号	庁内整理番号	FΙ			技術表示箇所
A 6 1 K	39/395	ACS		A 6 1 K	39/395	ACSN	
C07K	14/47			C07K	14/47		
	16/18	ZNA			16/18	ZNA	

審査請求 未請求 請求項の数10 FD (全 18 頁)

(21)出顧番号	特願平7-303491	(71)出顧人	000002130
			住友電気工業株式会社
(22) 出願日	平成7年(1995)10月27日		大阪府大阪市中央区北浜四丁目5番33号
		(72)発明者	清野 研一郎
			東京都文京区本郷2-1-1 順天堂大学
			医学部免疫学講座内
		(72)発明者	榧垣 伸彦
			東京都文京区本郷2-1-1 順天堂大学
			医学部免疫学講座内
		(72)発明者	八木田 秀雄
			東京都文京区本郷2-1-1 順天堂大学
			医学部免疫学講座内
		(74)代理人	弁理士 西川 繁明
			最終質に続く

(54) 【発明の名称】 肝炎治療剤

(57)【要約】

【課題】 肝炎の中でもアポトーシスによる肝細胞の死に起因して発症する肝炎の治療に特に効果的な肝炎治療 剤を提供すること。

【解決手段】 ヒトのFasリガンドに対する抗体またはその活性フラグメントを有効成分として含有する肝炎治療剤。また、該抗体の超可変領域、可変領域を少なくとも含む肝炎治療剤。

PTO 2002-4891 S.T.I.C. Translations Branch

【特許請求の範囲】

【請求項1】 ヒトのFasリガンドに対する抗体またはその活性フラグメントを有効成分として含有する肝炎治療剤。

【請求項2】 ヒトのFasリガンドに対する抗体またはその活性フラグメントが、該Fasリガンドに特異的に反応するモノクローナル抗体またはその活性フラグメントである請求項1記載の肝炎治療剤。

【請求項3】 Fasを発現している肝臓の細胞にFasリガンドが結合することにより引き起こされる肝臓のアポトーシスを抑制する請求項1または2記載の肝炎治療剤。

【請求項4】 血中のGOT及びGTPの値を改善することにより、肝臓の機能を改善する請求項1または2記載の肝炎治療剤。

【請求項5】 ヒトのFasリガンドに対する抗体の活性フラグメントが、F(ab') $_2$ 、Fab'、Fab、Fv、及び組換えFv体からなる群より選ばれる少なくとも1種である請求項1または2記載の肝炎治療剤。

【請求項6】 ヒトのFasリガンドに特異的に反応するモノクローナル抗体が、工業技術院生命工学工業技術研究所に受託番号FERM BP-5044、FERM BP-5045、FERM BP-5046、FERM BP-5047、及びFERM BP-5048として寄託されている各ハイブリドーマ細胞株のいずれかーつから産生されるモノクローナル抗体である請求項2記載の肝炎治療剤。

【請求項7】 ヒトのFasリガンドに対する抗体またはその活性フラグメントが、ヒトのFasリガンドに特異的に反応するモノクローナル抗体のH鎖及び/または L鎖の可変領域を含むキメラ抗体分子である請求項1記載の肝炎治療剤。

【請求項8】 キメラ抗体分子が、人体適用化キメラ抗体(ヒト型化抗体)である請求項7記載の肝炎治療剤。

【請求項9】 キメラ抗体分子が、工業技術院生命工学工業技術研究所に受託番号FERM BP-5044、FERM BP-5045、FERM BP-5046、FERM BP-5047、及びFERM BP-5048として寄託されている各ハイブリドーマ細胞株のいずれか一つから産生されるモノクローナル抗体のそれぞれの超可変領域のアミノ酸配列を少なくとも含むものである請求項7記載の肝炎治療剤。

【請求項10】 キメラ抗体分子が、工業技術院生命工学工業技術研究所に受託番号FERM BP-5044、FERM BP-5045、FERM BP-5046、FERM BP-5047、及びFERM BP-5048として寄託されている各ハイブリドーマ細胞株のいずれか一つから産生されるモノクローナル抗体の可変領域のアミノ酸配列を少なくとも含むものである請

求項7記載の肝炎治療剤。

【発明の詳細な説明】

[0001]

【発明の属する技術分野】本発明は、肝炎の治療剤に関し、さらに詳しくは、ヒトのFasリガンド(以下、FasLと略記することがある)に対する抗体またはその活性フラグメントを有効成分として含有する肝炎治療剤に関する。本発明の肝炎治療剤は、肝炎の中でもアポトーシスによる肝細胞の死に起因して発症する肝炎の治療10 に特に効果的である。

2

[0002]

【従来の技術】多細胞生物は、その恒常性を保つため、細胞の増殖と死を巧妙にコントロールしている。個体発生の過程では、多くの細胞が細胞死によって除去される。成体においても、臓器を構成する細胞は、常に増殖と死のバランスを保ちながら、その機能を維持している。このような細胞死は、予め予定された死であり、プログラム細胞死(programmed cell death)とよばれている。これに対して、物理的または化学的要因によって引き起こされる死は、不慮の死(accidental cell death)とよばれ、プログラム細胞死と区別されている。

【0003】これら2つの死は、その過程が異なっている。プログラム細胞死では、細胞容積の縮小、核網状構造の消失と凝縮、細胞表面の微絨毛の消失及び水泡形成、そして、それらに続くアポトーシス小体(apoptotic body)の形成などの形態学的な特徴によって定義されるアポトーシスの過程を経て細胞が死ぬと考えられている。アポトーシスでは、殆どの場合、染20色体DNAの断片化反応を伴う。これに対して、不慮の死では、細胞や核が膨潤し、破壊するネクローシスの過程を経て死ぬと考えられている。

【0004】ところが、抗癌剤や放射線による細胞死、ウイルス感染による細胞死、あるいは細胞障害性リンパ細胞による標的細胞の死などは、決してプログラム細胞死であるとは考えられないにもかかわらず、アポトーシスの過程を経ることが分かってきた。このことから、現在では、アポトーシスとプログラム細胞死は、必ずしも同一ではないと考えられるに至り、両者は、区別されるようになっている。

【0005】アポトーシスを誘導する要因または物質として、現在、多くのものが知られている。Fas(Fas抗原)は、アポトーシスを媒介する細胞表面タンパク質として知られている。Fasは、細胞に死のシグナルを伝える細胞表面タンパク質として単離されたもので、TNF/NGF受容体ファミリーに属する分子量45K daのI型細胞膜貫通型タンパク質である。TNF/NGF受容体ファミリーのメンバーは、その殆どがそれぞれ特異的なリガンドに対する受容体であると考えられている。Fasも、アポトーシスのシグナルを媒介するリ

ガンドに対する受容体と考えられている。Fasを発現 している細胞は、FasがそのリガンドであるFasリ ガンドと結合することにより、アポトーシスのスイッチ が入り、死にいたる。

【0006】Fasリガンドは、Fasの生理的リガン ドであり、分子量40Kdaの細胞表面タンパク質であ る。Fasリガンドは、その構造から、TNFファミリ ーであることが分かっている。Fasリガンドは、Fa s を発現している細胞にアポトーシスを誘導する活性を 有している。FasとFasリガンドの系(すなわち、 Fasシステム)は、アポトーシスに関して、現在まで に最も研究が進展している分野であり、多くの研究報告 がなされている。例えば、Fasがアポトーシスのスイ ッチの役割を果たすことは、米原らの抗Fas抗体の作 製に関する論文 (J. Exp. Med., vol. 16 9, p. 1747-1756, 1989年) にまでさか のぼることができる。その後、Fas遺伝子のクローニ ングにより、Fasの構造が明らかにされている(Ce 11 vol. 66. p. 233-243, 1991 年)。さらに、エイズ原因ウイルスHIV感染T細胞 に、Fasが発現していること (Proc. Natl. Acad. Sci., USA, vol. 87, p. 96 20-9624, 1990年)、抗Fas抗体 (Jo-2抗体)をマウスに投与すれば、マウスは激症肝炎に似 た現象を起こして死ぬこと (Nature vol. 3 64. P806-809, 1993年) 等が報告されて いる。この他にも種々の研究報告がなされ、これらにつ いては実験医学vol. 11, No. 17, 1993年 の「アポトーシスー細胞死の構造ー」羊土社版、及び実 験医学vol. 13, No. 16, 1995年の「アポ トーシス研究の最前線ーシグナル伝達構造から疾患ま で」羊土社版に詳しくまとめられている。

【0007】肝臓に関しては、前述の抗Fas抗体(J o-2抗体) 投与によるマウスの劇症肝炎発症以外に も、種々の報告がなされている。これらの報告内容は、 実験医学vol. 13, No. 16, p. 200-20 4,1995年に、「肝炎とアポトーシス」と題する論 文としてまとめられている。この文献によれば、肝炎に 関し、以下のようなことが判明している。

- (1) 慢性肝炎において、活動性の指標となるpiec emeal necrosis (削りとり壊死) は、門 脈域周囲で認められるが、この領域で起こる細胞死の全 体がネクローシスではなくてアポトーシスである。
- (2) ウイルス性肝炎における細胞障害機序について は、細胞性免疫が重要な役割をもっている。ウイルス抗 原が感染肝細胞内でプロセスされた後、HLAクラスI によって肝細胞表面に提示され、これをCTLが認識し 傷害する。
- (3) 肝炎ウイルスによる肝細胞障害に、Fasシステ ムを介したアポトーシスが関与している可能性が考えら

れる。すなわち、肝浸潤リンパ球がFasリガンドを発 現し、Fas抗原を発現している肝細胞にアポトーシス を誘導するという可能性である。

【0008】 (4) 抗Fas抗体 (マウスモノクローナ ル抗体、IgM分画)を用いた免疫組織学的な手法によ り、B型及びC型肝炎組織におけるFas抗原の発現に ついての検討が行われた結果、B型及びC型肝炎組織に おけるFas抗原の発現と肝炎の活動性が相関すること が分かった。

(5) C型慢性肝炎において、肝内に浸潤している単核 10 球は、Fas抗原を発現している肝細胞にアポトーシス を誘導可能なFasリガンドを表出していることを意味 し、肝細胞障害機序にFasシステムを介したアポトー シスが関与することを示唆するものである。

このように、ウイルス性肝炎では、B型及びC型を問わ ずFas抗原が高発現していることが分かる。しかしな がら、Fasリガンド誘導の機序については、細胞内の シグナルなど不明な点も多く、今後の研究課題として残 されているのが現状である。

[0009] 20

30

【発明が解決しようとする課題】本発明の目的は、肝炎 の中でもアポトーシスによる肝細胞の死に起因して発症 する肝炎の治療に特に効果的な肝炎治療剤を提供するこ とにある。前述したように、肝臓における劇症肝炎やウ イルス性肝炎では、その発症において、FasとFas リガンドの系 (Fasシステム) が何らかの形で関与し ているのではないかと考え、本発明者たちは、Fasリ ガンドに対する抗体を用いて鋭意検討を行った結果、_i_ n vitroの実験系において、Fasリガンドが肝 細胞に障害を与えること、さらには、この障害は、抗F a sリガンド抗体により阻止できることを見出した。ま た、Fasリガンドに対する抗体が肝炎の発症を抑制す ることができるという新規な知見を得た。そして、この 抗体を有効成分とする製剤が、ウイルス性肝炎などの肝 疾患に対する治療薬(抗肝炎剤)として有用であること を見出した。本発明は、これらの知見に基づいて完成す るに至ったものである。

[0010]

【課題を解決するための手段】本発明によれば、ヒトの 40 Fasリガンドに対する抗体またはその活性フラグメン トを有効成分として含有する肝炎治療剤が提供される。 また、本発明によれば、以下のような好ましい実施態様 が提供される。

- 1. ヒトのFasリガンドに対する抗体またはその活 性フラグメントが、該Fasリガンドに特異的に反応す るモノクローナル抗体またはその活性フラグメントであ る前記の肝炎治療剤。
- Fasを発現している肝臓の細胞にFasリガン ドが結合することにより引き起こされる肝臓のアポトー 50 シスを抑制する前記の肝炎治療剤。

ン培地)を用いる。

3. 血中のGOT及びGTPの値を改善することにより、肝臓の機能を改善する前記の肝炎治療剤。

【0011】4. ヒトのFasリガンドに対する抗体の活性フラグメントが、F(ab')2、Fab'、Fab、Fv、及び組換えFv体からなる群より選ばれる少なくとも1種である前記の肝炎治療剤。

- 5. ヒトのFasリガンドに特異的に反応するモノクローナル抗体が、工業技術院生命工学工業技術研究所に受託番号FERM BP-5044、FERMBP-5045、FERM BP-5046、FERM BP-5047、及びFERM BP-5048として寄託されている各ハイブリドーマ細胞株のいずれか一つから産生されるモノクローナル抗体である前記の肝炎治療剤。
- 6. 前記モノクローナル抗体の超可変領域を少なくとも含むキメラ抗体分子である肝炎治療剤。
- 7. 前記モノクローナル抗体の可変領域を少なくとも 含むキメラ抗体分子である肝炎治療剤。

[0012]

【発明の実施の形態】本発明の肝炎治療剤の有効成分として使用されるFasリガンドに対する抗体(すなわち、抗FasL抗体)は、細胞表面分子であるFasリガンド、及びマトリックスメタロプロテアーゼにより分解されて細胞培養上清液や生体の体液中に存在する可溶性Fasリガンド(sFasL)を認識する抗体である。Fasリガンドに対する抗体としては、Fasリガンドに特異的に反応するモノクローナル抗体が好ましい。さらには、FasリガンドとFasとの結合を阻害することができる抗体がより好ましい。このようなモノクローナル抗体は、例えば、次のような方法により得ることができる。

【0013】(1)動物(例、マウスなどの齧歯類動物)を、Fasリガンドを発現させたCOS細胞で免疫感作する。ただし、動物としては、Fasの機能を欠損したものを選ぶ。

- (2) この免疫感作した動物から抗体産生細胞を調製して、その懸濁液を形成する。主として、脾臓細胞やリンパ節細胞を用いるが、末梢リンパ球を用いてもよい。脾臓細胞を使用する場合には、この免疫感作した齧歯類動物から脾臓を摘出して、脾細胞の懸濁液を形成する。
- (3) 該抗体産生細胞の懸濁液をミエローマ細胞と混合して両細胞を融合する。例えば、該脾細胞の懸濁液をマウスのミエローマ細胞と融合促進剤(例、ポリエチレングリコール)の存在下で混合して両細胞を融合する。電気的処理により細胞融合させることもできる。ここで用いるミエローマ細胞としては、次の選択培養において、抗体産生細胞と識別可能なもの(例、8-アザグアニン耐性株)を用いる。

【0014】 (4) 融合した細胞を未融合のミエローマ 細胞を支持しない媒質中で希釈して培養し、抗体産生細 胞とミエローマ細胞とが融合したハイブリドーマを選別 する。すなわち、抗体産生細胞は生存できるが、ミエローマ細胞は死滅する選択倍地中で培養して、抗体産生細胞とミエローマ細胞が融合したハイブリドーマを選別する。選択培地としては、例えば、8-アザグアニン耐性ミエローマ細胞を用いた場合には、一般に、HAT培地(すなわち、ヒポキサンチン-アミノプテリン-チミジ

(5) ハイブリドーマを含有する培養上清液分泌されている抗体が、Fasリガンドを発現させたCOS細胞の上清中に存在するFasリガンドによるFas発現細胞への攻撃を阻害することを指標にして、所望の抗原に対するものか否かを決定する。

【0015】(6)所望の抗体を分泌している細胞が存在する培養ウェル中の細胞群をクローニングする。クローニングは、通常、限界希釈法により行う。

- (7) 所望の抗体を分泌しているクローンを選択する。
- (8) 再度クローニングを行って、所望の抗原に対する モノクローナル抗体を分泌しているハイブリドーマクロ ーンを樹立する。
- (9) このハイブリドーマの培養上清液、あるいは該ハイブリドーマをマウス (例、ヌードマウス) 腹腔内に投与して得られた腹水中からモノクローナル抗体を調製する.

【0016】本発明の肝炎治療剤の有効成分として使用するモノクローナル抗体としては、例えば、工業技術院生命工学工業技術研究所に受託番号FERM BP-5044 (ハイブリドーマNOK1)、FERM BP-5045 (ハイブリドーマNOK2)、FERM BP-5046 (ハイブリドーマNOK3)、FERMBP-5047 (ハイブリドーマNOK4)、及びFERMBP-5047 (ハイブリドーマNOK5)として寄託されている各ハイブリドーマ細胞株から産生される各モノクローナル抗体(NOK1~5)を挙げることができる

【0017】ヒトのFasyガンドに対する抗体は、免疫グロブリンである。ヒトのFasyガンドに特異的に反応するモノクローナル抗体は、均一な免疫グロブリンであり、例えば、IgMのクラスに属し、L鎖が κ 鎖であるもの、IgG2のサブクラスに属し、L鎖が κ 鎖であるもの、IgG3のサブクラスに属し、L鎖が κ 鎖であるもの、IgG3のサブクラスに属し、L鎖が

κ鎖であるものなどが存在する。

【0018】Fasリガンドに対する抗体の活性フラグメントは、抗Fasリガンド抗体の有する抗原抗体反応活性を有する免疫グロブリンのフラグメントを意味する。このような活性フラグメントとしては、具体的には、F(ab')₂、Fab'、Fab、Fv、及び組換えFv体などがある。これらの活性フラグメントは、免疫グロブリン(抗FasL抗体)から常法により調製50 することができる。例えば、F(ab')₂フラグメン

20

30

トは、免疫グロブリンIgGをペプシンを用いて消化す ることにより得ることができる。Fab' フラグメント は、F (a b′) ₂フラグメントを2−メルカプトエタ ノールなどの試薬で還元して、モノヨード酢酸でアルキ ル化することにより得ることができる。Fabのフラグ メントは、IgGをパパイン消化することにより得るこ とができる。Fvフラグメントは、H鎖可変部(Vn) とL鎖可変部(V₁)を非共役結合で結合して得られ る。組換えFv体は、例えば、モノクローナル抗体を産 生するハイブリドーマから抗体のH鎖及びL鎖の可変部 にあたる遺伝子についてDNAをシーケンスして、H鎖 可変部 (V_H) とL鎖可変部 (V_L) をコードする塩基配 列を決定し、次いで、これらのDNA断片をベクターに 組み込んで、V_HーLinker-V_L構造を有する一価 の抗体活性フラグメントを大腸菌や動物細胞等の細胞に 産生させることにより得ることができる。

【0019】本発明の実施例で使用したSCIDマウス は、ヒトの細胞を移植することができる動物として有名 である。このSCIDマウスは、1983年にBosm aらにより、成熟したリンパ球(T細胞及びB細胞)を 全くもたない免疫不全ミュータントマウスとして発見さ れたマウスである (Nature, vol. 301, p. 527-530, 1983)。このマウスは、ヒト の重症複合免疫不全症 (SCID) と同様の病態を呈す る。このSCIDマウスにヒトの自己免疫疾患症である 原発性胆汁性肝硬変症SLE、自己免疫性甲状腺炎等の 患者のリンパ球やリンパ組織を移入し、病象の再現を試 みる動きがある。これらは、J. Exp. Med., v ol. 170, p. 1919-1930, 1989, J. Exp. Med., vol. 172, p. 985-988, 1990, Clin. Exp. Immuno l, vol. 84, p. 34-37, 1991年などに 記載されている。また、同じような試みがSciec e, vol. 241, p. 1632-1639, 198 8年に報告されている。

【0020】本発明者は、SCIDマウスの腹腔内にヒトの末梢血単核細胞(PBMC)を投与し、投与後、6時間ないし12時間後に、Dーガラクトサミン20mg/マウスとSEB(Staphylococcal enterotoxin B)10μg/マウスを同じく腹腔内に投与することで、肝炎を引き起こすことに成功した。この系は、Fasを発現しているSCIDマウスにヒトのPBMCを入れ、このマウスにDガラクトサミンとSEB刺激することで、導入したヒトPBMC中のT細胞が活性化し、細胞の表面にFasリガンドを発現するとともに、マウスの腹腔内及び体液中に可溶性のFasリガンドが分泌されることで、Fasを発現しているマウス肝細胞がFasリガンドを介して、アポトーシスで死滅し、その結果として、肝炎が発症するという系である。

R

【0021】本発明の肝炎治療剤は、Fasを発現している肝臓の細胞にFasリガンドが結合することにより引き起こされる肝臓のアポトーシスを抑制することにより、肝炎を治療するものと推定される。より詳細には、Fasを発現している肝細胞は、FasがFasリガンドと結合することにより、アポトーシスのスイッチが入るが、本発明の肝炎治療剤は、このような反応を抑制することにより肝炎を治療するものと推定される。また、本発明の肝炎治療剤は、肝機能を改善し、血中のGOT(グルタミン酸ーオキサロ酢酸トランスアミナーゼ)及びGPT(グルタミン酸ーピルビン酸トランスアミナーゼ)の値を改善することができる。具体的には、本発明の肝炎治療剤は、血中のGOT及びGPTの濃度を正常値に回復させることができる。

【0022】本発明で使用するFasリガンドに対する モノクローナル抗体 (抗FasL抗体) またはその活性 フラグメントの肝炎治療剤としてヒトに作用させる場 合、HAMA等の外来蛋白質に対する抗体の生成を抑え て効果的に作用させるためには、該抗Fas L抗体また はその活性フラグメントをヒト型化あるいはキメラ型化 することが効果的である。これらに関する技術は、すで に公知の文献あるいは特許公報に記載されており、抗体 産生ハイブリドーマさえあれば、容易に実施することが できる。特許公報では、EP-A-0120694、E P-0125023, EP-0171496, EP-A -0173494、WO86101533等があり、-般文献としては、Nature, Vol. 322, p. 323-327 (1988), Nature, vol. 321, p. 522-525 (1986), Natur e, vol. 328, p. 731-734 (1987) 等が挙げられる。これらに開示されている公知技術に基 づいて、抗FasL抗体またはその活性フラグメントを ヒト型化あるいはキメラ型化することができる。

【0023】ヒト型化あるいはキメラ型化するに際し、 工業技術院生命工学工業技術研究所に受託番号FERM BP-5044 (ハイブリドーマNOK1)、FER MBP-5045 (ハイブリドーマNOK2)、FER M BP-5046 (ハイブリドーマNOK3)、FE RM BP-5047 (ハイブリドーマNOK4)、及 40 びFERM BP-5048 (ハイブリドーマNOK 5)として寄託されている各ハイブリドーマ細胞株から 産生される各モノクローナル抗体 (NOK1~5)の可 変領域のアミノ酸配列を少なくとも含ませることが好ま

【0024】このようなモノクローナル抗体NOK1~5のH鎖及びL鎖の可変領域のアミノ酸配列及びその塩基配列は、本発明者らが見いだしたものであり、配列表に記載する。

(1) ハイブリドーマNOK1が産生するモノクローナ ル抗体のH鎖の超可変領域は、配列表の配列番号1で表

されるアミノ酸配列の30番目のSerから34番目のAsn、49番目のArgから65番目のGly、及び93番目のTyrから109番目のTyrであり、L鎖の超可変領域は、配列表の配列番号3で表されるアミノ酸配列の24番目のArgから34番目のAsn、50番目のTyrから56番目のSer、及び89番目のGlnから97番目のThrである。

【0025】(2)ハイブリドーマNOK2が産生するモノクローナル抗体のH鎖の超可変領域は、配列表の配列番号5で表されるアミノ酸配列の30番目のAsnから34番目のGly、49番目のTyrから65番目のGly、及び93番目のTyrから107番目のTyrであり、L鎖の超可変領域は、配列表の配列番号7で表されるアミノ酸配列の24番目のLysから39番目のGly、55番目のLeuから61番目のSer、及び95番目のGlnから102番目のThrである。

【0026】(3) ハイブリドーマNOK3が産生するモノクローナル抗体のH鎖の超可変領域は、配列表の配列番号9で表されるアミノ酸配列の30番目のSerから34番目のAsn、49番目のArgから65番目のGly、及び93番目のTyrから105番目のValである。

【0027】(4)ハイブリドーマNOK4が産生するモノクローナル抗体のH鎖の超可変領域は、配列表の配列番号11で表されるアミノ酸配列の32番目のTyrから35番目のAsn、50番目のTyrから65番目のAsn、及び93番目のTyrから107番目のTyrであり、L鎖の超可変領域は、配列表の配列番号13で表されるアミノ酸配列の24番目のArgから38番目のHis、54番目のArgから60番目のSer、及び93番目のGlnから101番目のThrである。

【0028】(5)ハイブリドーマNOK5が産生するモノクローナル抗体のH鎖の超可変領域は、配列表の配列番号15で表されるアミノ酸配列の30番目のThrから34番目のHis、49番目のTyrから65番目のAsp、及び93番目のTyrから106番目のTyrであり、L鎖の超可変領域は、配列表の配列番号17で表されるアミノ酸配列の24番目のLysから34番目のAla、50番目のTyrから56番目のThr、及び89番目のGlnから97番目のThrである。

【0029】(6)ハイブリドーマNOK1が産生するモノクローナル抗体のH鎖の可変領域は、配列番号1で表されるアミノ酸配列であり、その塩基配列は、配列番号2の塩基配列である。また、L鎖の可変領域は、配列番号3で表されるアミノ酸配列であり、その塩基配列は、配列番号4の塩基配列である。

【0030】 (7) ハイブリドーマNOK2が産生する

10

モノクローナル抗体のH鎖の可変領域は、配列番号5で表されるアミノ酸配列であり、その塩基配列は、配列番号6の塩基配列である。また、L鎖の可変領域は、配列番号7で表されるアミノ酸配列であり、その塩基配列は、配列番号8の塩基配列である。

【0031】 (8) ハイブリドーマNOK3が産生する モノクローナル抗体のH鎖の可変領域は、配列番号9で 表されるアミノ酸配列であり、その塩基配列は、配列番 号10の塩基配列である。

10 【0032】(9)ハイブリドーマNOK4が産生する モノクローナル抗体のH鎖の可変領域は、配列番号11 で表されるアミノ酸配列であり、その塩基配列は、配列 番号12の塩基配列である。また、L鎖の可変領域は、 配列番号13で表されるアミノ酸配列であり、その塩基 配列は、配列番号14の塩基配列である。

【0033】(10) ハイブリドーマNOK5が産生するモノクローナル抗体のH鎖の可変領域は、配列番号15で表されるアミノ酸配列であり、その塩基配列は、配列番号16の塩基配列である。また、L鎖の可変領域20は、配列番号17で表されるアミノ酸配列であり、その塩基配列は、配列番号18の塩基配列である。

【0034】本発明の肝炎治療剤の剤形としては、活性 な有効成分を含む通常の医薬または医薬組成物と同様 に、例えば、注射剤、錠剤、カプセル剤、坐薬、噴霧 剤、クリーム剤、パップ剤、点眼剤等を挙げることがで きる。例えば、注射剤であれば、当該抗体を含む溶液を 無菌状態で調製し、必要があれば、マンニトール等の安 定化剤、賦形剤等を補助成分として添加してもよい。こ れをアンプル、バイアル等に充填し、そのまま使用する こともできるし、必要に応じて、凍結乾燥等を行うこと 30 も可能である。本発明の肝炎治療剤は、乾燥品の場合 は、注射用蒸留水等に溶解して投与することができる。 投与方法は、経口投与、静脈注射、吸入、経皮投与、点 眼、局所投与、皮下投与等から適切な方法を選んで投与 すればよい。本発明の肝炎の治療剤は、Fasリガンド に対する抗体またはその活性フラグメントを有効成分と して、通常、0.1~100重量%、好ましくは0.5 ~70重量%の割合で含有するものである。本発明の肝 炎治療剤の投与量は、有効成分を基準として、ヒト成人 1日あたり、通常、0.001~1000mg、好まし くは0.01~600mgである。もちろん、上記投与 量は、一応の目安であり、患者の年齢、性別、体重、さ らには疾患の種類とその程度に応じた投与量を適宜選択 すればよい。

[0035]

【実施例】以下に実施例を挙げて、本発明についてより 具体的に説明する。

【0036】 [実施例1]

(1) マウス肝細胞の調製

50 マウス肝細胞は、三井等編「機能細胞の分離と培養」

30

(昭和62年1月30日丸善株式会社発行)第178~ 179頁に記載されているコラゲナーゼ灌流法を準用して分離した。すなわち、

麻酔後、マウスを手術台に乗せ、手術用ハサミで皮膚、腹筋の順に開腹した。よくしぼったアルコール脱脂綿で腸を術者の右側にかきよけ、門脈を十分露出させた。

門脈に縫合糸のループをかけ眼科用ハサミの先端を使って門脈に切れ目を入れた。切開部から溢れ出る血液をカニューレ先端から滴下する前灌流用緩衝液で洗い流しながら、すばやく門脈の切開面からカニューレを挿入し、縫合糸で結紮した。同時に、肝臓下の下大静脈(subhepatic inferior venacava)を切断し、洗浄液を放出させた。そのまま30ml/minの流速でペリスタポンプを作動させ、37℃に保温した前灌流用緩衝液を灌流し続けた。

【0037】次に、胸廓部を開き、心臓を露出させ た。横隔膜下の下大静脈(thoracic infe rior vena cava) に縫合糸のループをか けた後、右心房を眼科用ハサミで切開して別のカニュー レを右心房から下大静脈に挿入し結紮した。こうして、 灌流液は、肝臓を循環し横隔膜下の下大静脈を流れ、新 しく挿入したカニューレを経由して、恒温槽内の瓶に戻 り循環した。この状態で4~5分間灌流を続け、スムー ズに灌流することを確かめた上でポンプを止め、循環液 をコラゲナーゼ溶液 (約100ml) に交換し再び灌流 を始めた。8~10分間コレゲナーゼ溶液の灌流を続け ると、肝臓は次第に消化され、肝小葉が浮き上がったよ うな外観を呈し、表面から酵素液が滲出してきた。この 状態で灌流を中止し、肝臓各葉をスパーテルで受けつ つ、ハサミで切り離しシャーレに移した。約10mlの MEM (ニッスイ社製) 液を加え、手術用メスで軽く細 分すると、消化された肝細胞がとろけるように分散し た。次いで、30mlMEMを加え、先太の駒込ピペッ トで軽く2~3回ピペッティングし、さらに細胞を分散 させた後、2~3枚のガーゼを重ねた細胞濾過器で濾過 した。

【0038】このようにして、まず、粗分散肝細胞浮遊液を調製した。次いで、この中からさらに肝実質細胞のみをとりだすために、以下の操作を行った。細胞浮遊液を50m1細胞遠心管に集め、卓上冷却遠心機で低速遠心(50×g,1min)した。この遠心条件では、肝実質細胞は、他の細胞に比し大きいので遠心管の底にパックされ、非実質細胞、損傷細胞、赤血球、細胞破片等は、沈殿しないで上清中に残る。上清を静かに駒込ピペットで除き、新たに細胞洗浄用緩衝液を加え、細胞を先太の駒込ピペットで軽く懸濁した後、同時に低速遠心した。この操作を3~4回繰り返すことにより、ほぼ均一な肝実質細胞を得ることができた。低速遠心操作後、得られた肝実質細胞のviabilityは、通常90%

以上(トリパン青の染色試験)で、その収量は4~6×10′細胞/g肝臓である。こうして得られたマウス肝細胞に対し、Fasリガンドを導入したトランスフェクタントL5178Y-FasLの培養上清中に含まれる可容性FasLサインド(オなわち、aFasL)の細胞

12

可溶性Fasリガンド(すなわち、sFasL)の細胞 障害を検討した。

【0039】(2) L5178Y-FasLの調製 ヒトFasリガンドをL5178Yに導入する方法は、 以下の通りである。すなわち、PMKit Neoに組 み込んだヒトFasリガンド遺伝子1 μ gに対し、XhoIとNotI(ベーリンガー社製)の制限酵素を各1 単位加え、付属緩衝液を添加後、37℃にて2時間反応 させた。この液について、1%アガロース電気泳動を行った。UV照射のもとでFasリガンドに相当する約8 50pbのバンドを切り出した。このアガロースゲルかち、GENCLEAN IIキット(BIO101、フナコシ社製)を用いて、DNAを抽出した。すなわち、付属のNaI液をゲルに加え、65℃で10分間インキュベートし、ゲルを溶かした後、これにグラスミルク(glassmilk)を加え5分間ローテートして、

【0040】次に、FasリガンドとDNAとBCMG Smoのベクターのライゲーションをベクター: cDN A=1:2 (モル比)になるように混合し、宝酒造社製 DNAライゲーションキットを用いて、16℃で16時間反応させて、ライゲーションした。この反応液を、大 腸菌コンピテントセル(東洋紡社製)と混合して、氷上で30分間、42℃で40秒間インキュベートすることにより、DNAを大腸菌へ導入した。これに対し、SO C培地を加え、37℃で1時間振盪培養後、アンピシリン入りのLB寒天培地に分注し37℃にて1日間培養した。その後、出現したコロニーをLB培地で37℃で1日間培養した後、アルカリ法にて、プラスミド(ヒトFasリガンドーBCMGSmo)を回収した。

【0041】このヒトFasリガンドーBCMGS ∞ 1μ gについて、L5178 Y細胞 1×10 %個に対し、エレクトロポレーション法にて、遺伝子導入を行った。条件は、ジーンパルサー(バイオラッド社製)を用い、296 V、 960μ Fで実施した。この細胞を再度10% FCS-RPM I 1640 培地5 m l に懸濁した。6 we 11 プレートに、この細胞の液を入れて培養を行ったが、この時、G418 (GIBCO社製)を0.4 m g/m l になるように培地に添加した。10 目間の培養後、コロニーが得られたので、限界希釈法によ

り、細胞をクローニングした。得られたクローンについ て、ノーザンハイブリダイゼーション法によりヒトFa sリガンドのmRNAの濃度が一番高いものにを選別 し、培養した。これをFasリガンドーL5178Y細 胞(すなわち、L5178Y-FasL)とした。

【0042】 (3) <u>マウス肝細胞に対するFasLの細</u> 胞障害性の検討

可溶性FasL(sFasL)の調製

L5178Y-FasLを75cm2の培養フラスコを 用いて5×10⁵個/mlの濃度で10%FCS・RP MI1640培地30mlで4日間培養し、培養上清を 回収した。回収した培養上清(sFasL)は、0.4 5μmのフィルターで滅菌し、保存した。

ターゲット細胞の調製

細胞は、(1)で調製した肝実質細胞を10%FCS・ L-15培地にて2×10⁶個/m1に調製した。

【0043】アッセイ

で調製したsFasL分子を10%FCS・RPMI 1640培地で12倍に希釈した。96ウェル平底プレ ート (コーニング社製) を用い、各ウェルにこの希釈液 25μ1加えた。次いで、10%FCS・L-15培地 を25 µ 1 加えた。また、比較対象として、抗マウスF a s 抗体 (Jo-2:ファーミンジェン社製) を10μ g/m1の濃度で $25\mu1$ 加えたもの、さらにはTNF $(シグマ社製) を10 \mu g/m1で25 \mu 1 加えたもの$ を用いた。このプレートの各ウエルに50μ1ので調 製したターゲットを入れた。その後、37℃、5%CO 2の環境下のもとで12時間インキュベートした。次い で、アラマーブルー (Alamar blue™、コス モバイオ社製) を10 µ 1 加え、さらに37℃、5%C O2下にて4時間反応させた。その後、フロオロスキャ ン I I (タイターテック社製) を用いて蛍光量を測定し た。その結果をまとめたものを表1に示す。表1から明 らかなように、肝実質細胞は、sFasLに対してのみ viavillity (生存率) が低下した。

[0044] 【表 1 】

添加剤	生存率(%)
未添加	100
sFasL	0.5
抗Fas抗体	9 9
TNF	98

【0045】(4)マウス肝細胞に対するFasLの細 <u>胞障害における抗ヒトFasL抗体の効果</u>

前述のごとく、FasLは、肝実質細胞に対し、細胞障 害性を示すことが分かったので、次に、この細胞障害反 応が抗ヒトFasL抗体で阻害できるかどうかについて 検討を加えた。すなわち、(3)と同様の系において実 施した。前記 (3) ので調製した s F a s L を 10%

FCS・RPMI1640培地で12倍に希釈した。9 6 ウェル平底プレートを用い、各ウェルにこの希釈液を 25 μ l 加えた。次いで、10% FCS・L15 培地に て10μg/mlに希釈した抗ヒトFasL抗体(NO K1) を25 µ 1 加え、37℃、5%CO₂下にて1時 間インキュベートした。次に、肝実質細胞2×10⁵個 /m1を50µ/ウェル加えた。37℃、5%CO₂下 にて12時間インキュベートした。次いで、アラマーブ ルー (Alamar blue[™]、コスモバイオ社製) 10 を10 µ 1 加え、さらに37℃、5%CO₂下にて4時 間インキュベートした。その後、フルオロスキャンII を用いて、生細胞が分解した色素の蛍光強度を測定し た。その結果を表2に示す。表2から明らかなように、 抗FasL抗体の添加により肝細胞のアポトーシスは抑

[0046]

【表2】

20

30

添加剤	生存率(%)
未添加	100
sFasL	0.5
sFasL +抗FasL 抗体	9 9

すなわち、<u>in vitro</u>の実験系では、FasLを 介した肝細胞のアポトーシスを、抗FasL抗体が抑制 できることが確認できた。

【0047】 (5) SCIDマウスにおける実験的肝炎 モデル系における抗FasL抗体投与による肝炎の抑制 の検討

SCIDマウス(8週齢のメス、チャルーズリバー社 製) 1匹あたり、ヒトの末梢血単核細胞 (PBMC) を 5×10'個を1mlのPBSに懸濁したものを腹腔内 に投与した。次いで、6時間ないし12時間後にD-ガ ラクトサミン (ワコー社製) 20mgとSEB (Sta phylococcal enterotoxin B) (シグマ社製) 10μgをPBS1mlに懸濁した ものをさらに腹腔内に投与した。なお、抗FasL抗体 を投与する場合は、D-ガラクトサミン、SEB投与3 0分前に、500μgを腹腔投与した。その後、12時 40 間後における血中のGOT (グルタミン酸ーオキサロ酢 酸トランスアミナーゼ)及びGPT (グルタミン酸ーピ ルビン酸トランスアミナーゼ)の濃度を測定するととも に、24時間後の肝細胞の染色を行った。その結果、抗 FasL抗体投与群は、24時間後に、コントロールの 非投与群に比べ、有意に生存が認められた。また、12 時間後のGOTとGPTの量は、コントロールに比べて 2桁違いの値となり、正常に近いほどに回復しているの が認められた。結果を表3に示す。

[0048]

50 【表3】

抗FasL抗体	生存数	GOT	GPT
+	4/4	350	210
_	0/4	> 10000	>10000

この結果、本発明のヒトのFasリガンドに対する抗体の投与は、肝炎の治療剤として有効であることが実証できた。

【0049】 [参考例1] <u>抗FasL抗体のV領域遺伝</u> 子シーケンス

ハイブリドーマNOK $1\sim5$ を用いて、下記のプロトコールにより Fasリガンドに対するモノクローナル抗体の可変領域(V領域)の遺伝子シーケンスを行った。

1. cDNAの調製

(1) ハイブリドーマNOK1~5のそれぞれを25 c m³フラスコ中で培養した。培養細胞を回収して、PB Sで遠心洗浄した後、1 m l のPB S に懸濁し、細胞数を数えた。細胞1×10°個を無菌のエッペンドルフチューブに入れ、遠心分離で上清を抜き取り、ペレットをタッピングした。

(2) RNA $_{m}$ B (コスモバイオ製) を200 μ 1m え、ピペットマンのチップでよく攪拌して細胞を溶かした。クロロホルムを20 μ 1m 活加し、振盪後、氷中に5分間放置した。4mで15,000m00m15分間遠心した後、上層の無色透明の部分を回収し、新しいチュ *

*一ブに移した。4℃で15,000rpm、15分間遠心した後、上清を捨てて、ペレットに75%エタノールを800µ1加え、-20℃で30分間放置した。4℃で15,000rpm、15分間遠心した後、ペレットに蒸留水11.5µ1添加した。

16

(3) オリゴd T (0.5 mg/ml)を0.5 μ 1添加して、70℃で10分間、氷上で5分間放置した。

[0050]

【表4】

を加え、42℃で50分間、90℃で5分間、氷上で5分間放置した。

(4) RNaseHを1µ1添加し、37℃で20分間 放置した。このようにして、cDNA混合物を調製し た。

20 【0051】2. PCR反応

(1) 前記で得られた c D N A を用い、下記の条件で P C R 反応を行った。

[0052]

【表 5 】

	VH	V L
c DNA	2 μ 1	2 μ 1
dNTPmix	1 μ 1	1 μ 1
primer	2 μ 1	1 μ 1
(Pharmacia製)		
10xPCR buffer	4μ1	4 μ 1
D D W	30.5μ1	31.5 μ l
Ampli-Tag	0. 5 μ 1	0. 5μ1

【0053】ミネラルオイル40 μ 1を重層し、94 $\mathbb C$ で5分間放置した後、「55 $\mathbb C$ で2分間、72 $\mathbb C$ で3分間、94 $\mathbb C$ で1分間」のサイクルを30サイクル行い、次いで、55 $\mathbb C$ で2分間、72 $\mathbb C$ で10分間放置した。

(2) 反応液 $4 \mu 1$ をミニゲル電気泳動 (1.5%アガロースゲル) でチェックした。結果を図 1 に示す。モノクローナル抗体NOK 3 のL鎖を除いて、PCRによりDNA断片が増幅したことが確認された。

【0054】3. VH及びVLフラグメントの回収

- (1) 上記で調製したPCR生成物をミニゲル電気泳動
- (1.5%アガロースゲル) させて、VH (H鎖V領域) 及びVL (L鎖V領域) のバンドをゲルから切り出した。
- (2) Gene CleanでPCR生成物を回収し、14ミニゲル電気泳動(1.5%アガロースゲル)でバンド ※50 た。

※をチェックした。例として、NOK4のVHについての 結果を図2に示す。

【0055】4. <u>ライゲーション</u>

下記TAクローニングキットを用い、DNAの連結反応 (Ligation)を行った。

[0056]

【表6】

ADDW		5μ1
10xLigation	buffer	1 μ 1
PCRベクター		2μ1
PCR生成物		1 μ 1
T4DNA Ligas		1μ1

14℃で一晩反応を行い、ライゲーション混合物を得た。

【0057】5. トランスフォーメイション

TAクローニングキットを用いて形質転換 (Transformation) を行った。

- (1) 氷上で細胞 50μ 1に、0.5Mの β メルカプトエタノール 2μ 1、及び前記で調製したライゲーション混合物を添加し30分間放置した後、42 \mathbb{C} の湯浴中に 30 秒間、次いで、氷上に20 分間放置した。 450μ 1のSOC 培地を加え、37 \mathbb{C} \mathbb{C} 1 時間(225 \mathbb{C} \mathbb{C}
- (2) 次いで、LB agarプレート (+Amp, X -Gal, IPTG) に拡散した。各サンプルは、50 μ l、100 μ l、200 μ lであった。37 $\mathbb C$ で18 時間インキュベートした後、4 $\mathbb C$ で2時間放置したところ、白と青のコロニーが発現した。

【0058】6. <u>ミニ培養 (Mini Cultur</u>e)

- (1) 前記各サンプルのプレートから白いコロニーを 4 個ずつ拾った。
- (2) 3 m l の L B 培地 (+ A m p) に 1 個のコロニー を加え、37℃で一晩振盪した。

【0059】7. ミニ調製 (Mini Preparation)

- (1) 培養溶液 1. 5mlをエッペンドルフチューブに 取った。(保存用としてLBプレートに拡散して37℃ で培養した。) 4℃で6, 000 r p m、2分間遠心し た。
- (3) 新しいエッペンドルフチューブに上清を取った。 これに、等容量のフェノールを添加し、次いで、室温で 12,000rpm、1分間遠心した。

【0060】(4) 新しいエッペンドルフチューブに上清を取った。これに、等容量のCHCl::iAA(99:1)混合物を加え、室温で12,000rpm、1分間遠心した。

- (6) 沈殿物を乾燥した。20 µ l のTE及び1 µ l の RNase A (5 m g / m l) を加え、65℃で20 分間放置した。

18

- * (7) このようにして、プラスミドDNAを得た、
 - (8) 下記の条件でミニゲル電気泳動を行い、バンドを チェックした。NOK 4 V_L、NOK 5 V_H、NOK 5 V _Lの結果を図3に示す。

[0061]

【表7】

H B u f. 1 μ 1
E c o R I 1 μ 1 (IU)
DNA 1 μ 1
ADDW 7 μ 1

37℃で1時間インキュベートした後、0.75%アガロースゲルに加えて電気泳動を行った。

【0062】8. DNAシーケンス

- (1) プラスミドNDAを 1μ 1とり、 99μ 1のTEにて希釈した。
- (2) A 2 6 0 を測定し、DNA値を計算した(A 2 6 0 of 1.0=50 μ g/m1)。
- (3) A 2 6 0 値より、DNAが1 μ g / μ 1 となるようにTEにて希釈した。
 - (4) Dyeターミネーター法により、DNAシーケンス (ABIモデル373A) を行った。

【0063】9. <u>V領域の解析</u>

このようにして得られたDNAシーケンスをもとに、V 領域のアミノ酸配列をコンピュータ解析により求めた。 結果を図4(モノクローナル抗体NOK1~5のVH領 域のアミノ酸配列)、及び図5(モノクローナル抗体N OK1、2、4、5のVL領域のアミノ酸配列)に示 す。これらの図において、四角の線で囲った箇所は、超 30 可変領域(CDR1~3)である。

[0064]

【発明の効果】以上説明したように、本発明の肝炎治療 剤は、肝炎治療に有用である。とりわけ、本発明の肝炎 治療剤は、肝実質細胞がアポトーシスにより死ぬことに より発症する肝炎に有効となる。その理由は、本発明の 肝炎治療剤は、FasLとFasを介した肝実質細胞の アポトーシスを抑制するからである。

[0065]

【配列表】

40 配列番号:1

配列の長さ:120

配列の型:アミノ酸

トポロジー:直鎖状

配列の種類:ペプチド

配列

Val Gln Leu Gln Glu Ser Gly Pro Glu Leu Val Lys Pro Gly Ala Ser

5 10

Val Lys Ile Ser Cys Lys Ala Ser Gly Tyr Ala Phe Ser Ser Trp

20

```
(11)
                         19
                                                                             20
                 Met Asn Trp Val Lys Gln Arg Pro Gly Lys Gly Leu Glu Trp Ile Gly
                                            40
                  Arg Ile Tyr Pro Gly Asp Gly Asp Thr Asn Asp Asn Gly Lys Phe Lys
                                        55
                  Gly Lys Ala Thr Leu Thr Ala Asp Lys Ser Ser Ser Thr Ala Tyr Met
                                     70
                  Gln Leu Ser Ser Leu Thr Ser Glu Asp Ser Ala Val Tyr Phe Cys Ala
                                                    90
                 Arg Ser Tyr Tyr Tyr Asp Gly Ser Pro Trp Phe Thr Tyr Trp Gly Gln
                                               105
                 Gly Thr Thr Val Thr Val Ser Ser
                         115
【0066】配列番号:2
                                                    *配列の種類:cDNA to mRNA
配列の長さ:360
                                                      起源
                                                      マウス
                                                      配列の特徴:
トポロジー:直鎖状
                                                      特徴を決定した方法:E
                  配列
                 GTG CAG CTG CAG GAG TCT GGA CCT GAG CTG GTG AAG CCT GGG GCC TCA
                                                                                48
                 GTG AAG ATT TCC TGC AAG GCT TCT GGC TAT GCA TTC AGT AGC TCC TGG
                                                                                96
                 ATG AAC TGG GTG AAG CAG AGG CCT GGA AAG GGT CTT GAG TGG ATT GGA
                                                                                144
                 CGA ATT TAT CCT GGA GAT GGA GAT ACT AAC GAC AAC GGG AAG TTC AAG
                                                                                192
                 GGC AAG GCC ACA CTG ACC GCA GAC AAA TCC TCC AGC ACA GCC TAC ATG
                                                                                240
                 CAA CTC AGC AGT CTG ACA TCT GAG GAC TCT GCG GTC TAC TTC TGT GCA
                                                                                288
                 AGA TCG TAT TAC TAC GAT GGT AGC CCC TGG TTT ACT TAC TGG GGC CAA
                                                                                336
                 GGG ACC ACG GTC ACC GTC TCC TCA
                                                                                360
                                                    ※トポロジー:直鎖状
【0067】配列番号:3
                                                      配列の種類:ペプチド
配列の長さ:108
配列の型:アミノ酸
                                               *
                 配列
                 Asp Ile Gln Met Thr Gln Ser Pro Ser Ser Leu Ser Ala Ser Leu Gly
                                                    10
                 Asp Arg Val Thr Ile Ser Cys Arg Ala Ser Gln Asp Ile Ser Asn Tyr
                                                25
                 Leu Asn Trp Tyr Gln Gln Lys Pro Asp Gly Thr Val Lys Leu Leu Ile
                                            40
                 Tyr Tyr Thr Ser Arg Leu His Ser Gly Val Pro Ser Arg Phe Ser Gly
                                        55
                 Ser Gly Ser Gly Thr Asp Tyr Ser Leu Thr Ile Ser Asn Leu Glu Pro
                                     70
                                                       75
                 Glu Asp Ile Ala Thr Tyr Phe Cys Gln Gln Tyr Ser Glu Phe Pro Trp
                                                   90
                 Thr Phe Gly Gly Gly Thr Lys Leu Glu Ile Lys Arg
                            100
                                               105
                                                    ★配列の種類:cDNA to mRNA
```

【0068】配列番号:4

配列

配列の長さ:324 配列の型:核酸 鎖の数:二本鎖

トポロジー:直鎖状

配列の型:核酸

鎖の数:二本鎖

配列の特徴: 特徴を決定した方法:E

50

起源

マウス

```
GAC ATC CAG ATG ACG CAG TCT CCA TCC TCC CTG TCT GCC TCT CTG GGA
                                                                                48
                  GAC AGA GTC ACC ATC AGT TGC AGG GCA AGT CAG GAT ATT AGC AAT TAT
                                                                                96
                  TTA AAC TGG TAT CAG CAG AAA CCA GAT GGA ACT GTT AAA CTC CTG ATC
                                                                                144
                  TAC TAC ACA TCA AGA TTA CAC TCA GGA GTC CCA TCA AGG TTC AGT GGC
                                                                                192
                  AGT GGG TCT GGG ACA GAT TAT TCT CTC ACC ATC AGC AAC CTG GAA CCT
                                                                               240
                  GAA GAT ATT GCC ACT TAC TTT TGT CAG CAA TAT AGT GAA TTT CCG TGG
                                                                               288
                  ACG TTC GGT GGA GGC ACC AAG CTG GAA ATC AAA CGG
                                                                                324
 【0069】配列番号:5
                                                    *トポロジー:直鎖状
配列の長さ:118
                                                      配列の種類:ペプチド
配列の型:アミノ酸
                                                * 10
                  配列
                  Val Gln Leu Gln Gln Ser Gly Ala Glu Leu Val Arg Pro Gly Thr Ser
                  Val Lys Met Ser Cys Lys Ala Ala Gly Tyr Thr Phe Thr Asn Tyr Trp
                  Ile Gly Trp Val Lys Gln Arg Pro Gly His Gly Leu Glu Trp Ile Gly
                                            40
                  Tyr Leu Tyr Pro Gly Gly Leu Tyr Thr Asn Tyr Asn Glu Lys Phe Lys
                                         55
                  Gly Lys Ala Thr Leu Thr Ala Asp Thr Ser Ser Ser Thr Ala Tyr Met
                                     70
                                                       75
                  Gln Leu Ser Ser Leu Thr Ser Glu Asp Ser Ala Ile Tyr Tyr Cys Ala
                                                    90
                                 85
                  Arg Tyr Arg Asp Tyr Asp Tyr Ala Met Asp Tyr Trp Gly Gln Gly Thr
                             100
                                               105
                  Thr Val Thr Val Ser Ser
                         115
 【0070】配列番号:6
                                                    ※配列の種類:cDNA to mRNA
配列の長さ:354
                                                      起源
配列の型:核酸
                                                  30
                                                      マウス
鎖の数:二本鎖
                                                      配列の特徴:
トポロジー:直鎖状
                                                Ж
                                                      特徴を決定した方法:E
                  配列
                  GTG CAG CTG CAG CAG TCA GGA GCT GAG CTG GTA AGG CCT GGG ACT TCA
                                                                                48
                  GTG AAG ATG TCC TGC AAG GCT GCT GGA TAC ACC TTC ACT AAC TAC TGG
                                                                                96
                  ATA GGT TGG GTA AAG CAG AGG CCT GGA CAT GGC CTT GAG TGG ATT GGA
                                                                               144
                  TAT CTT TAC CCT GGA GGT CTT TAT ACT AAC TAC AAT GAG AAG TTC AAG
                                                                               192
                  GGC AAG GCC ACA CTG ACT GCA GAC ACA TCC TCC AGC ACA GCC TAC ATG
                                                                               240
                  CAG CTC AGC AGC CTG ACA TCT GAG GAC TCT GCC ATC TAT TAC TGT GCA
                                                                               288
                  AGA TAC AGG GAT TAC GAC TAT GCT ATG GAC TAC TGG GGC CAA GGG ACC
                                                                               336
                 ACG GTC ACC GTC TCC TCA
                                                                               354
                                                    ★トポロジー:直鎖状
【0071】配列番号:7
配列の長さ:113
                                                      配列の種類:ペプチド
配列の型:アミノ酸
                  配列
                 Asp Val Leu Met Thr Gln Thr Pro Leu Ser Leu Pro Val Asn Ile Gly
                  1
                 Asp Gln Ala Ser Ile Ser Cys Lys Ser Thr Lys Ser Leu Leu Asn Ser
                                                25
                                                                  30
                 Asp Gly Phe Thr Tyr Leu Gly Trp Cys Leu Gln Lys Pro Gly Gln Ser
```

```
(13)
                         23
                                                                             24
                  Pro Gln Leu Leu Ile Tyr Leu Val Ser Asn Arg Phe Ser Gly Val Pro
                      50
                                         55
                                                           60
                  Asp Arg Phe Ser Gly Ser Gly Ser Gly Thr Asp Phe Thr Leu Lys Ile
                                     70
                  Ser Arg Val Glu Ala Glu Asp Leu Gly Val Tyr Tyr Cys Phe Gln Ser
                  Asn Tyr Leu Pro Leu Thr Phe Gly Ser Gly Thr Lys Leu Glu Ile Lys
                                               105
                  Arg
                                                    *配列の種類:cDNA to mRNA
【0072】配列番号:8
                                                      起源
配列の長さ:339
                                                      マウス
                                                      配列の特徴:
                                                      特徴を決定した方法:E
トポロジー:直鎖状
                  配列
                  GAT GTT TTG ATG ACC CAA ACT CCA CTC TCT CTG CCT GTC AAT ATT GGA
                                                                                48
                  GAT CAA GCC TCT ATC TCT TGC AAG TCT ACT AAG AGC CTT CTG AAT AGT
                                                                                96
                  GAT GGA TTC ACT TAT TTG GGC TGG TGC CTG CAG AAG CCA GGC CAG TCT
                                                                                144
                  CCA CAG CTC CTA ATA TAT TTG GTT TCT AAT CGA TTT TCT GGA GTT CCA
                                                                                192
                  GAC AGG TTC AGT GGT AGT GGG TCA GGG ACA GAT TTC ACC CTC AAG ATC
                                                                                240
                  AGC AGA GTG GAG GCT GAG GAT TTG GGA GTT TAT TAT TGC TTC CAG AGT
                                                                                288
                  AAC TAT CTT CCT CTT ACG TTC GGA TCG GGG ACC AAG CTG GAA ATA AAA
                                                                                336
                                                                                339
【0073】配列番号:9
                                                    ※トポロジー:直鎖状
                                                      配列の種類:ペプチド
配列の長さ:116
                                                *
配列の型:アミノ酸
                  配列
                  Val Lys Leu Gln Glu Ser Gly Pro Glu Leu Val Lys Pro Gly Ala Ser
                                                   10
                  Val Lys Ile Ser Cys Lys Ala Ser Gly Tyr Ala Phe Ser Ser Trp
                                                25
                 Met Asn Trp Val Lys Gln Arg Pro Gly Lys Gly Leu Glu Trp Ile Gly
                                            40
                 Arg Ile Tyr Pro Val Asn Gly Asp Thr Asn Tyr Asn Gly Lys Phe Lys
                                        55
                 Gly Lys Ala Thr Leu Thr Ala Asp Lys Ser Ser Ser Thr Ala Tyr Met
                                                       75
                 Gln Leu Ser Ser Leu Thr Ser Glu Asp Ser Ala Val Tyr Phe Cys Ala
                 Thr Asp Gly Tyr Trp Tyr Phe Asp Val Trp Gly Gln Gly Thr Thr Val
                                               105
                            100
                 Thr Val Ser Ser
                         115
                                                    ★トポロジー:直鎖状
```

【0074】配列番号:10

配列の長さ:348 配列の型:核酸 鎖の数:二本鎖

配列の型:核酸 鎖の数:二本鎖

配列の種類:cDNA to mRNA

起源

★50 マウス

25

```
配列の特徴:
```

```
* *特徴を決定した方法:E
```

```
配列
GTG AAG CTG CAG GAG TCT GGA CCT GAG CTG GTG AAG CCT GGG GCC TCA
                                                                    48
GTG AAG ATT TCC TGC AAG GCT TCT GGC TAT GCA TTC AGT AGC TCC TGG
                                                                    96
ATG AAC TGG GTG AAA CAG AGG CCT GGG AAG GGT CTT GAG TGG ATT GGA
                                                                    144
CGG ATT TAT CCT GTA AAT GGA GAT ACT AAC TAC AAT GGG AAG TTC AAG
                                                                    192
GGC AAG GCC ACA CTG ACT GCA GAC AAA TCC TCC AGC ACA GCC TAC ATG
                                                                    240
CAA CTC AGC AGC CTG ACA TCT GAG GAC TCT GCG GTC TAC TTC TGT GCA
                                                                    288
ACC GAT GGT TAC TGG TAC TTC GAT GTC TGG GGC CAA GGG ACC ACG GTC
                                                                    336
ACC GTC TCC TCA
                                                                    348
```

【0075】配列番号:11

※トポロジー:直鎖状

配列の長さ:118

配列の種類:ペプチド

配列の型:アミノ酸

*

配列

 Val
 Gln
 Leu
 Gln
 Glu
 Ser
 Gly
 Pro
 Gly
 Leu
 Val
 Lys
 Pro
 Ser
 Gln
 Ser

 1
 5
 10
 15
 15

 Leu
 Ser
 Leu
 Thr
 Cys
 Ser
 Val
 Thr
 Gly
 Tyr
 Ser
 Ile
 Thr
 Ser
 Gly
 Tyr

 Tyr
 Trp
 Asn
 Trp
 Ile
 Arg
 Gln
 Phe
 Pro
 Gly
 Asn
 Lys
 Leu
 Glu
 Trp
 Met

 35
 40
 45
 45
 15
 16
 16
 17
 18
 18
 18
 18
 18
 18
 18
 18
 19
 18
 18
 19
 19
 19
 19
 18
 19
 19
 19
 19
 19
 19
 19
 19
 19
 19
 19
 19
 19
 19
 19
 19
 19
 19
 19
 19
 19
 19
 19
 19
 19
 19
 19
 19
 19<

Gly Tyr Ile Ser Tyr Asp Gly Ser Asn Asn Tyr Asn Pro Ser Leu Lys
50 55 60

Asn Arg Ile Ser Ile Thr Arg Asp Thr Ser Lys Asn Gln Phe Phe Leu 65 70 75 80

Lys Leu Asn Ser Val Thr Thr Glu Asp Thr Ala Thr Tyr Tyr Cys Ala 85 90 95

Val Tyr Tyr Asp Gly Ser Ser Phe Asp Tyr Trp Gly Gln Gly Thr 100 105 110

Thr Val Thr Val Ser Ser

115

【0076】配列番号:12

★配列の種類:cDNA to mRNA

起源 マウス

配列の型:核酸 鎖の数:二本鎖

配列の長さ:354

配列の特徴:

トポロジー:直鎖状

★ 特徴を決定した方法:E

配列

GTG CAG CTG CAG GAG TCT GGA CCT GGC CTC GTG AAA CCT TCT CAG TCT 48 CTG TCT CTC ACC TGC TCT GTC ACT GGC TAC TCC ATC ACC AGT GGT TAT 96 TAC TGG AAC TGG ATC CGG CAG TTT CCA GGA AAC AAA CTG GAA TGG ATG 144 GGC TAC ATA AGC TAC GAT GGT AGC AAT AAC TAC AAC CCA TCT CTC AAA 192 AAT CGA ATC TCC ATC ACT CGT GAC ACA TCT AAG AAC CAG TTT TTC CTG 240 AAG TTG AAT TCT GTG ACT ACT GAG GAC ACA GCC ACA TAT TAC TGT GCC 288 GTT TAT TAC TAC GAT GGT AGC TCT TTT GAC TAC TGG GGC CAA GGG ACC 336 ACG GTC ACC GTC TCC TCA 354

【0077】配列番号:13

☆トポロジー:直鎖状

配列の長さ:112

配列の種類:ペプチド

配列の型:アミノ酸

☆

配列

Asp IIe Val Leu Thr Gln Ser Pro Ala Ser Leu Ala Val Ser Leu Arg

1 5 10 15

```
(15)
                                                                            28
                         27
                  Gln Arg Ala Thr Ile Ser Cys Arg Ala Ser Glu Gly Val Asp Ser Tyr
                                                25
                  Gly Ile Ser Phe Met His Trp Tyr Gln Gln Lys Pro Gly Gln Pro Pro
                  Lys Leu Leu Ile Tyr Arg Ala Ser Tyr Leu Lys Ser Gly Val Pro Ala
                                        55
                  Arg Phe Ser Gly Ser Gly Ser Arg Thr Asp Phe Thr Leu Thr Ile Asp
                                                       75
                  65
                  Pro Val Glu Ala Asp Asp Ala Ala Thr Tyr Tyr Cys Gln Gln Asn Asn
                                                   90
                 Glu Asp Pro Trp Thr Phe Gly Gly Gly Thr Lys Leu Glu Ile Lys Arg
                             100
                                               105
【0078】配列番号:14
                                                    *配列の種類:cDNA to mRNA
配列の長さ:336
                                                      起源
                                                      マウス
配列の型:核酸
鎖の数:二本鎖
                                                      配列の特徴:
トポロジー:直鎖状
                                                      特徴を決定した方法:E
                  配列
                 GAC ATT GTG CTG ACC CAA TCT CCA GCT TCT TTG GCT GTG TCT CTA AGG
                                                                                48
                 CAG AGG GCC ACC ATA TCC TGC AGA GCC AGT GAA GGT GTT GAT AGT TAT
                                                                                96
                 GGC ATT AGT TTT ATG CAC TGG TAC CAG CAG AAA CCA GGA CAG CCA CCC
                                                                               144
                 AAA CTC CTC ATC TAT CGT GCA TCC TAC CTA AAA TCT GGG GTC CCT GCC
                                                                               192
                 AGG TTC AGT GGT AGT GGG TCT AGG ACA GAC TTC ACC CTC ACC ATT GAT
                                                                               240
                 CCT GTG GAG GCT GAT GAT GCT GCA ACC TAT TAC TGT CAG CAA AAT AAT
                                                                               288
                 GAG GAT CCG TGG ACG TTC GGT GGA GGC ACC AAG CTG GAA ATC AAA CGG
                                                                               336
【0079】配列番号:15
                                                   ※トポロジー:直鎖状
配列の長さ:117
                                                      配列の種類:ペプチド
配列の型:アミノ酸
                 配列
                 Val Gln Leu Gln Glu Ser Gly Ala Glu Pro Ala Lys Pro Gly Ala Ser
                 Val Lys Met Ser Cys Lys Ala Ser Gly Tyr Thr Phe Thr Thr Tyr Trp
                                               25
                 Met His Trp Val Lys Gln Arg Pro Gly Gln Gly Leu Glu Trp Ile Gly
                                            40
                 Tyr Ile Asn Pro Ser Ser Gly Tyr Thr Glu Tyr Asn Gln Lys Phe Lys
                                        55
                 Asp Lys Ala Thr Leu Thr Ala Asp Lys Ser Ser Ser Thr Ala Tyr Met
                                     70
                                                       75
                 Gln Leu Ile Ser Leu Thr Ser Glu Asp Ser Ala Val Tyr Tyr Cys Ala
                                                   90
                 Arg Arg Gly Asn Tyr Tyr Phe Asp Tyr Trp Gly Gln Gly Thr Thr
                            100
                                               105
                                                                 110
                 Val Thr Val Ser Ser
                         115
                                                   ★配列の種類:cDNA to mRNA
```

【0080】配列番号:16

配列の長さ:351

起源

配列の型:核酸 マウス 鎖の数:二本鎖 配列の特徴:

トポロジー:直鎖状 特徴を決定した方法:E

29

配列

CTG CAG CTG CAG GAG TCT GGG GCT GAA CCG GCA AAA CCT GGG GCC TCA 48 GTG AAG ATG TCC TGC AAG GCT TCT GGC TAC ACC TTT ACT ACC TAC TGG 96 ATG CAC TGG GTA AAA CAG AGG CCT GGA CAG GGT CTG GAA TGG ATT GGA 144 TAC ATT AAT CCT AGC AGT GGT TAT ACT GAG TAC AAT CAG AAG TTC AAG 192 GAC AAG GCC ACA TTG ACT GCA GAC AAA TCC TCC AGC ACA GCC TAC ATG 240 CAA CTA ATC AGC CTG ACA TCT GAG GAC TCT GCA GTC TAT TAC TGT GCA 288 AGA AGG GGT AAT TAC TAC TAC TTT GAC TAC TGG GGC CAA GGG ACC ACG 336 GTC ACC GTC TCC TCA 351

【0081】配列番号:17

*トポロジー:直鎖状

配列の種類:ペプチド

配列の長さ:105

*

配列の型:アミノ酸

配列

HL24

 Asp Val Leu Met Thr Gln Thr Pro Lys Phe Leu Pro Val Ser Ala Gly

 1
 5
 10
 15

 Asp Arg Val Thr Met Thr Cys Lys Ala Ser Gln Ser Val Gly Asn Asn 20
 25
 30

 Val Ala Trp Tyr Gln Gln Lys Pro Gly Gln Ser Pro Lys Leu Leu Ile

35 40 45

Tur Tur The Sor Aca Arg Tur The Cly Val Pro Aca Arg Pho The Cly

Tyr Tyr Thr Ser Asn Arg Tyr Thr Gly Val Pro Asp Arg Phe Thr Gly 50 55 60

Ser Gly Ser Gly Thr Asp Phe Thr Phe Thr Ile Ser Ser Val Gln Val 65 70 75 80

Glu Asp Leu Ala Val Tyr Phe Cys Gln Gln His Tyr Ser Ser Pro Tyr

85 90 95

Thr Phe Gly Ser Gly Thr Lys Leu Glu

100 105

【0082】配列番号:18

※配列の種類:cDNA to mRNA

起源

配列の長さ:315 配列の型:核酸

30 マウス

HILL AND THE ANDREAS

配列の特徴:

鎖の数:二本鎖

※ 特徴を決定した方法: E

トポロジー:直鎖状

配列

GAT GTT TTG ATG ACC CAA ACT CCA AAA TTC CTG CCT GTA TCA GCA GGA 48
GAC AGG GTT ACC ATG ACC TGC AAG GCC AGT CAG AGT GTG GGT AAT AAT 96
GTG GCC TGG TAC CAA CAG AAG CCA GGA CAG TCT CCT AAA CTG CTG ATA 144
TAC TAT ACA TCC AAT CGC TAC ACT GGA GTC CCT GAT CGC TTC ACT GGC 192
AGT GGA TCT GGG ACA GAT TTC ACT TTC ACC ATC AGC AGT GTG CAG GTT 240
GAA GAC CTG GCA GTT TAT TTC TGT CAG CAG CAT TAT AGC TCT CCG TAT 288
ACG TTC GGA TCG GGG ACC AAG CTG GAG 315

☆図である。

【図面の簡単な説明】

【図1】図1は、抗FasL抗体のVHの遺伝子及びV Lの遺伝子のPCR反応液のミニゲル電気泳動図であ エ

【図2】図2は、NOK4のVHの遺伝子のPCR生成物のミニゲル電気泳動図である。

【図3】図3は、プラスミドDNAのミニゲル電気泳動 ☆

【図4】図4は、モノクローナル抗体 $NOK1\sim5$ のVH領域(H鎖)のアミノ酸配列であり、四角の線で囲った箇所は、超可変領域($CDR1\sim3$)である。

【図5】図5は、モノクローナル抗体NOK1、2、4、5のVL領域(L鎖)のアミノ酸配列であり、四角の線で囲った箇所は、超可変領域(CDR1~3)であ

[図1]

[図2]

[図3]

[図2]

[図3]

【図4】

			Ç	CDR1	CDR2	
NOK1VH . amino	1: VQLQESGPELVI	KPGASVK ISCI	ASGYAFS	SSWMINWVKQRP	GKGLEWIGRIYPG	DGDTN 58
NOK2VH . amino	1: VQLQQSGAELVI	RPGTSVKMSCF	KAAGYTF—T	NYWIGWVKQRP	GHGLEWIGYLYPG	GLYTN 58
NOK3VH . amino	1: YKLQESGPELVI	KPGASVK ISCH	ASGYAFS	SSWMINWVKQRP	GKGLEWIGRIYPV	NGDTN 58
NOK4VH . amino	1: VQLQESGPGLVI	(PSQSLSLTCS	SVTGYSITSC	YYW-NWIRQFP	GNKLEWMG-YISY	DGSNN 58
NOK5VH . amino	1: VQLQESGAEPAI	KPGASVKMSCI	ASGYTFT	TYWMHWVKQRP	GQGLEWIGYINPS	SGYTE 58
	* ** **	* * *	**	* * *	* *** *	
					CDR3	
NOK1VH . amino	59: DNGKFKGKATL	radkssstay n	QLSSLTSED:	SAVYFCARSYY	YDGSPW-FTYWGQ	GTTVT 117
NOK2VH . amino	59:YNEKFKGKATLT	radtssstayn	QLSSLTSEDS	SAIYYCARYRD	YD-YAMDY WGQ	GTTVT 115
NOK3VH . amino	59:YNGKFKGKATL	radkssstayn	QLSSLTSED:	SAVYFCA-T	-DGY-WYFDYWGQ	GTTVT 113
NOK4VH . amino	59:YNPSLKNRISI	TRDTSKNQFFI	KLNSVTTED	TATYYCA-VYY	ydgssfdywgq	GTTVT 115
NOK5VH .amino	59:YNQKFKDKATLT	TADKSSSTAYN	QLISLTSEDS	SAVYYCARRGN	YYYFDY W GQ(GTTVT 114
	_	* * *	* * * **	* * **	***	****
NOK1VH . amino	118:YSS					120
NOK2VH . amino	116:VSS					118
NOK3VH .amino	114:VSS					116
NOK4VH .amino	116:YSS					118
NOK5VH .amino	115:VSS					117

【図5】

	CDR1	CDR2	
NOK1VL amino	1:DIQMTQSPSSLSASLGDRVTISQRASQDISNYLNWYQQKPDGTVKLLIY	YTSRLH	55
NOK2VL . amino	1:DVLMTQTPLSLPVNIGDQASISCKSTKSLLNSDGFTYLCWCLQKPGQSPQLLIY	LVSNRF	60
NOK4VL .amino	1:DIVLTQSPASLAVSLRQRATISQRASEGVDSY-GISFMHWYQQKPGQPPKLLIY	RASYLK	59
NOK5VL . amino	1:DVLMTQTPKFLPVSAGDRVTMTQKASQS-VG-NNVAWYQQKPGQSPKLLIY	YTSNRY	55
	* ** * * * * * ***	*	
	CDR3		
NOK1VL .amino	56: SGYPSRFSGSGSGTDYSLTISNLEPEDIATYFC-QQYSEFPWTFGGGTKLEIKR		108
NOK2VL .amino	61:SGVPDRFSGSGSGTDFTLKISRVBAEDLGVYYCFQSNY-LPLTFGSGTKLEIKR		113
NOK4VL .amino	60:SGVPARFSGSGSRTDFTLTIDPVEADDAATYYC-QQNNEDPWTFGGGTKLEIKR	·	112
NOK5VL . amino	56:TGVPDRFTGSGSGTDFTFTISSVQVEDLAVYFC-QQHYSSPYTFGSGTKLE		105

フロントページの続き

(72)発明者 奥村 康

東京都文京区本郷2-1-1 順天堂大学 医学部免疫学講座内 (72)発明者 中田 元巳

神奈川県横浜市栄区田谷町1番地 住友電 気工業株式会社横浜製作所内



MACHINE-ASSISTED TRANSLATION (MAT):

(19)【発行国】

日本国特許庁(JP)

(19)[ISSUINGCOUNTRY]

Japanese Patent Office (JP)

(12)【公報種別】

公開特許公報 (A)

Laid-open (Kokai) patent application number

(A)

(11)【公開番号】

特開平9-124509

(11)[UNEXAMINEDPATENTNUMBER]

Unexamined-Japanese-Patent 9-124509

(43)【公開日】

平成9年(1997)5月13

(43)[DATEOFFIRSTPUBLICATION]

May 13th, Heisei 9 (1997)

(54)【発明の名称】

肝炎治療剤

(54)[TITLE]

Hepatitis therapeutic agent

(51)【国際特許分類第6版】

A61K 39/395 ACS

C07K 14/47

16/18 **ZNA** (51)[IPC]

A61K39/395 ACS

C07K14/4716/18 ZNA

[FI]

ACS N A61K 39/395

C07K 14/47

16/18 **ZNA** [FI]

A61K39/395 **ACSN**

C07K14/4716/18 ZNA

【審査請求】 未請求 [EXAMINATIONREQUEST] UNREQUESTED

【請求項の数】 1 0 [NUMBEROFCLAIMS] Ten

【出願形態】 FD [Application form] FD

【全頁数】 1.8 [NUMBEROFPAGES] 18

(21)【出願番号】

特願平7-303491

(21)[APPLICATIONNUMBER]

Japanese-Patent-Application-No. 7-303491

(22)【出願日】

平成7年(1995)10月2 October 27th, Heisei 7 (1995)

(22)[DATEOFFILING]



7日

(71)【出願人】

(71)[PATENTEE/ASSIGNEE]

【識別番号】

000002130

[IDCODE] 000002130

【氏名又は名称】

住友電気工業株式会社

Sumitomo Electric Industries, Ltd.

【住所又は居所】

[ADDRESS]

大阪府大阪市中央区北浜四丁目 5番33号

(72)【発明者】

(72)[INVENTOR]

【氏名】 清野 研一郎 Kenichiro Seino

【住所又は居所】

東京都文京区本郷2-1-1

順天堂大学医学部免疫学講座内

(72)【発明者】

(72)[INVENTOR]

[ADDRESS]

【氏名】 榧垣 伸彦 Nobuhiko Kayagaki

【住所又は居所】

[ADDRESS]

東京都文京区本郷2-1-1 順天堂大学医学部免疫学講座内

(72)【発明者】

(72)[INVENTOR]

【氏名】 八木田 秀雄

Hideo Yagita

【住所又は居所】

[ADDRESS]

東京都文京区本郷2-1-1 順天堂大学医学部免疫学講座内

(72)【発明者】

(72)[INVENTOR]



【氏名】 奥村 康

Ko Okumura

【住所又は居所】

[ADDRESS]

東京都文京区本郷2-1-1 順天堂大学医学部免疫学講座内

(72)【発明者】

(72)[INVENTOR]

【氏名】 中田 元巳

Motomi Nakata

【住所又は居所】

[ADDRESS]

神奈川県横浜市栄区田谷町1番 地 住友電気工業株式会社横浜 製作所内

(74)【代理人】

(74)[PATENTAGENT]

【弁理士】

[PATENTATTORNEY]

【氏名又は名称】 西川 繁明

Shigeaki Nishikawa

(57)【要約】

(57)[SUMMARY]

【課題】

[SUBJECT]

肝炎の中でもアポトーシスによる肝細胞の死に起因して発症する肝炎の治療に特に効果的な肝 炎治療剤を提供すること。

Provide a hepatitis remedy especially effective for the treatment of the hepatitis which originates and develops the hepatocyte by apoptosis dies.

【解決手段】

[SOLUTION]

ヒトのFasリガンドに対する 抗体またはその活性フラグメントを有効成分として含有する肝 炎治療剤。また、該抗体の超可 変領域、可変領域を少なくとも 含む肝炎治療剤。 The hepatitis therapeutic agent which contains a human's antibody with respect to Fas ligand or its active fragment as an active ingredient.

Moreover, the hepatitis therapeutic agent which contains at least the hypervariable region of this antibody, and a variable region.

【特許請求の範囲】

[CLAIMS]



【請求項1】

ヒトのFasリガンドに対する 抗体またはその活性フラグメン トを有効成分として含有する肝 炎治療剤。

【請求項2】

ヒトのFasリガンドに対する 抗体またはその活性フラグメン トが、該Fasリガンドに特異 的に反応するモノクローナル抗 体またはその活性フラグメント である請求項1記載の肝炎治療 剤。

【請求項3】

Fasを発現している肝臓の細胞にFasリガンドが結合することにより引き起こされる肝臓のアポトーシスを抑制する請求項1または2記載の肝炎治療剤。

【請求項4】

血中のGOT及びGTPの値を 改善することにより、肝臓の機 能を改善する請求項1または2 記載の肝炎治療剤。

【請求項5】

ヒトのFasリガンドに対する 抗体の活性フラグメントが、F(ab') $_2$ 、Fab'、Fab、Fv、及び組換えFv体か らなる群より選ばれる少なくと も1種である請求項1または2 記載の肝炎治療剤。

【請求項6】

ヒトのFasリガンドに特異的 に反応するモノクローナル抗体

[CLAIM 1]

The hepatitis therapeutic agent which contains a human's antibody with respect to Fas ligand or its active fragment as an active ingredient.

[CLAIM 2]

The hepatitis therapeutic agent of Claim 1 which is the monoclonal antibody to which a human's antibody with respect to Fas ligand or its active fragment reacts to this Fas ligand specifically, or its active fragment.

[CLAIM 3]

The hepatitis therapeutic agent of Claims 1 or 2 which suppress apoptosis of the liver caused when Fas ligand connects into the cell of the liver which is expressing Fas.

[CLAIM 4]

The hepatitis therapeutic agent of Claims 1 or 2 which improve the function of a liver by improving the blood value of GOT and GTP.

ICLAIM 51

The hepatitis therapeutic agent of Claims 1 or 2 whose active fragments of the antibody with respect to a human's Fas ligand are at least one kind chosen out of the group consisting of F(ab') 2, Fab', Fab and Fv, and recombinant Fv body.

[CLAIM 6]

The hepatitis remedy of Claim 2 which is the monoclonal antibody by which the monoclonal antibody which reacts to a human's Fas ligand



が、工業技術院生命工学工業技 術研究所に受託番号FERM BP-5044、FERM B P-5045、FERM BP-5047、及びFERM BP-5047、及びFERM BP-5047、及びFERM BP-5047、として寄託されている各ハイブリドーマ細胞株のいずれか一つから産生されるモノクローナル抗体である請求項2 記載の肝炎治療剤。

specifically is produced from any one of each hybridoma cell strains deposited to the Agency of Industrial Science and Technology National Institute of Bioscience and Human-Technology as FERM(acceptance number) BP-5044, FERM BP-5045, FERM BP-5046, FERM BP-5047, and FERM BP-5048.

【請求項7】

ヒトのFasリガンドに対する 抗体またはその活性フラグメン トが、ヒトのFasリガンドに 特異的に反応するモノクローナ ル抗体のH鎖及び/またはL鎖 の可変領域を含むキメラ抗体分 子である請求項1記載の肝炎治 療剤。

【請求項8】

キメラ抗体分子が、人体適用化 キメラ抗体(ヒト型化抗体)で ある請求項7記載の肝炎治療 剤。

【請求項9】

キメラ抗体分子が、工業技術院 生命工学工業技術研究所に受託 番号FERM BP - 504BP - 5044、FERM 5, FERM BP - 5046, FERM BP - 5047、及びFERM BP-50 48として寄託されている各ハ イブリドーマ細胞株のいずれか 一つから産生されるモノクロー ナル抗体のそれぞれの超可変領 域のアミノ酸配列を少なくとも 含むものである請求項7記載の

[CLAIM 7]

The hepatitis therapeutic agent of Claim 1 which is a chimera antibody molecule containing the variable region of the heavy chain of the monoclonal antibody to which a human's antibody with respect to Fas ligand or its active fragment reacts to a human's Fas ligand specifically, and/or L chain.

[CLAIM 8]

The hepatitis therapeutic agent of Claim 7 whose chimera antibody molecule is a human-body application-ized chimera antibody (human-type-ized antibody).

[CLAIM 9]

The hepatitis remedy of Claim 7 which is that which contains at least the amino acid sequence of each hypervariable region of the monoclonal antibody by which a chimera antibody molecule is produced from any one of each hybridoma cell strains deposited to the Agency of Industrial Science and Technology National Institute of Bioscience and Human-Technology as FERM(acceptance number) BP-5044, FERM BP-5045, FERM BP-5046, FERM BP-5047, and FERM BP-5048.



肝炎治療剤。

【請求項10】

キメラ抗体分子が、工業技術院 生命工学工業技術研究所に受託 BP - 504番号FERM BP - 5044, FERM BP - 5045, FERM 6 FERM BP - 5047、及びFERM BP-50 48として寄託されている各ハ イブリドーマ細胞株のいずれか 一つから産生されるモノクロー ナル抗体の可変領域のアミノ酸 配列を少なくとも含むものであ る請求項7記載の肝炎治療剤。

【発明の詳細な説明】

[0001]

【発明の属する技術分野】 本発明は、肝炎の治療剤

本発明は、肝炎の治療剤に関 を発明は、肝炎の治療剤に関 に詳しくは、FasL といずのには、FasL と略記することがあるしてライントではないが活性で含本発力として含本発剤に関 肝炎治療剤は、肝炎の中での死に があるになるによる肝炎の中の死に がある。 を有効成分として。 を有効に関する。 を有別による所炎の中の死に に効果的である。

[0002]

【従来の技術】

多細胞生物は、その恒常性を保 つため、細胞の増殖と死を巧妙 にコントロールしている。個体

[CLAIM 10]

The hepatitis remedy of Claim 7 which is that which contains at least the amino acid sequence of the variable region of the monoclonal antibody by which a chimera antibody molecule is produced from any one of each hybridoma cell strains deposited to the Agency of Industrial Science and Technology National Institute of Bioscience and Human-Technology as FERM(acceptance number) BP-5044, FERM BP-5045, FERM BP-5046, FERM BP-5047, and FERM BP-5048.

[DETAILED DESCRIPTION OF INVENTION]

[0001]

[TECHNICAL FIELD]

This invention relates to the hepatitis remedy specifically which contains a human's antibody with respect to Fas ligand (it may abbreviate as FasL hereafter) or its active fragment as an active ingredient, about the remedy of a hepatitis.

The hepatitis therapeutic agent of this invention is effective for in particular the treatment of the hepatitis which is originated and developed by the hepatic cell by apoptosis of a hepatitis dies.

[0002]

[PRIOR ART]

The multicellular organism has controlled propagation and the death of a cell skillfully, in order to maintain the homeostasis.



発生の過程では、多くの細胞が 細胞死によって除去される。成 体においても、臓器を構成する 細胞は、常に増殖と死のバラン スを保ちながら、その機能を維 持している。このような細胞死 は、予め予定された死であり、 プログラム細胞死(progr ammed cell dea th)とよばれている。これに 対して、物理的または化学的要 因によって引き起こされる死 は、不慮の死(acciden tal c e l l deat h)とよばれ、プログラム細胞 死と区別されている。

[0003]

これら2つの死は、その過程が 異なっている。プログラム細胞 死では、細胞容積の縮小、核網 状構造の消失と凝縮、細胞表面 の微絨毛の消失及び水泡形成、 そして、それらに続くアポトー シス小体(apoptotic body) の形成などの形態学 的な特徴によって定義されるア ポトーシスの過程を経て細胞が 死ぬと考えられている。アポト ーシスでは、殆どの場合、染色 体DNAの断片化反応を伴う。 これに対して、不慮の死では、 細胞や核が膨潤し、破壊するネ クローシスの過程を経て死ぬと 考えられている。

[0004]

ところが、抗癌剤や放射線による細胞死、ウイルス感染による 細胞死、あるいは細胞障害性リ ンパ細胞による標的細胞の死な どは、決してプログラム細胞死 In an organism generating process, a cell death removes many cell.

Also in an adult creature, the cell which comprises an organ is maintaining an its function, always maintaining propagation and the balance of death.

Such a cell death is death planned previously. It is called the program cell death (programmed cell death).

On the other hand, it is called physical or death (accidental cell death) unexpected in the death caused by the chemical factor, and it distinguishes with the program cell death.

[0003]

As for the death of these two, the process differs.

It is considered that a cell dies of a program cell death through the process of the apoptosis which the morphological characteristics, such as reduction of a cell volume, a loss of a nucleus network structure, condensation and a loss of the microvillus on the surface of a cell, the blister formation, and the formation of the apoptosis corpuscle (apoptotic body) which follows them, define.

In almost all cases, fragmentation reaction of chromosome DNA is accompanied in apoptosis. On the other hand, a cell and a nucleus swell in unexpected death.

It is considered that it dies through the process of necrosis to destroy.

[0004]

However, nevertheless, the cell death by the anticancer agent or the radiant flux, the cell death by virus infection, or the death of the target cell by the cytotoxic lymph cell, which is never considered to be a program cell death, understands that goes through the process of



であるとは考えられないにもか apoptosis. かわらず、アポトーシスの過程 を経ることが分かってきた。こ のことから、現在では、アポト ーシスとプログラム細胞死は、 必ずしも同一ではないと考えら れるに至り、両者は、区別され るようになっている。

[0005]

アポトーシスを誘導する要因ま たは物質として、現在、多くの ものが知られている。Fas(F a s 抗原) は、アポトーシスを 媒介する細胞表面タンパク質と して知られている。Fasは、 細胞に死のシグナルを伝える細 胞表面タンパク質として単離さ れたもので、TNF/NGF受 容体ファミリーに属する分子量 45KdaのI型細胞膜貫通型 タンパク質である。TNF/N GF受容体ファミリーのメンバ ーは、その殆どがそれぞれ特異 的なリガンドに対する受容体で あると考えられている。Fas も、アポトーシスのシグナルを 媒介するリガンドに対する受容 体と考えられている。Fasを 発現している細胞は、Fasが そのリガンドであるFasリガ ンドと結合することにより、ア ポトーシスのスイッチが入り、 死にいたる。

[0006]

Fasリガンドは、Fasの生 理的リガンドであり、分子量4 OKdaの細胞表面タンパク質 である。Fasリガンドは、そ の構造から、TNFファミリー であることが分かっている。 F

From these, currently then, it comes to consider that apoptosis and a program cell death are not necessarily the same, and both distinguish.

[0005]

It makes as the factor or the substance which induces apoptosis, and many thing is known currently.

Fas (Fas antigen) is known as cell surface protein which carries apoptosis.

Fas was isolated as cell surface protein which transmits the signal of death to a cell. It is I type cytoplasmic-membrane penetration type protein of molecular-weight 45Kda belonging to a TNF/NGF receptor family.

The member of a TNF/NGF receptor family is considered that the most is a receptor with respect to a respectively specific ligand.

Fas is also considered to be a receptor with respect to the ligand which carries the signal of apoptosis.

By connecting with Fas ligand whose Fas is the ligand, the switch of apoptosis is turned on and the cell which is expressing Fas dies and results.

[0006]

Fas ligand is a physiological ligand of Fas.

It is cell surface protein of molecular-weight 40Kda.

The structure shows that Fas ligand is TNF family.

Fas ligand has the activity which induces apoptosis to the cell which is expressing Fas.



asリガンドは、Fasを発現 している細胞にアポトーシスを 誘導する活性を有している。F asとFasリガンドの系(す なわち、Fasシステム)は、 アポトーシスに関して、現在ま でに最も研究が進展している分 野であり、多くの研究報告がな されている。例えば、Fasが アポトーシスのスイッチの役割 を果たすことは、米原らの抗F a s 抗体の作製に関する論文 (J. Exp. Med., vo l. 169, p. 1747-1756, 1989年) にまでさ かのぼることができる。その 後、Fas遺伝子のクローニン グにより、Fasの構造が明ら かにされている(Cell v ol. 66. p. 233-243,1991年)。さらに、エ イズ原因ウイルスHIV感染T 細胞に、Fasが発現している こと (Proc. Natl. A cad. Sci., USA, v ol. 87, p. 9620-9624, 1990年)、抗Fa s 抗体 (J o - 2 抗体) をマウ スに投与すれば、マウスは激症 肝炎に似た現象を起こして死ぬ こと (Nature vol. 364. P806-809, 1 993年)等が報告されてい る。この他にも種々の研究報告 がなされ、これらについては実 験医学vol. 11, No. 1 7,1993年の「アポトーシ スー細胞死の構造ー」羊土社 版、及び実験医学vol. 13, No. 16, 1995年の「ア ポトーシス研究の最前線ーシグ

ナル伝達構造から疾患まで」羊

The system (that is, Fas system) of Fas and Fas ligand is related with apoptosis.

It is the field in which research is progressing to until most currently.

Many research report is made.

For example, that Fas does the role of the switch of apoptosis can go back even to the paper (J. Exp.Med., vol.169, p.1747-1756, 1989) about preparation of the anti- Fas antibody by Yonehara.

After that, the cloning of Fas gene clarifies the structure of Fas (Cell vol.66.p.233-243, 1991).

Furthermore, the thing which Fas is expressing to the AIDS causative-virus HIV infection T cell (Proc.Natl.Acad. Sci., USA, vol. 87, p.9620-9624, 1990), If an anti- Fas antibody (Jo-2 antibody) is administered to a mouse, a mouse generating the phenomenon similar to the fulminant hepatitis, and dying (Nature vol.364.P 806-809, 1993) etc. is reported.

In addition various research reports are made and these are summarized into below in detail. Experimental-medicine vol.11, No.17, the "structure of an apoptosis -cell death]-" Yodosha version in 1993, And experimental-medicine vol.13, No.16, the Yodosha version "from the forefront of apoptosis research -signal-transduction structure to the disease" in 1995.



土社版に詳しくまとめられてい る。

[0007]

- (1)慢性肝炎において、活動性の指標となるpiecemeal necrosis (削りとり壊死)は、門脈域周囲で認められるが、この領域で起こる細胞死の全体がネクローシスではなくてアポトーシスである。
- (2) ウイルス性肝炎における 細胞障害機序については、細胞 性免疫が重要な役割をもってい る。ウイルス抗原が感染肝細胞 内でプロセスされた後、HLA クラスIによって肝細胞表面に 提示され、これをCTLが認識 し傷害する。
- (3) 肝炎ウイルスによる肝細胞障害に、Fasシステムを介したアポトーシスが関与している可能性が考えられる。すなわち、肝浸潤リンパ球がFasリガンドを発現し、Fas抗原を発現している肝細胞にアポトーシスを誘導するという可能性である。

[0008]

[0007]

About the liver, various reports are made besides fulminant-hepatitis onset of the mouse by above-mentioned anti- Fas antibody (Jo-2 antibody) administration.

These content of a report is collected as a paper to be entitled "a hepatitis and apoptosis" in experimental-medicine vol.13, No.16, p.200-204, and 1995.

According to this literature, it is related with a hepatitis and followings have become clear.

(1)

Chronic hepatitis.

WHEREIN, piecemeal used as the active index necrosis (it shaves off and necroses) observes in the surroundings of a portal-vein region.

However, the whole cell death which occurs in this region is not necrosis but apoptosis.

(2)

About the cell-damage mechanism in the viral hepatitis, the cellular immunity has the important role.

It is presented to a hepatic-cell surface by HLA class I after carrying out the process of the virus antigen by infection liver intracellular.

CTL recognizes and carries out the injury of this.

(3)

Possibility that the apoptosis which is through liver Fas system by the hepatitis virus is involving can be considered.

That is, it is possibility that a liver infiltration lymphocyte expresses Fas ligand, apoptosis being induced to the hepatic cell which is expressing Fas antigen.

[8000]



(4) 抗Fas抗体(マウスモノクローナル抗体、IgM分画)を用いた免疫組織学的な手法により、B型及びC型肝炎組織におけるFas抗原の発現についての検討が行われた結果、B型及びC型肝炎組織におけるFas抗原の発現と肝炎の活動性が相関することが分かった。

(5) C型慢性肝炎において、 肝内に浸潤している単核球は、 Fas抗原を発現している肝細 胞にアポトーシスを誘導可能な Fasリガンドを表出している ことを意味し、肝細胞障害機序 にFasシステムを介したアポトーシスが関与することを示唆 するものである。

このように、ウイルス性肝炎では、B型及びC型を問わずFas抗原が高発現していることが分かる。しかしながら、Fasリガンド誘導の機序については、細胞内のシグナルなど不明な点も多く、今後の研究課題として残されているのが現状である。

[0009]

【発明が解決しようとする課 題】

本発明の目的は、肝炎の中でもアポトーシスによる肝細胞の死に起因して発症する肝炎の治療に特に効果的な肝炎治療剤を提供することにある。前述したように、肝臓における劇症肝炎やウイルス性肝炎では、その発症において、FasとFasリガンドの系(Fasシステム)が

(4)

By the immune-tissue study-procedure using the anti- Fas antibody (a mouse monoclonal antibody, IgM fraction), study about an expression of Fas antigen in a B type and a hepatitis-C tissue was performed.

It was found that an expression of Fas antigen in a B type and a hepatitis-C tissue and the activity of a hepatitis correlate as a result.

Chronic hepatitis C.

WHEREIN, it implies that the mononuclear leukocyte currently infiltrated in a liver has expressed Fas ligand which can induce apoptosis to the hepatocyte which is expressing Fas antigen. It suggests that for liver cell-damage the apoptosis which is through Fas system involves.

Thus, in the viral hepatitis, it turns out that Fas antigen is carrying out a high expression regardless of a B type and a C type.

However, there are also many unknown points, such as the signal of intracellular, about the mechanism of Fas ligand inducing, and remaining as a future research subject is the present condition.

[0009]

[PROBLEM ADDRESSED]

Objective of the invention is to provide a hepatitis remedy especially effective for the treatment of the hepatitis which is originated and developed the hepatocyte by apoptosis of a hepatitis dies.

At the fulminant hepatitis in a liver as mentioned above and the viral hepatitis, in the onset

WHEREIN, the system (Fas system) of Fas and Fas ligand considered whether not to involve in a certain form, and these inventors examined earnestly using the antibody with respect to Fas



何らかの形で関与しているので はないかと考え、本発明者たち は、Fasリガンドに対する抗 体を用いて鋭意検討を行った結 果、in vitroの実験系 において、Fasリガンドが肝 細胞に障害を与えること、さら には、この障害は、抗Fasリ ガンド抗体により阻止できるこ とを見出した。また、Fasリ ガンドに対する抗体が肝炎の発 症を抑制することができるとい う新規な知見を得た。そして、 この抗体を有効成分とする製剤 が、ウイルス性肝炎などの肝疾 患に対する治療薬(抗肝炎剤) として有用であることを見出し た。本発明は、これらの知見に 基づいて完成するに至ったもの である。

[0010]

【課題を解決するための手段】 本発明によれば、ヒトのFas リガンドに対する抗体またはそ の活性フラグメントを有効成分 として含有する肝炎治療剤が提 供される。また、本発明によれ ば、以下のような好ましい実施 態様が提供される。

- 1. ヒトのFasリガンドに 対する抗体またはその活性フラ グメントが、該Fasリガンド に特異的に反応するモノクロー ナル抗体またはその活性フラグ メントである前記の肝炎治療 剤。
- 2. Fasを発現している肝臓の細胞にFasリガンドが結合することにより引き起こされ

ligand.

As a result, in Experiment system of vitro WHEREIN, it discovered further that Fas ligand does damage to a hepatic cell, and that this damage could be blocked by the anti- Fas ligand antibody.

Moreover, the novel findings that the antibody with respect to Fas ligand could suppress the onset of a hepatitis were obtained.

And, the formulation which make this antibody an active ingredient discovered that it was useful as therapeutic agent (anti- hepatitis agent) with respect to hepatic disorders, such as the viral hepatitis.

This invention came to complete based on these findings.

[0010]

[SOLUTION OF THE INVENTION]

According to this invention, the hepatitis remedy which contains a human's antibody with respect to Fas ligand or its active fragment as an active ingredient is provided.

Moreover, according to this invention, the following preferable embodiments are provided.

- 1. The above-mentioned hepatitis therapeutic agent which is monoclonal antibody to which human's antibody with respect to Fas ligand or its active fragment reacts to this Fas ligand specifically, or its active fragment.
- 2. The above-mentioned hepatitis therapeutic agent which suppresses apoptosis of liver caused when Fas ligand connects into cell of liver which is expressing Fas.
- 3. The above-mentioned hepatitis therapeutic agent which improves function of liver by improving blood value of GOT and GTP.



る肝臓のアポトーシスを抑制する前記の肝炎治療剤。

3. 血中のGOT及びGTP の値を改善することにより、肝 臓の機能を改善する前記の肝炎 治療剤。

[0011]

- 4. ヒトのFasリガンドに対する抗体の活性フラグメントが、 $F(ab')_2$ 、Fab'、Fab、Fv、及び組換えFv体からなる群より選ばれる少なくとも1種である前記の肝炎治療剤。
- 5. ヒトのFasリガンドに 特異的に反応するモノクローナル抗体が、工業技術院生命工学 工業技術研究所に受託番号FE RM BP-5044、FER MBP-5046、FERM BP-5046、FERM B P-5047、及びFERM BP-5048として寄託的 BP-5048として寄託れている各ハイブリドーマ細胞れていずれか一つから産生さ前に のいずれか一つから産生さ前に の肝炎治療剤。
- 6. 前記モノクローナル抗体 の超可変領域を少なくとも含む キメラ抗体分子である肝炎治療 剤。
- 7. 前記モノクローナル抗体 の可変領域を少なくとも含むキ メラ抗体分子である肝炎治療 剤。

[0012]

【発明の実施の形態】 本発明の肝炎治療剤の有効成分

[0011]

- 4. The above-mentioned hepatitis therapeutic agent whose active fragment of antibody with respect to human's Fas ligand is at least one kind chosen out of group consisting of F(ab') 2, Fab', Fab and Fv, and recombinant Fv body.
- 5. The above-mentioned hepatitis remedy which is monoclonal antibody by which monoclonal antibody which reacts to human's Fas ligand specifically is produced from any one of each hybridoma cell strains deposited to Agency of Industrial Science and Technology National Institute of Bioscience and Human-Technology as FERM(acceptance number) BP-5044, FERMBP-5045, FERM BP-5046, FERM BP-5047, and FERM BP-5048.
- 6. Hepatitis therapeutic agent which is chimera antibody molecule which contains at least hypervariable region of above-mentioned monoclonal antibody.
- 7. Hepatitis therapeutic agent which is chimera antibody molecule which contains at least variable region of above-mentioned monoclonal antibody.

[0012]

[Embodiment]

The antibody (that is, anti- FasL antibody) with respect to Fas ligand used as an active



として使用されるFasリガン ドに対する抗体(すなわち、抗 FasL抗体)は、細胞表面分 子であるFasリガンド、及び マトリックスメタロプロテアー ゼにより分解されて細胞培養上 清液や生体の体液中に存在する 可溶性Fasリガンド(sFa s L)を認識する抗体である。 Fasリガンドに対する抗体と しては、Fasリガンドに特異 的に反応するモノクローナル抗 体が好ましい。さらには、Fa sリガンドとFasとの結合を 阻害することができる抗体がよ り好ましい。このようなモノク ローナル抗体は、例えば、次の ような方法により得ることがで きる。

(1)動物(例、マウスなどの 齧歯類動物)を、Fasリガン ドを発現させたCOS細胞で免 疫感作する。ただし、動物とし ては、Fasの機能を欠損した ものを選ぶ。

[0013]

(2) この免疫感作した動物から抗体産生細胞を調製して、を の懸濁液を形成する。主として、脾臓細胞やリンパ節細胞を 用いるが、末梢リンパ球を用いてもよい。脾臓細胞を使用する 場合には、この免疫感作した齧 歯類動物から脾臓を摘出して、 脾細胞の懸濁液を形成する。

(3) 該抗体産生細胞の懸濁液をミエローマ細胞と混合して両細胞を融合する。例えば、該脾細胞の懸濁液をマウスのミエローマ細胞と融合促進剤(例、ポリエチレングリコール)の存在

ingredient of the hepatitis therapeutic agent of this invention is an antibody which recognizes Fas ligand which is a cell surface molecule, and soluble Fas ligand (sFasL) which is decomposed by the matrix metalloprotease and exists in a cell-culture supernatant liquid or the body fluid of a living body.

The monoclonal antibody which reacts to Fas ligand specifically as an antibody with respect to Fas ligand is preferable.

Furthermore, the antibody which can obstruct a connection with Fas ligand and Fas is more preferable.

Such a monoclonal antibody can be obtained by the following methods, for example.

[0013]

(1)

The immunity sensitization of the animal (rodent animals, such as an example and a mouse) is carried out in COS cell which made Fas ligand express.

However, as an animal, that which was a loss lacking in the function of Fas is chosen.

(2)

An antibody producing cell is prepared from this animal that carried out the immunity sensitization.

The suspension is formed.

Spleen cell and a lymph-node cell are mainly used.

However, a peripheral lymphocyte may be used.

In using spleen cell, it extracts spleen from this rodent animal that carried out the immunity sensitization.

The suspension of a spleen cell is formed.

(3)

The suspension of this antibody producing cell is mixed with a myeloma cell, and a both cell is united.



下で混合して両細胞を融合す る。電気的処理により細胞融合 させることもできる。ここで用 いるミエローマ細胞としては、 次の選択培養において、抗体産 生細胞と識別可能なもの(例、 8-アザグアニン耐性株)を用 いる。

For example, the suspension of this spleen cell is mixed in the presence of the myeloma cell and the fusion promoter (the example, polyethyleneglycol) of a mouse, and a both cell is united.

A cell fusion can be carried out by electric process.

As a myeloma cell used here, in the following selective culture

WHEREIN, a thing discriminable from an antibody producing cell is used (an example, 8azaguanine resistant stock).

[0014]

(4) 融合した細胞を未融合の ミエローマ細胞を支持しない媒 質中で希釈して培養し、抗体産 生細胞とミエローマ細胞とが融 合したハイブリドーマを選別す る。すなわち、抗体産生細胞は 生存できるが、ミエローマ細胞 は死滅する選択倍地中で培養し て、抗体産生細胞とミエローマ 細胞が融合したハイブリドーマ を選別する。選択培地として は、例えば、8-アザグアニン 耐性ミエローマ細胞を用いた場 合には、一般に、HAT培地(す なわち、ヒポキサンチンーアミ ノプテリンーチミジン培地)を 用いる。

(5) ハイブリドーマを含有す る培養上清液分泌されている抗 体が、Fasリガンドを発現さ せたCOS細胞の上清中に存在 するFasリガンドによるFa s発現細胞への攻撃を阻害する ことを指標にして、所望の抗原 に対するものか否かを決定す

る。

[0015]

(6) 所望の抗体を分泌してい (6)

[0014]

(4)

It dilutes and cultivates in the medium which does not support the myeloma cell whose united cell is not united.

The hybridoma which the antibody producing cell and the myeloma cell united is selected.

That is, an antibody producing cell can

However, a myeloma cell is cultivated in the selection times underground which becomes

The hybridoma which the antibody producing cell and the myeloma cell united is selected.

When as a selective medium, for example, a 8-azaguanine resistant myeloma cell is used. HAT culture medium (that is, hypoxanthineaminopterin- thymidine culture medium) is used generally.

(5)

The antibody containing a hybridoma by which culture supernatant-liquid secretion make it the index to obstruct the attack to Fas expression cell by Fas ligand which exists in the supernatant liquid of COS cell which made Fas ligand express.

It determines whether to be a thing with respect to a desired antigen.

[0015]

The cell group in the culture well in which the



る細胞が存在する培養ウェル中 の細胞群をクローニングする。 クローニングは、通常、限界希 釈法により行う。

- (7) 所望の抗体を分泌しているクローンを選択する。
- (8) 再度クローニングを行って、所望の抗原に対するモノクローナル抗体を分泌しているハイブリドーマクローンを樹立する。
- (9) このハイブリドーマの培養上清液、あるいは該ハイブリドーマをマウス(例、ヌードマウス) 腹腔内に投与して得られた腹水中からモノクローナル抗体を調製する。

[0016]

本発明の肝炎治療剤の有効成分 として使用するモノクローナル 抗体としては、例えば、工業技 術院生命工学工業技術研究所に 受託番号FERM BP-50 44 (ハイブリドーマNOK 1), FERM BP-5045 (ハイブリドーマNOK2)、 FERM BP-5046 (ハ イブリドーマNOK3)、FE RMBP-5047 (ハイブリ ドーマNOK4)、及びFER M BP-5048 (ハイブリ ドーマNOK5)として寄託さ れている各ハイブリドーマ細胞 株から産生される各モノクロー ナル抗体(NOK1~5)を挙 げることができる。

[0017]

ヒトのFasリガンドに対する 抗体は、免疫グロブリンであ る。ヒトのFasリガンドに特 cell which is secreting a desired antibody exists is cloned.

A cloning is usually performed with a threshold dilution method.

(7)

The clone which is secreting a desired antibody is selected.

(8)

It clones again and the hybridoma clone which is secreting the monoclonal antibody with respect to a desired antigen is established.

(9)

A monoclonal antibody is prepared out of the abdominal dropsy which administers the culture supernatant liquid of this hybridoma, or this hybridoma to mouse (example, nude mouse) intraperitoneal, and was obtained.

[0016]

As a monoclonal antibody used as an active ingredient of the hepatitis therapeutic agent of this invention For example, it is acceptancenumber FERM to the Agency of Industrial Science and Technology National Institute of Bioscience and Human-Technology 5044 (hybridoma NOK 1), FERM BP-5045 (hybridoma NOK 2), FERM BP-5046 (hybridoma NOK 3), FERMBP-5047 (hybridoma NOK 4), And FERM BP-5048 (hybridoma NOK 5). Each monoclonal antibody (NOK 1-5) produced from each hybridoma cell strain these-deposited can be mentioned.

[0017]

The antibody with respect to a human's Fas ligand is an immunoglobulin.

The monoclonal antibody which reacts to a human's Fas ligand specifically is a uniform



異的に反応するモノクローナル 抗体は、均一な免疫グロフリン であり、例えば、(1) I g M の クラスに属し、L鎖のサブカラスに属し、L鎖が κ でクラスに属し、L鎖が κ でクラスに属し、L鎖が κ がでクラもに属し、L鎖が κ がでクラもに、L鎖が κ がであるスのなどが存在する。

[0018]

Fasリガンドに対する抗体の 活性フラグメントは、抗Fas リガンド抗体の有する抗原抗体 反応活性を有する免疫グロブリ ンのフラグメントを意味する。 このような活性フラグメントと しては、具体的には、F(a b')₂, Fab', Fab, Fv、及び組換えFv体などが ある。これらの活性フラグメン トは、免疫グロブリン(抗Fa s L抗体)から常法により調製 することができる。例えば、F (a b') ₂フラグメントは、 免疫グロブリンIgGをペプシ ンを用いて消化することにより 得ることができる。Fab′フ ラグメントは、 $F(ab')_2$ フラグメントを2ーメルカプト エタノールなどの試薬で還元し て、モノヨード酢酸でアルキル 化することにより得ることがで きる。Fabのフラグメント は、IgGをパパイン消化する ことにより得ることができる。 Fvフラグメントは、H鎖可変 部(V」)とL鎖可変部(V」) を非共役結合で結合して得られ る。組換えFv体は、例えば、

immunoglobulin.

For example, it belongs to the class of (1) IgM, it belongs to the subclass of that whose L chain is a chain (kappa), and (2)IgG2a, and it belongs to that whose L chain is (kappa), and the subclass of (3) IgG1.

L chain belongs to that which is a chain (kappa), and the subclass of (4) IgG3, and that whose L chain is a chain (kappa) exists.

[0018]

The active fragment of the antibody with respect to Fas ligand means the fragment of the immunoglobulin which has the antigenantibody-reaction activity which an anti- Fas ligand antibody has.

As such an active fragment, there are F(ab') 2, Fab', Fab and Fv, recombinant Fv body, etc. specifically.

These active fragments can be prepared by the conventional method from an immunoglobulin (anti- FasL antibody).

For example, F(ab') 2 fragment can be obtained by digesting an immunoglobulin IgG using pepsin.

Fab' fragment can reduce F(ab') 2 fragment with reagents, such as 2-mercaptoethanol, and can obtain it by alkylating by mono iodoacetic acid.

The fragment of Fab can be obtained by carrying out papain digestion of the IgG.

Fv fragment connects a heavy-chain variable region (VH) and a L-chain variable region (VL) by nonconjugated connection, and is obtained. As for recombinant Fv body, the sequence of DNA is carried out about the gene which hits the variable region of the heavy chain of an antibody, and L chain from the hybridoma which produces a monoclonal antibody, for example, and

The base sequence which codes a heavychain variable region (VH) and a L-chain variable region (VL) is determined, and then, these DNA fragments can be integrated in a



モノクローナル抗体を産生する のイブリドーマかにあたった。 のでいてのののでは、 のでのでのでは、 のでのでででは、 のでででは、 のででは、 のででは、 ののででは、 ののでは、 のののでは、 ののでは、 のので、

vector and it can obtain by making cells, such as an Escherichia coli and an animal cell, produce the monovalent antibody active fragment which has VH-Linker-VL structure.

[0019]

本発明の実施例で使用したSC IDマウスは、ヒトの細胞を移 植することができる動物として 有名である。このSCIDマウ スは、1983年にBosma らにより、成熟したリンパ球(T 細胞及びB細胞)を全くもたな い免疫不全ミュータントマウス として発見されたマウスである (Nature, vol. 30 1, p. 527-530, 19 83)。このマウスは、ヒトの 重症複合免疫不全症(SCI D) と同様の病態を呈する。こ のSCIDマウスにヒトの自己 免疫疾患症である原発性胆汁性 肝硬変症SLE、自己免疫性甲 状腺炎等の患者のリンパ球やリ ンパ組織を移入し、病象の再現 を試みる動きがある。これら は、J. Exp. Med., v ol. 170, p. 1919-1930, 1989, J. Ex p. Med., vol. 172, p. 985 - 988, 1990, Clin. Exp. Immun ol, vol. 84, p. 34

[0019]

SCID mouse used in the Example of this invention is famous as an animal which can transplant a human's cell.

This SCID mouse is a mouse discovered by Bosma et al. by making as the immunodeficiency mutant mouse which does not have at all the lymphocyte (the T cell and B cell) which ripened in 1983 (Nature, vol. 301, p.527-530, 1983).

This mouse presents the illness condition similar to a human's severe-combinedimmunodeficiency disease (SCID).

A patient's lymphocyte and lymphatic tissues which are a human's autoimmune-disease diseases, such as primary bile property cirrhosis SLE and the autoimmune thyroiditis, are introduced into this SCID mouse, and there is a motion which tries reproduction of the sickness.

These describes in J.Exp.Med., vol.170, p.1919- 1930, 1989, J.Exp.Med., vol.172, and p.985- in 988, 1990, Clin.Exp.Immunol, vol.84, and p.34-37 1991 years etc.

Moreover, the same trial is reported in Sciece, vol.241, p.1632-1639, and 1988.



-37,1991年などに記載されている。また、同じような試みがSciece,vol.241,p.1632-1639,1988年に報告されている。

[0020]

本発明者は、SCIDマウスの 腹腔内にヒトの末梢血単核細胞 (PBMC)を投与し、投与後、 6時間ないし12時間後に、D ーガラクトサミン20mg/マ ウスとSEB(Staphyl ococcal entero B) 10 μ g/マ toxin ウスを同じく腹腔内に投与する ことで、肝炎を引き起こすこと に成功した。この系は、Fas を発現しているSCIDマウス にヒトのPBMCを入れ、この マウスにDガラクトサミンとS EB刺激することで、導入した ヒトPBMC中のT細胞が活性 化し、細胞の表面にFasリガ ンドを発現するとともに、マウ スの腹腔内及び体液中に可溶性 のFasリガンドが分泌される ことで、Fasを発現している マウス肝細胞がFasリガンド を介して、アポトーシスで死滅 し、その結果として、肝炎が発 症するという系である。

[0021]

本発明の肝炎治療剤は、Fasを発現している肝臓の細胞にFasリガンドが結合することにより引き起こされる肝臓のアポトーシスを抑制することにより、肝炎を治療するものと推定される。より詳細には、Fas

[0020]

This inventor administers a human's peripheralblood mononuclear cell (PBMC) to intraperitoneal of SCID mouse.

After administration, 6 hour thru hours [12 hours] after, they are D-galactosamine 20 mg / mouse, and SEB (by administering Staphylococcal enterotoxin B)10 micro-g / mouse to intraperitoneal similarly, it succeeded in causing a hepatitis.

This system puts a human's PBMC into SCID mouse which is expressing Fas, and D galactosamine and the T cell in human PBMC introduced by being stimulating SEB activate it to this mouse. Fas ligand is expressed on the surface of a cell. The mouse hepatocyte which is expressing Fas by the inside of an abdomen of a mouse and Fas ligand soluble in a body fluid being secreted becomes extinct by apoptosis through Fas ligand.

As a result, it is the system that a hepatitis develops.

[0021]

The hepatitis therapeutic agent of this invention is estimated to be that which treats a hepatitis by suppressing apoptosis of the liver caused when Fas ligand connects into the cell of the liver which is expressing Fas.

More specifically, the switch of apoptosis is turned on when Fas connects the hepatic cell which is expressing Fas, with Fas ligand.



を発現している肝細胞は、Fa sがFasリガンドと結合する ことにより、アポトーシスのス イッチが入るが、本発明の肝炎 治療剤は、このような反応を抑 制することにより肝炎を治療す るものと推定される。また、本 発明の肝炎治療剤は、肝機能を 改善し、血中のGOT(グルタ ミン酸ーオキサロ酢酸トランス アミナーゼ)及びGPT (グル タミン酸ーピルビン酸トランス アミナーゼ)の値を改善するこ とができる。具体的には、本発 明の肝炎治療剤は、血中のGO T及びGPTの濃度を正常値に 回復させることができる。

[0022]

本発明で使用するFasリガン ドに対するモノクローナル抗体 (抗FasL抗体) またはその 活性フラグメントの肝炎治療剤 としてヒトに作用させる場合、 HAMA等の外来蛋白質に対す る抗体の生成を抑えて効果的に 作用させるためには、該抗Fa s L抗体またはその活性フラグ メントをヒト型化あるいはキメ ラ型化することが効果的であ る。これらに関する技術は、す でに公知の文献あるいは特許公 報に記載されており、抗体産生 ハイブリドーマさえあれば、容 易に実施することができる。特 許公報では、EP-A-012 0694, EP-0125023, EP-0171496, EP-A-0173494, WO 86101533等があり、一 般文献としては、Natur e, Vol. 322, p. 32

However, the hepatitis therapeutic agent of this invention is estimated to be that which treats a hepatitis by suppressing such reaction. Moreover, the hepatitis therapeutic agent of this invention improves a liver function.

The blood value of GOT (glutamic-acid-oxalacetic-acid transaminase) and GPT (glutamic-acid-pyruvic-acid transaminase) is improvable.

The hepatitis therapeutic agent of this invention can make normal values recover blood concentration of GOT and GPT specifically.

[0022]

It is effective human-type-ization or to form this anti- FasL antibody or its active fragment into a chimera type, in order to control a formation of the antibody with respect to a HAMA etc. visitor protein and to make act effectively, when making act on a human as the monoclonal antibody (anti- FasL antibody) with respect to Fas ligand used by this invention, or a hepatitis therapeutic agent of the active fragment.

The technique about these is already described in well-known literature or the patent gazette.

If there is even an antibody-production hybridoma, it can be performed easily.

In the patent gazette, there are EP-A-0120694, EP-0125023, EP-0171496, EP-A-0173494, WO86101533, etc.

As common literature, Nature, Vol.322, p.323-327 (1988), Nature, vol.321, p.522-525 (1986), Nature, vol.328, p.731-734 (1987), etc. are mentioned.

The public knowledge technique currently shown by these being based, an anti- FasL antibody or its active fragment, human-typeizing or a chimera type can be formed.



3-327 (1988)、Nature, vol. 321, p. 522-525 (1986)、Nature, vol. 328, p. 731-734 (1987) 等が挙げられる。これらに開示されている公知技術に基づいて、抗FasL抗体またはその活性フラグメントをヒト型化あるいはキメラ型化することができる。

[0023]

ヒト型化あるいはキメラ型化す るに際し、工業技術院生命工学 工業技術研究所に受託番号FE RM BP-5044 (ハイブ リドーマNOK1)、FERM BP-5045 (ハイブリドー ▽NOK2)、FERM ВР -5046 (ハイブリドーマN OK3), FERM BP-5047 (ハイブリドーマNOK 4)、及びFERM BP-5 048 (ハイブリドーマNOK 5) として寄託されている各ハ イブリドーマ細胞株から産生さ れる各モノクローナル抗体(N OK1~5)の可変領域のアミ ノ酸配列を少なくとも含ませる ことが好ましい。

[0024]

このようなモノクローナル抗体 NOK1~5のH鎖及びL鎖の 可変領域のアミノ酸配列及びそ の塩基配列は、本発明者らが見 いだしたものであり、配列表に 記載する。

(1) ハイブリドーマNOK1 が産生するモノクローナル抗体 のH鎖の超可変領域は、配列表

[0023]

It faces human-type-ization or forming a chimera type, and it is acceptance-number FERM to the Agency of Industrial Science and Technology National Institute of Bioscience and Human-Technology. BP-5044 (hybridoma NOK 1), FERMBP-5045 (hybridoma NOK 2), FERM BP-5046 (hybridoma NOK 3), FERM BP-5047 (hybridoma NOK 4), And FERM BP-5048 (hybridoma NOK 5). it is preferable to contain at least the amino acid sequence of the variable region of each monoclonal antibody (NOK 1-5) produced from each hybridoma cell strain deposited as these,

[0024]

The present inventors found out the amino acid sequence of the variable region of the heavy chain of such monoclonal-antibody NOK 1-5, and L chain, and its base sequence.

It describes in a sequence table.

(1)

The hypervariable region of the heavy chain of the monoclonal antibody which hybridoma NOK 1 produces is (1) Ser of 30th to 34th Asn, (2) Arg of 49th to 65th Gly, and (3) Tyr of 93rd to



の配列番号1で表されるアミア 酸配列の(1)30番目のAsn、(2)4 9番目のArgから65番目のArgから65番目のArgから65番目のTyrがら109番目のTyrがあり、L鎖の超可変表されるアンがの配列番号3で表す目の配列番号3で表す目の配列の(1)24番目のArgから34番目のAsn、(2)50番目のTyrから56番目のClnから97番目のThrである。 109th Tyr of the amino acid sequence expressed with sequence number 1 of a sequence table.

The hypervariable region of L chain is (1) 34th Asn from Arg of 24th, (2) Tyr of 50th to 56th Ser, and (3) Gln of 89th to 97th Throf the amino acid sequence expressed with sequence number 3 of a sequence table.

[0025]

(2) ハイブリドーマNOK 2 が産生するモノクローナル抗体 のH鎖の超可変領域は、配列表 の配列番号5で表されるアミノ 酸配列の(1)30番目のAsn から34番目のGly、(2)4 9番目のTyrから65番目の Gly、及び(3)93番目のT yrから107番目のTyrで あり、L鎖の超可変領域は、配 列表の配列番号7で表されるア ミノ酸配列の(1)24番目のL y s から39番目のGly、(2) 55番目のLeuから61番目 のSer、及び(3)95番目の Glnから102番目のThr である。

[0026]

(3) ハイブリドーマNOK3 が産生するモノクローナル抗体 のH鎖の超可変領域は、配列表 の配列番号9で表されるアミノ 酸配列の(1)30番目のSer から34番目のAsn、(2)4 9番目のArgから65番目の

[0025]

(2)

The hypervariable region of the heavy chain of the monoclonal antibody which hybridoma NOK 2 produces is (1) 34th Gly from Asn of 30th, (2) Tyr of 49th to 65th Gly, (3) Tyr of 93rd to 107th Tyrof the amino acid sequence expressed with sequence number 5 of a sequence table.

The hypervariable region of L chain is (1) 39th Gly from Lys of 24th, (2) Leu of 55th to 61st Ser, (3) 102nd Thr from Gln of 95th of the amino acid sequence expressed with sequence number 7 of a sequence table.

[0026]

(3)

The hypervariable region of the heavy chain of the monoclonal antibody which hybridoma NOK 3 produces is (1) 34th Asn from Ser of 30th, (2) Arg of 49th to 65th Gly, (3) Tyr of 93rd to 105th Valof the amino acid sequence expressed with sequence number 9 of a sequence table.



Gly、及び(3)93番目のT yrから105番目のValで ある。

[0027]

(4) ハイブリドーマNOK4 が産生するモノクローナル抗体 のH鎖の超可変領域は、配列表 の配列番号11で表されるアミ ノ酸配列の(1)32番目のTy rから35番目のAsn、(2) 50番目のTyrから65番目 のAsn、及び(3)93番目の Tyrから107番目のTyr であり、L鎖の超可変領域は、 配列表の配列番号13で表され るアミノ酸配列の(1)24番目 のArgから38番目のHi s、(2)54番目のArgから 60番目のSer、及び(3)9 3番目のGlnから101番目 のThrである。

[0028]

(5) ハイブリドーマNOK5 が産生するモノクローナル抗体 のH鎖の超可変領域は、配列表 の配列番号15で表されるアミ ノ酸配列の(1)30番目のTh rから34番目のHis、(2) 49番目のTyrから65番目 のAsp、及び(3)93番目の Tyrから106番目のTyr であり、L鎖の超可変領域は、 配列表の配列番号17で表され るアミノ酸配列の(1)24番目 のLysから34番目のAl a、(2)50番目のTyrから 56番目のThr、及び(3)8 9番目のGlnから97番目の Thrである。

[0027]

(4)

The hypervariable region of the heavy chain of the monoclonal antibody which hybridoma NOK 4 produces is (1) 35th Asn from Tyr of 32nd, (2) Tyr of 50th to 65th Asn, and (3) Tyr of 93rd to 107th Tyr of the amino acid sequence expressed with sequence number 11 of a sequence table.

The hypervariable region of L chain is (1) 38th His from Arg of 24th, (2) Arg of 54th to 60th Ser, And (3) Gln of 93rd to 101st Throf the amino acid sequence expressed with sequence number 13 of a sequence table.

[0028]

(5)

The hypervariable region of the heavy chain of the monoclonal antibody which hybridoma NOK 5 produces is (1) 34th His from Thr of 30th, (2) Tyr of 49th to 65th Asp, And (3) Tyr of 93rd to 106th Tyrof the amino acid sequence expressed with sequence number 15 of a sequence table.

The hypervariable region of L chain is (1) 34th Ala from Lys of 24th and (2) Tyr of 50th to 56th Thr, And (3) 97th Thr from Gln of 89th of the amino acid sequence expressed with sequence number 17 of a sequence table.



[0029]

(6) ハイブリドーマNOK1 が産生するモノクローナル抗体のH鎖の可変領域は、配列番号1で表されるアミノ酸配列であり、その塩基配列は、配列番号2の塩基配列である。また、L鎖の可変領域は、配列番号3で表されるアミノ酸配列であり、その塩基配列は、配列番号4の塩基配列である。

[0030]

(7)ハイブリドーマNOK2 が産生するモノクローナル抗体のH鎖の可変領域は、配列番号5で表されるアミノ酸配列であり、その塩基配列は、配列番号6の塩基配列である。また、L鎖の可変領域は、配列番号7で表されるアミノ酸配列であり、をの塩基配列は、配列番号8の塩基配列である。

[0031]

(8) ハイブリドーマNOK3 が産生するモノクローナル抗体のH鎖の可変領域は、配列番号 9で表されるアミノ酸配列であり、その塩基配列は、配列番号 10の塩基配列である。

[0032]

(9) ハイブリドーマNOK4 が産生するモノクローナル抗体のH鎖の可変領域は、配列番号 11で表されるアミノ酸配列で あり、その塩基配列は、配列番 号12の塩基配列である。また、L鎖の可変領域は、配列番 号13で表されるアミノ酸配列

[0029]

(6)

The variable region of the heavy chain of the monoclonal antibody which hybridoma NOK 1 produces is an amino acid sequence shown with sequence number 1.

The base sequence is a base sequence of sequence number 2.

Moreover, the variable region of L chain is an amino acid sequence shown with sequence number 3.

The base sequence is a base sequence of sequence number 4.

[0030]

(7)

The variable region of the heavy chain of the monoclonal antibody which hybridoma NOK 2 produces is an amino acid sequence shown with sequence number 5.

The base sequence is a base sequence of sequence number 6.

Moreover, the variable region of L chain is an amino acid sequence shown with sequence number 7

The base sequence is a base sequence of sequence number 8.

[0031]

(8)

The variable region of the heavy chain of the monoclonal antibody which hybridoma NOK 3 produces is an amino acid sequence shown with sequence number 9.

The base sequence is a base sequence of sequence number 10.

[0032]

(9)

The variable region of the heavy chain of the monoclonal antibody which hybridoma NOK 4 produces is an amino acid sequence shown with sequence number 11.

The base sequence is a base sequence of sequence number 12.

た、L鎖の可変領域は、配列番 Moreover, the variable region of L chain is an 号13で表されるアミノ酸配列 amino acid sequence shown with sequence



であり、その塩基配列は、配列 number 13. 番号14の塩基配列である。

[0033]

(10) ハイブリドーマNOK 5が産生するモノクローナル抗 体のH鎖の可変領域は、配列番 号15で表されるアミノ酸配列 であり、その塩基配列は、配列 番号16の塩基配列である。ま た、L鎖の可変領域は、配列番 号17で表されるアミノ酸配列 であり、その塩基配列は、配列 番号18の塩基配列である。

[0034]

本発明の肝炎治療剤の剤形とし ては、活性な有効成分を含む通 常の医薬または医薬組成物と同 様に、例えば、注射剤、錠剤、 カプセル剤、坐薬、噴霧剤、ク リーム剤、パップ剤、点眼剤等 を挙げることができる。例え ば、注射剤であれば、当該抗体 を含む溶液を無菌状態で調製 し、必要があれば、マンニトー ル等の安定化剤、賦形剤等を補 助成分として添加してもよい。 これをアンプル、バイアル等に 充填し、そのまま使用すること もできるし、必要に応じて、凍 結乾燥等を行うことも可能であ る。本発明の肝炎治療剤は、乾 燥品の場合は、注射用蒸留水等 に溶解して投与することができ る。投与方法は、経口投与、静 脈注射、吸入、経皮投与、点眼、 局所投与、皮下投与等から適切 な方法を選んで投与すればよ い。本発明の肝炎の治療剤は、 Fasリガンドに対する抗体ま

The base sequence is a base sequence of sequence number 14.

[0033]

(10)

The variable region of the heavy chain of the monoclonal antibody which hybridoma NOK 5 produces is an amino acid sequence shown with sequence number 15.

The base sequence is a base sequence of sequence number 16.

Moreover, the variable region of L chain is an amino acid sequence shown with sequence number 17.

The base sequence is a base sequence of sequence number 18.

[0034]

An injection, a tablet, a capsule, a suppository, a spray, a cream agent, a poultice, eyedrops, etc. can be mentioned like the usual pharmaceutical or the pharmaceutical composition which contains an active ingredient as a formulation of the hepatitis therapeutic agent of this invention.

For example, as long as it prepares the solution which contains the concerned antibody if it is an injection, by the aseptic condition and there is necessity, it may add, making stabilizers, such as a mannitol, an filler, etc. as an assistant component.

This is filled to an ampoule, a vial, etc., and

Can also use then.

Freeze-dried etc. can also be performed depending on necessity.

In the case of the drying goods, the hepatitis therapeutic agent of this invention can be dissolved in the water for injection etc., and can administer.

The administration method chooses suitable method out of oral administration, intravenous injection, inhalation, percutaneous local administration. eyedropping, administration, a subcutaneous administration, etc., and should just administer it.

The therapeutic agent of the hepatitis of this



[0035]

【実施例】

以下に実施例を挙げて、本発明 についてより具体的に説明す る。

[0036]

【実施例1】

(1) マウス肝細胞の調製 マウス肝細胞は、三井等編「機能細胞の分離と培養」(昭和6 2年1月30日丸善株式会社発行)第178~179頁に記載されているコラゲナーゼ灌流法を準用して分離した。すなわち、

(1)麻酔後、マウスを手術台に 乗せ、手術用ハサミで皮膚、腹 筋の順に開腹した。よくしぼっ たアルコール脱脂綿で腸を術者 の右側にかきよけ、門脈を十分 露出させた。 invention make an active ingredient the antibody with respect to Fas ligand, or its active fragment, and it is 0.1-100 weight% usually.

Preferably, it contains at a ratio of 0.5-70 weight%.

The dosage of the hepatitis remedy of this invention is as the reference standard set to the active ingredient, for a human adult, it is 0.001-1000 mg usually per day.

Preferably, it is 0.01-600 mg.

Of course, an above dosage is a general standard.

What is sufficient is just to select a dosage suitably depending on the kind and the its level of a patient's age, gender, a body weight, and also the disease.

[0035]

[Example]

An Example is given to below.

It more specifically about this invention explains.

[0036]

[Example 1]

(1)

Preparation of a mouse hepatic cell

The mouse hepatic cell applied correspondingly and separated the collagenase perfusion method currently described in 78-179 pages of edition "separation of a functional cell, and culture" (January 30th, Showa 62 Maruzen Co., Ltd. K.K. issue) firsts, such as Mitsui & Co., Ltd.

That is

(1) The mouse was put on the operation table after anesthesia, and it performed laparotomy in the order of the skin and the abdominal muscle with surgical scissors.

With it, intestines were written to the righthand side of an operator with the alcohol



(2)門脈に縫合糸のループをか け眼科用ハサミの先端を使って 門脈に切れ目を入れた。切開部 から溢れ出る血液をカニューレ 先端から滴下する前灌流用緩衝 液で洗い流しながら、すばやく 門脈の切開面からカニューレを 挿入し、縫合糸で結紮した。同 時に、肝臓下の下大静脈(su bhepatic infer ior vena cava) を切断し、洗浄液を放出させ た。そのまま30ml/min の流速でペリスタポンプを作動 させ、37℃に保温した前灌流 用緩衝液を灌流し続けた。

[0037]

(3)次に、胸廓部を開き、心臓 を露出させた。横隔膜下の下大 静脈(thoracic ferior vena va) に縫合糸のループをかけ た後、右心房を眼科用ハサミで 切開して別のカニューレを右心 房から下大静脈に挿入し結紮し た。こうして、灌流液は、肝臓 を循環し横隔膜下の下大静脈を 流れ、新しく挿入したカニュー レを経由して、恒温槽内の瓶に 戻り循環した。この状態で4~ 5分間灌流を続け、スムーズに 灌流することを確かめた上でポ ンプを止め、循環液をコラゲナ ーゼ溶液(約100ml)に交 換し再び灌流を始めた。8~1 0分間コレゲナーゼ溶液の灌流 を続けると、肝臓は次第に消化 され、肝小葉が浮き上がったよ うな外観を呈し、表面から酵素 液が滲出してきた。この状態で surface.

absorbent cotton extracted well, and were avoided, and the sufficient exposure of the portal vein was carried out.

(2) The loop of a surgical suture was applied to the portal vein, and the cut was put into the portal vein using the end of ophthalmic scissors.

Flushing the blood which overflows from an incision part, by the buffer for a pre-perfusion dropped from a cannula end, cannula was quickly inserted from the section of the portal vein, and it ligated by the surgical suture.

The inferior vena cava under a liver (subhepatic inferior vena cava) was disconnected, and cleaning liquid was made to release simultaneously.

A peristaltic pump is made to operate by the flow rate of 30 ml/min then.

Before retain heating to 37 degrees-Celsius, perfusing buffer for a perfusion was continued.

[0037]

(3) Next, the chest was opened and the heart was exposed.

Ophthalmic scissors cut a right atrium open, and after applying the loop of a surgical suture to the inferior vena cava under a diaphragm (thoracic inferior vena cava), from the right atrium, another cannula was inserted in the inferior vena cava, and was ligated.

It carries out like this and

A perfusate circulates a liver and flows in the inferior vena cava under a diaphragm.

Via the cannula inserted newly

It returned and circulated into the bottle in a thermostat.

The 4-5 minutes perfusion was continued in this condition, the pump was stopped after having confirmed perfusing smoothly, and the circulation liquid was exchanged for the collagenase solution (about 100 ml), and the perfusion was begun again.

When continuing a perfusion of a 8-10 minutes collagenase solution, a liver is digested gradually and the exterior to which the lobulus hepatis came floating is presented.

The enzyme liquid has exuded from the surface.



灌流を中止し、肝臓各葉をスパリリーでで受けつで、に移した。約10mlのMEM(ニッススをいたのかで、カイで用したのがで、カイで肝があると、消化されたしたがあると、消化されたしたがで、30mlMEMを組んがで、30mlMEMでは、30mlMEMでは、2~5に対したがで、30mlMEMでは、2~5に対したがでした。2~5に対した。

[0038]

このようにして、まず、粗分散 肝細胞浮遊液を調製した。次い で、この中からさらに肝実質細 胞のみをとりだすために、以下 の操作を行った。細胞浮遊液を 50ml細胞遠心管に集め、卓 上冷却遠心機で低速遠心 (50 ×g, lmin) した。この遠 心条件では、肝実質細胞は、他 の細胞に比し大きいので遠心管 の底にパックされ、非実質細 胞、損傷細胞、赤血球、細胞破 片等は、沈殿しないで上清中に 残る。上清を静かに駒込ピペッ トで除き、新たに細胞洗浄用緩 衝液を加え、細胞を先太の駒込 ピペットで軽く懸濁した後、同 時に低速遠心した。この操作を 3~4回繰り返すことにより、 ほぼ均一な肝実質細胞を得るこ とができた。低速遠心操作後、 得られた肝実質細胞のviab ilityは、通常90%以上 (トリパン青の染色試験)で、 その収量は4~6×10⁷細胞 / g 肝臓である。こうして得ら れたマウス肝細胞に対し、Fa

While a perfusion is stopped by this state and each liver lobe is received by the spatula, It separated with scissors and it moved to the Petri dish.

When about 10 ml MEM (made by Nissui company) liquid was added and it subdivided lightly with the surgical scalpel, it dispersed so that the digested hepatic cell might be dissolved.

Subsequently, 30 mIMEM is added and a pipetting is lightly carried out 2-3 times by the Komagome type pipet with thick point.

Furthermore after making a cell disperse, it filtered by the cell filter which piled up 2-3 gauze.

[0038]

Thus, the rough dispersed hepatic-cell suspension was prepared first.

Subsequently, in order to take out only a hepatic parenchymal cell further out of this, the following operation was performed.

The cell suspension was brought together in 50 ml cell centrifuge tube, and low speed centrifugation (50* g, lmin) was carried out by the desk-top refrigerated centrifuge.

On this centrifugation condition, a hepatic parenchymal cell is compared with another cell, and since it is large, it is packed at the bottom of a centrifuge tube.

A non-real cell, a damage cell, an erythrocyte, a cell broken piece, etc. remain in a supernatant liquid without precipitating.

After having added the buffer for cell washing newly except the supernatant liquid by the Komagome type pipet calmly and suspending a cell lightly by the Komagome type pipet with thick point, low speed centrifugation was carried out simultaneously.

The almost uniform hepatic parenchymal cell was able to be obtained by repeating this operation 3-4 times.

Viability of the obtained hepatic parenchymal cell is 90 % or more (dyeing test of tri pan blue) usually after low speed centrifugation operation, and the yield is 4-6*107 cell / g liver.

In this way the cell damage of soluble Fas



sリガンドを導入したトランス フェクタントL5178Y-F asLの培養上清中に含まれる 可溶性Fasリガンド(すなわ ち、sFasL)の細胞障害を 検討した。 ligand (that is, sFasL) contained in the culture supernatant liquid of transfectant L5178 Y-FasL which introduced Fas ligand with respect to the obtained mouse hepatic cell was examined.

[0039]

(2) <u>L5178Y-FasL</u> の調製

ヒトFasリガンドをL517 8 Yに導入する方法は、以下の 通りである。すなわち、PMK it Neoに組み込んだヒト Fasリガンド遺伝子1μgに 対し、XhoIとNotI(ベ ーリンガー社製)の制限酵素を 各1単位加え、付属緩衝液を添 加後、37℃にて2時間反応さ せた。この液について、1%ア ガロース電気泳動を行った。U V照射のもとでFasリガンド に相当する約850pbのバン ドを切り出した。このアガロー スゲルから、GENCLEAN I I キット (B I O 1 0 1、フ ナコシ社製)を用いて、DNA を抽出した。すなわち、付属の Na I 液をゲルに加え、65℃ で10分間インキュベートし、 ゲルを溶かした後、これにグラ スミルク(glassmil k)を加え5分間ローテートし て、DNAを吸着させた。この グラスミルクをNew-WAS H液で3回洗浄後、TE緩衝液 10μ1に懸濁し、65℃で3 分間インキュベートすることに よりDNAを溶出させた。次 に、BCMGS_{neo}のベクター 1 μgについても同様にXho IとNot Iで制限酵素処理を

[0039]

(2)

The method of introducing the preparation human Fas ligand of L5178 Y-FasL to L5178Y is the following passage.

That is, the restriction enzyme of Xhol and Notl (product made from a Boehringer Co., Ltd) with respect to human Fas ligand gene 1 microg inserted in PMKit Neo, one unit each added, Attached buffer was made to react for 2 hours by 37 degrees-Celsius after adding.

About this liquid, the agarose electrophoresis was performed 1%.

The band of about 850 pbs which are equivalent to Fas ligand under a UV irradiation was cut down.

From this agarose gel to GENCLEAN DNA was extracted using II kit (BIO101, made by a Funakoshi company).

That is, attached Nal liquid is added to gel and 10 minutes is incubated by 65 degrees-Celsius. After dissolving gel, glass milk (glassmilk) is added to this and 5 minutes rotates.

DNA was made to absorb.

This glass milk is suspended to TE buffer 10 microliter after 3 times washing with a New-WASH liquid.

DNA was made to elute by incubating 3 minutes by 65 degrees-Celsius.

Next, a limited enzyme treatment is similarly carried out by Xhol and Notl about vector 1 micro-g of BCMGSneo. After carrying out an agarose gel electrophoresis 0.75%, it refined using GENECLEANII kit.



行い、O. 75%アガロースゲル電気泳動を行った後、GEN ECLEAN IIキットを用いて精製した。

[0040]

次に、FasリガンドとDNA とBCMGS_{nen} のベクターの ライゲーションをベクター:c DNA=1:2 (モル比) にな るように混合し、宝酒造社製D NAライゲーションキットを用 いて、16℃で16時間反応さ せて、ライゲーションした。こ の反応液を、大腸菌コンピテン トセル(東洋紡社製)と混合し て、氷上で30分間、42℃で 40秒間インキュベートするこ とにより、DNAを大腸菌へ導 入した。これに対し、SOC培 地を加え、37℃で1時間振盪 培養後、アンピシリン入りのL B寒天培地に分注し37℃にて 1日間培養した。その後、出現 したコロニーをLB培地で3 7℃で1日間培養した後、アル カリ法にて、プラスミド(ヒト Fasリガンド-BCMGS nen)を回収した。

[0041]

このヒトFasリガンドーBCMGS $_{neo}$ 1 μ gについて、L5178Y細胞 1×10^6 個に対し、エレクトロポレーションにて、遺伝子導入を行った。そ件は、ジーンパルサー(バイン・ド社製)を用い、296V、960 μ Fで実施した。この細胞を再度10%FCS-RPMI1640培地5m1に懸濁した。6ve11Vレートに、こ

[0040]

Next, the ligation of Fas ligand and the vector of DNA and BCMGSneo is mixed so that it may be set to vector:cDNA=1:2 (molar ratio), and using the Takara-Shuzo company DNA ligation kit, by 16 degrees-Celsius, it was made to react for 16 hours and the ligation was carried out.

This reaction solution was mixed with the Escherichia-coli competent cell (made by a Toyobo company), and DNA was introduced to the Escherichia coli by incubating for 40 seconds by 30 minutes and 42 degrees-Celsius by the on ice.

On the other hand, SOC culture medium is added, and it dispensed to the thing LB agar medium including an ampicillin after the 1 hour shaking culture by 37 degrees-Celsius, and it cultivated for 1 day by 37 degrees-Celsius.

After cultivating the colony which appeared, for 1 day by 37 degrees-Celsius by LB culture medium after that, the plasmid (human Fas ligand- BCMGSneo) was collected by the alkaline process.

[0041]

About this human Fas ligand- BCMGSneo1 micro-g, the gene transfer was performed by the electroporation method with respect to 1*106 piece of L5178Y cells.

Conditions were performed by 296V and 960 micro-F using the gene pulser (made by a BIORAD company).

This cell was again suspended to 5 ml of 10% FCS-RPMI1640 culture mediums.

It cultivated by putting the liquid of this cell into 6well plate.

However, at this time, G418 (made by GIBCO company) was added to the culture medium so



that it might be set to 0.4 mg/ml.

For 10 days after cultivating, since the colony was obtained, the cell was cloned with the threshold dilution method.

About the obtained clone, the concentration of mRNA of a human Fas ligand selects highness most by the Northern-hybridization method.

It cultivated.

This was made into the Fas ligand- L5178Y cell (that is, L5178 Y-FasL).

[0042]

(3) <u>マウス肝細胞に対するF</u> a s L の細胞障害性の検討

(1)可溶性FasL(sFas L)の調製

(2)ターゲット細胞の調製 細胞は、(1) で調製した肝実 質細胞を10%FCS・L-1 5培地にて2×10⁵個/ml に調製した。

[0043]

(3)アッセイ

(1)で調製したsFasL分子を10%FCS・RPMI1640培地で12倍に希釈した。96ウェル平底プレート(コー

[0042]

(3)

Cytotoxic study of FasL with respect to a mouse hepatic cell

(1) Preparation of soluble FasL (sFasL) L5178 Y-FasL will be cultivated for 4 days by 30 ml of 10% FCS*RPMI1640 culture mediums by 5*105 piece/ml concentration using a 75-cm-squared culture flask.

The culture supernatant liquid was collected. The collected culture supernatant liquid (sFasL) sterilizes with the filter of 0.45 micrometer.

It preserved.

(2) The preparation cell of a target cell prepared the hepatic parenchymal cell prepared by (1) to 2*105 piece/ml by 10% FCS*L-15 culture medium.

[0043]

(3) Assay

SFasL molecule prepared by (1) was diluted 12 times by 10% FCS*RPMI1640 culture medium.

Using 96 well flat bottom plate (made by Corning Incorporated), to each well this added



ニング社製)を用い、各ウェル にこの希釈液 2 5 μ 1 加えた。 次いで、10%FCS・L-1 5 培地を 2 5 μ 1 加えた。ま た、比較対象として、抗マウス Fas抗体(Jo-2:ファー ミンジェン社製) を10μg/ mlの濃度で25μl加えたも の、さらにはTNF(シグマ社 製)を10μg/mlで25μ 1加えたものを用いた。このプ レートの各ウエルに50μ1の (2)で調製したターゲットを入 れた。その後、37℃、5%C O, の環境下のもとで12時間 インキュベートした。次いで、 アラマーブルー(Alamar blue™、コスモバイオ社 製)を 10μ 1加え、さらに3 7℃、5%CO,下にて4時間 反応させた。その後、フロオロ スキャンII(タイターテック 社製)を用いて蛍光量を測定し た。その結果をまとめたものを 表1に示す。表1から明らかな ように、肝実質細胞は、sFa sLに対してのみviavil l i t y (生存率) が低下した。

dilution-liquid 25 microliter.

Subsequently, 10% FCS*L-15 culture medium was added 25 microliters.

Moreover, that which added the anti- mouse Fas antibody (Jo-2: made by Pharmingen company) 25 microliters by 10 micro-g/ml concentration, and the thing which added TNF (made in a sigma company) 25 microliters by 10 micro-g/ml were used as a comparison object.

The target prepared by (2) of 50 microliters was put into each well of this plate.

After that, it incubated for 12 hours 37 degrees-Celsius and under the environment of 5% CO2.

Subsequently, offal multiple-independently-targetable-reentry-vehicle roux (Alamar blueTM, made in a Cosmo-Bio company) is added 10 microliters. Furthermore it was made to react for 4 hours under 37 degrees-Celsius and 5% CO2.

After that, fluorescent quantity was measured using fluoro scan II (made by a titer tech company).

That which collected the result is shown to Table 1.

As for the hepatic parenchymal cell, viavillity (survival rate) reduced from Table 1 only to sFasL clearly.

[0044]

[0044]

【表1】

[Table 1]



添加剤	生存率(%)
未添加	100
sFasL	0.5
抗Fas抗体	9 9
TNF	9 8

Additives

Survival rate (%)

No addivites

. . .

Anti- Fas antibody

. . .

[0045]

(4) マウス肝細胞に対するF asLの細胞障害における抗ヒ トFasL抗体の効果

前述のごとく、FasLは、肝 実質細胞に対し、細胞障害性を 示すことが分かったので、次 に、この細胞障害反応が抗ヒト Fas L抗体で阻害できるかど うかについて検討を加えた。す なわち、(3)と同様の系にお いて実施した。前記(3)の(1) で調製した s F a s L を 1 0 % FCS·RPMI1640培地 で12倍に希釈した。96ウェ ル平底プレートを用い、各ウェ ルにこの希釈液を25μ1加え た。次いで、10%FCS・L 15培地にて10μg/mlに 希釈した抗ヒトFasL抗体 (NOK1) を25 μ l 加え、 37℃、5%CO,下にて1時 間インキュベートした。次に、 肝実質細胞2×105個/ml を50μ/ウェル加えた。3

[0045]

(4)

The effect of the anti-human FasL antibody in the cell damage of FasL with respect to a mouse hepatic cell

As mentioned above, it was found that FasL shows cytotoxicity with respect to a hepatic parenchymal cell. Next, study was added about the ability of this cell-damage reaction to be able to obstruct by the anti-human FasL antibody.

That is, it was performed in the system similar to (3).

SFasL prepared by (1) of above-mentioned (3) was diluted 12 times by 10% FCS*RPMI1640 culture medium.

This dilution liquid was added to each well 25 microliters using 96 well flat bottom plate.

Subsequently, the anti-human FasL antibody (NOK 1) diluted to 10 micro-g/ml was added 25 microliters by 10% FCS*L15 culture medium, and 1 hour incubation was carried out under 37 degrees-Celsius and 5% CO2.

Next, they are a 2*105 piece/ml hepatic parenchymal cell 50 micro-s / well added.

It incubated for 12 hours under 37 degrees-Celsius and 5% CO2.

Subsequently, offal multiple-independently-



7℃、5%CO2下にて12時 targetable-reentry-vehicle 間インキュベートした。次い で、アラマーブルー(Alam ar blue™、コスモバイ オ社製)を10μ1加え、さら に37℃、5%CO,下にて4 時間インキュベートした。その 後、フルオロスキャンIIを用 いて、生細胞が分解した色素の 蛍光強度を測定した。その結果 を表2に示す。表2から明らか なように、抗FasL抗体の添 加により肝細胞のアポトーシス は抑制された。

(Alamar roux blueTM, made in a Cosmo-Bio company) is added 10 microliters. Furthermore it incubated for 4 hours under 37 degrees-Celsius and 5% CO2.

After that, the fluorescence intensity of the pigment which the living cell decomposed was measured using fluoro scan II.

The result is shown to Table 2.

Apoptosis of a hepatic cell was clearly suppressed by addition of an anti- FasL antibody from Table 2.

[0046]

[0046]

【表2】

[Table 2]

添加剤	生存率(%)
未添加	100
sFasL	0.5
sFasL +抗FasL 抗体	9 9

Additives

Survival rate (%)

No addivites

... Anti- FasL antibody

すなわち、<u>in vitro</u>の That is, in 実験系では、FasLを介した 肝細胞のアポトーシスを、抗F a s L抗体が抑制できることが 確認できた。

In the experiment system of vitro, it has confirmed that an anti- FasL antibody could suppress apoptosis of the hepatic cell through FasL.



[0047]

(5) <u>SCIDマウスにおける</u> 実験的肝炎モデル系における抗 <u>FasL抗体投与による肝炎の</u> 抑制の検討

SCIDマウス(8週齢のメ ス、チャルーズリバー社製) 1 匹あたり、ヒトの末梢血単核細 胞(PBMC)を5×10⁷個 を1mlのPBSに懸濁したも のを腹腔内に投与した。次い で、6時間ないし12時間後に D-ガラクトサミン(ワコー社 製) 20mgとSEB (Sta phylococcal terotoxin B) (シ グマ社製) 10μgをPBS1 mlに懸濁したものをさらに腹 腔内に投与した。なお、抗Fa s L 抗体を投与する場合は、D ーガラクトサミン、SEB投与 30分前に、500µgを腹腔 投与した。その後、12時間後 における血中のGOT(グルタ ミン酸ーオキサロ酢酸トランス アミナーゼ)及びGPT(グル タミン酸ーピルビン酸トランス アミナーゼ) の濃度を測定する とともに、24時間後の肝細胞 の染色を行った。その結果、抗 FasL抗体投与群は、24時 間後に、コントロールの非投与 群に比べ、有意に生存が認めら れた。また、12時間後のGO TとGPTの量は、コントロー ルに比べて2桁違いの値とな り、正常に近いほどに回復して いるのが認められた。結果を表 3に示す。

[0047]

(5)

Study of inhibition of the hepatitis by the anti-FasL antibody administration in the experimental hepatitis model system in SCID mouse

That which suspended in 1 ml PBS 5*107 piece of human's peripheral-blood mononuclear cell (PBMC) per 1 animal (a 8-week-old female, made by Charles River company) of SCID mice was administered to intraperitoneal.

Subsequently, 6 hour thru 12 hours after D-galactosamine (made in Wako company) 20 mg, and SEB (that which suspended Staphylococcal enterotoxin B)(made in sigma company) 10 micro-g to PBS1 ml furthermore, administered to the inside of an abdomen.

In addition, when administering an anti- FasL antibody, the abdominal-cavity administration of the 500 micro-g was carried out 30 minutes before D-galactosamine and SEB administration.

After that, while blood concentration of GOT (glutamic-acid-oxalacetic-acid transaminase) and GPT (glutamic-acid-pyruvic-acid transaminase) after 12 hours was measured, coloring of the hepatic cell after 24 hours was performed.

As a result, as for the anti- FasL antibody administration group, survival observed significantly 24 hours after compared with the group of control non-administering a medicine for the patient.

Moreover, the quantity of GOT and GPT after 12 hours, comparing to control, became the value with difference of 2 digits, having recovered observed so that it was normally near.

A result is shown to Table 3.

[0048]

[0048]



【表3】

[Table 3]

抗 FasL 抗体	生存数	GOT	GPT
+	4/4	350	210
_	0/4	> 10000	>10000

Anti- FasL antibody

Survival rate

この結果、本発明のヒトのFasリガンドに対する抗体の投与は、肝炎の治療剤として有効であることが実証できた。

[0049]

[0049]

【参考例1】

<u>抗FasL抗体のV領域遺伝子</u> シーケンス

ハイブリドーマNOK1~5を 用いて、下記のプロトコールに よりFasリガンドに対するモ ノクローナル抗体の可変領域 (V領域)の遺伝子シーケンス を行った。

1. cDNAの調製

(1) ハイブリドーマNOK1 ~ 5 のそれぞれを 25 c m^3 フラスコ中で培養した。培養細胞を回収して、PBSで遠心洗浄した後、1 mlのPBSに懸濁し、細胞数を数えた。細胞 1×10^6 個を無菌のエッペンドルフチューブに入れ、遠心分離で上清を抜き取り、ペレットをタ

[Reference Example 1]

V region gene sequence of an anti- FasL antibody

Consequently, it has been proved that the

administration of the antibody with respect to

Fas ligand of the human of this invention was

effective as a therapeutic agent of a hepatitis.

The following protocol performed the gene sequence of the variable region (V region) of the monoclonal antibody with respect to Fas ligand using hybridoma NOK 1-5.

1. Preparation of cDNA

(1)

Each of hybridoma NOK 1-5 was cultivated in the 25 cm3 flask.

A culture cell is collected.

After carrying out centrifugal washing by PBS, it suspends to 1 ml PBS.

The number of cells was counted.

1*106 piece of cells is put into a sterile Eppendorf tube.

The supernatant liquid was sampled by the centrifugation and the pellet was tapped.
(2)

RNAZO1B (made by Cosmo Bio) was added 200 microliters, it stirred by the chip of a pipet



ッピングした。

イオ製) を200μ1加え、ピ ペットマンのチップでよく攪拌 して細胞を溶かした。クロロホ ルムを 2 0 μ 1 添加 し、振盪 後、氷中に5分間放置した。4℃ で15,000rpm、15分 間遠心した後、上層の無色透明 の部分を回収し、新しいチュー ブに移した。4℃で15,00 0 r p m、15分間遠心した 後、上清を捨てて、ペレットに 75%エタノールを800μ1 加え、-20℃で30分間放置 した。4°Cで15,000rp m、15分間遠心した後、ペレ ットに蒸留水 1 1. 5 μ 1 添加 した。

(3) オリゴdT(0.5mg /m1)を0.5μ1添加して、 70℃で10分間、氷上で5分 間放置した。

man being sufficient, and the cell was dissolved. (2) $RNA_{201}B$ (コスモバ 20 microliter addition of chloroform is carried out.

5 minutes was left after shaking and in ice.

After centrifuging 15 minutes 15,000 rpm by 4 degrees-Celsius, the upper colorless and transparent part was collected and it moved to the new tube.

After centrifuging 15 minutes 15,000 rpm by 4 degrees-Celsius, the supernatant liquid was thrown away, the ethanol was added to the pellet 800 microliters 75%, and 30 minutes was left by -20 degrees-Celsius.

After centrifuging 15 minutes 15,000 rpm by 4 degrees-Celsius, distilled-water 11.5 microliter addition was carried out at the pellet.

(3)

Oligo dT (P. 5 mg/ml) 0.5 microliter addition is carried out.

5 minutes was left by 10 minutes and the on ice by 70 degrees-Celsius.

[0050]

[0050]

【表4】

[Table 4]

5xRT buffer $4 \mu 1$ 10mM dNTPmix $1 \mu 1$ Superscript RTase $1 \mu 1$ (Stratagene製)

(Made by ...)



を加え、42℃で50分間、90℃で5分間、氷上で5分間放置した。

(4) RNaseHを1 µ 1 添加し、37℃で20分間放置した。このようにして、cDNA混合物を調製した。

This is added, and it was left by 50 minutes by 42 degrees-Celsius, and 5 minutes was left by 5 minutes and the on ice by 90 degrees-Celsius. (4)

1 microliter addition of the RNaseH is carried out.

20 minutes was left by 37 degrees-Celsius. Thus, cDNA mixture was prepared.

[0051]

2. PCR反応

(1) 前記で得られた c DNA を用い、下記の条件でPCR反応を行った。

[0051]

2. PCR reaction

(1)

PCR reaction was performed on condition that the following using cDNA obtained by the above-mentioned.

[0052]

[0052]

【表 5】

[Table 5]

	VH	V L
c D N A	2 μ 1	2 μ 1
d N T P m i x	1 μ 1	1 μ 1
primer	2 μ 1	1 μ 1
(Pharmacia製)		
10xPCR buffer	4 μ 1	4 μ 1
DDW	30. 5μ1	31. 5 μ l
Ampli-Tag	0. 5 μ 1	0. 5 μ 1

(Made by ...)

...

[0053]

ミネラルオイル40μlを重層 し、94℃で5分間放置した 後、「55℃で2分間、72℃ [0053]

Mineral-oil 40 microliter is stratified.

By "55 degrees-Celsius after leaving 5 minutes by 94 degrees-Celsius, 3 minutes was



で3分間、94℃で1分間」の サイクルを30サイクル行い、 次いで、55℃で2分間、72℃ で10分間放置した。

(2) 反応液 4 µ 1 をミニゲル 電気泳動(1.5%アガロース ゲル)でチェックした。結果を 図1に示す。モノクローナル抗 体NOK3のL鎖を除いて、P CRによりDNA断片が増幅し たことが確認された。

[0054]

3. VH及びVLフラグメント の回収

- (1) 上記で調製したPCR生 成物をミニゲル電気泳動(1. 5%アガロースゲル)させて、 VH (H鎖V領域) 及びVL (L 鎖V領域)のバンドをゲルから 切り出した。
- (2) Gene Cleanで PCR生成物を回収し、ミニゲ ル電気泳動(1.5%アガロー スゲル)でバンドをチェックし た。例として、NOK4のVH についての結果を図2に示す。

[0055]

4. ライゲーション

下記TAクローニングキットを 用い、DNAの連結反応(Li gation)を行った。

[0056]

【表 6】

02/09/24

performed by 2 minutes and 72 degrees-Celsius, 94 degrees-Celsius performed 30 cycles of the cycles of 1 minute", and 10 minutes was left by 2 minutes and 72 degrees-Celsius by 55 degrees-Celsius then. (2)

Reaction-solution 4 microliter was checked by the mini gel electrophoresis (1.5% agarose gel).

A result is shown to Figure 1.

The L chain of monoclonal-antibody NOK 3 is excluded.

It was checked that the DNA fragment had amplified by PCR.

[0054]

Collection of VH and VL fragment

(1)

The mini gel electrophoresis (1.5% agarose gel) of the PCR product prepared by the above is carried out.

The band of VH (heavy-chain V region) and VL (L-chain V region) was cut down from the gel.

(2)

PCR product is collected by Clean. Gene

The band was checked by the mini gel electrophoresis (1.5% agarose gel).

As an example, the result about VH of NOK 4 is shown to Figure 2.

[0055]

4. Ligation

The ligation (Ligation) of DNA was performed using following TA cloning kit.

[0056]

[Table 6]

JP9-124509-A	THOMSON	
	DERWENT	
ADDW	5 μ 1	
10xLigation buffer	1 μ 1	
P C R ベクター	2 µ 1	
PCR生成物	1 μ 1	

T4DNA Ligase

PCR Vector PCR product

• • •

14℃で一晩反応を行い、ライ ゲーション混合物を得た。

Night reaction was performed by 14 degrees-Celsius, and the ligation mixture was obtained.

[0057]

5. <u>トランスフォーメイション</u> TAクローニングキットを用い て形質転換(Transfor mation)を行った。

(1) 氷上で細胞 50μ 1に、0.5Mの β メルカプトエタノール 2μ 1、及び前記で調製したライゲーション混合物を添加し30分間放置した後、42 $\mathbb C$ の湯浴中に30秒間、次いで、氷上に20分間放置した。450 μ 1のSOC培地を加え、37 $\mathbb C$ で1時間(225 r pm)インキュベートした。

(2) 次いで、LB agar プレート (+Amp, X-Ga 1, IPTG) に拡散した。各 サンプルは、 50μ 1、100 μ 1、 200μ 1であった。 37℃で18時間インキュベート した後、4℃で2時間放置した ところ、白と青のコロニーが発 現した。

[0057]

5. It transformed using the trans formation TA cloning kit (Transformation).
(1)

After having added mercaptoethanol (beta) 2 microliter of 0.5M, and the ligation mixture prepared by the above-mentioned to cell 50 microliter and leaving 30 minutes in it by the on ice, 20 minutes was left then for 30 seconds in 42 degrees-Celsius water bath at the on ice.

SOC culture medium of 450 microliters was added and 1 hour (225 rpm) incubation was carried out by 37 degrees-Celsius.
(2)

Subsequently, LB It diffused on agar plate (+Amp, X-s Gal and IPTG).

Each sample was 50 microliter, 100 microliter, and 200 microliter.

After incubating for 18 hours by 37 degrees-Celsius, when it was left for 2 hours by 4 degrees-Celsius, the colony of white and blue expressed.



[0058]

6. <u>ミニ培養(Mini Cu</u>lture)

- (1) 前記各サンプルのプレー トから白いコロニーを4個ずつ 拾った。
- (2) 3 m l の L B 培地 (+ A m p) に 1 個 の コロニー を 加 え、 3 7 ℃ で 一 晩 振 盪 した。

[0059]

7. ミニ調製 (Mini Preparation)

- (1) 培養溶液1.5mlをエッペンドルフチューブに取った。(保存用としてLBプレートに拡散して37℃で培養した。)4℃で6,000rpm、2分間遠心した。
- (2) $ppt. + 100 \mu 1$ 溶液 1 (リゾチーム 5mg/m 1) を加え、室温で 5 分間放置した後、 $200 \mu 1$ の溶液 2 (氷上で穏やかに 5 分間混合)を添加し、 $150 \mu 1$ の溶液 3 (氷上で 15 分間混合)を添加し、次いで、4 \mathbb{C} で 12 , 000 r pm、5 分間遠心した。
- (3) 新しいエッペンドルフチューブに上清を取った。これに、等容量のフェノールを添加し、次いで、室温で12,00 0rpm、1分間遠心した。

[0060]

(4) 新しいエッペンドルフチューブに上清を取った。これに、等容量の $CHCl_3:iA$ A(99:1) 混合物を加え、室温で12,000rpm、1分間遠心した。

[0058]

6. Mini-culture (Mini Culture)

(1)

It gathered the 4-piece white colony respectively from the plate of each above-mentioned sample.

(2)

The 1-piece colony was added to 3 ml LB culture medium (+Amp), and it carried out night shaking by 37 degrees-Celsius.

[0059]

7. Mini-preparation (Mini Preparation)

(1)

1.5 ml of culture solutions was taken in the Eppendorf tube.

(for preservation, it diffused on LB plate and it cultivated by 37 degrees-Celsius)

2 minutes was centrifuged 6,000 rpm by 4 degrees-Celsius.

(2)

The ppt.+100 microliter solution 1 (lysozyme 5 mg/ml) is added, and it is room temperature, and after leaving 5 minutes, the solution 2 (5 minutes is quietly mixed by the on ice) of 200 microliter is added.

The solution 3 (15 minutes is mixed by the on ice) of 150 microliters is added.

Subsequently, 5 minutes was centrifuged 12,000 rpm by 4 degrees-Celsius.

(3)

The supernatant liquid was taken in the new Eppendorf tube.

The phenol of equal volumes is added to this.

Subsequently, it was room temperature and 1 minute was centrifuged 12,000 rpm.

[0060]

(4)

The supernatant liquid was taken in the new Eppendorf tube.

The CHCl3:iAA (99:1) mixture of equal volumes is added to this, and it was room temperature and 1 minute was centrifuged 12,000 rpm.



- (5) 新しいエッペンドルフチ ューブに上清を取った。これ に、1 μ l のMussel グリ コーゲンと900μ1のエタノ ールを添加し、-80℃で30 分間放置した後、4℃で15, 000rpm、5分間遠心し た。
- (6) 沈殿物を乾燥した。20 μ 1のTE及び1 μ 1のRNa se A (5mg/ml)を加 え、65℃で20分間放置し た。
- (7) このようにして、プラス ミドDNAを得た、
- 気泳動を行い、バンドをチェッ クした。NOK4VI、NOK 5 V_H、NOK 5 V_Lの結果を図 3に示す。

The supernatant liquid was taken in the new Eppendorf tube.

To this, Mussel glycogen of 1 microliter and the ethanol of 900 microliters are added.

After leaving 30 minutes by - 80 degrees-Celsius, 5 minutes was centrifuged 15,000 rpm by 4 degrees-Celsius.

(6)

The precipitate was dried.

TE of 20 microliters, and RNase of 1 A (5 mg/ml) was added and 20 microliter minutes was left by 65 degrees-Celsius.

(7)

Thus, plasmid DNA was obtained.

The mini gel electrophoresis was performed (8) 下記の条件でミニゲル電 on condition that the following, and the band was checked.

> The result of NOK 4VL, NOK 5VH, and NOK 5VL is shown to Figure 3.

[0061]

[0061]

【表7】

[Table 7]

Buf. H

 $1 \mu 1$

EcoRI

 $1 \mu l (IU)$

DNA

 $1 \mu 1$

ADDW

 $7 \mu 1$

した後、0.75%アガロース ゲルに加えて電気泳動を行っ た。

3 7 ℃で 1 時間インキュベート After carrying out 1 hour incubation by 37 degrees-Celsius, in addition to the agarose gel, the electrophoresis was performed 0.75%.



[0062]

8. DNAシーケンス

(1) プラスミドNDAを 1μ 1とり、 99μ 1のTEにて希 釈した。

(2) A 2 6 0 を測定し、DN A値を計算した(A 2 6 0 o f 1. 0 = 5 0 μ g/ml)。 (3) A 2 6 0 値より、DNA が 1 μ g/ μ l となるようにT Eにて希釈した。

(4) Dyeターミネーター法 により、DNAシーケンス(A BIモデル373A)を行っ た。

[0063]

9. V領域の解析

このようにして得られたDNAシーケンスをもとに、V領域のアミノ酸配列をつかれての以近のかた。結果を図4(セラットによりでは、は、ののでは、からのでは、2、4、5のアミノ酸配列)、体のアミノ酸配列)、体のアミノ酸配列)においてのののでは、超ののののでは、超のののでは、超のののでは、である。

[0064]

【発明の効果】

以上説明したように、本発明の 肝炎治療剤は、肝炎治療に有用 である。とりわけ、本発明の肝 炎治療剤は、肝実質細胞がアポ トーシスにより死ぬことにより 発症する肝炎に有効となる。そ の理由は、本発明の肝炎治療剤 [0062]

8. DNA sequence

(1)

The plasmid NDA was taken 1 microliter and it diluted by TE of 99 microliter.

(2)

A260 is measured.

The DNA value was calculated (A260 of 1.0=50 micro-g/ml).

(3)

From A260 value, DNA diluted by TE so as to become 1 micro-s g/microliter.

(4)

By Dye terminator method, it is the DNA sequence (ABI model 373 A) was performed).

[0063]

9. Analysis of V region

Thus on the basis of the obtained DNA sequence, it calculated for the amino acid sequence of V region in the computer analysis.

A result is shown to Figure 4 (amino acid sequence of VH region of monoclonal-antibody NOK 1-5), and 5 (amino acid sequence of VL region of monoclonal-antibody NOK 1, 2, 4, and 5).

These figures.

WHEREIN, the part enclosed with the square line is a hypervariable region (CDR 1-3).

[0064]

[EFFECT OF THE INVENTION]

As explained above, the hepatitis therapeutic agent of this invention is useful to the hepatitis treatment.

Especially, the hepatitis therapeutic agent of this invention consists the hepatitis developed when a hepatic parenchymal cell dies by apoptosis with effectiveness.

As for the reason, the hepatitis therapeutic



制するからである。

は、FasLとFasを介した agent of this invention suppresses apoptosis of 肝実質細胞のアポトーシスを抑 the hepatic parenchymal cell through FasL and Fas.

[0065]

[0065]

【配列表】	[Sequence table]
配列番号:1	Sequence number: 1
配列の長さ:120	Length of a sequence: 120
配列の型:アミノ酸	Sequence-type: Amino acid
トポロジー:直鎖状	Topology: Linear
· · · · · · · · · · · · · · · · · · ·	Kind of sequence: Peptide
配列の種類:ペプチド	Sequence
配列	ValGlnLeuGinGluSerGlyProGluLeuValLysProGl
Val Gin Leu Gin Glu Ser Gly	yAlaSer
Pro Glu Leu Val Lys Pro Gly Ala	1 5 10
Ser	15
1 5	ValLyslleSerCysLysAlaSerGlyTyrAlaPheSerSer
10 15	SerTrp
Val Lys Ile Ser Cys Lys Ala Ser	20 25
Gly Tyr Ala Phe Ser Ser Srr Trp	30
20	MetAsnTrpValLysGlnArgProGlyLysGlyLeuGluTr
25 30	plleGly
Met Asn Trp Val Lys Gln Arg	35 40
Pro Gly Lys Gly Leu Glu Trp lle	45
Gly 35	ArglleTyrProGlyAspGlyAspThrAsnAspAsnGlyL
	ysPheLys
40 45	E0
40 45 Ara lle Tyr Pro Gly Ash Gly Ash	50 55
Arg Ile Tyr Pro Gly Asp Gly Asp	60
Arg Ile Tyr Pro Gly Asp Gly Asp Thr Asn Asp Asn Gly Lys Phe	60 GlyLysAlaThrLeuThrAlaAspLysSerSerSerThrAl
Arg Ile Tyr Pro Gly Asp Gly Asp Thr Asn Asp Asn Gly Lys Phe Lys	60 . GlyLysAlaThrLeuThrAlaAspLysSerSerSerThrAl aTyrMet
Arg Ile Tyr Pro Gly Asp Gly Asp Thr Asn Asp Asn Gly Lys Phe Lys 50 55	60 . GlyLysAlaThrLeuThrAlaAspLysSerSerSerThrAl aTyrMet 65 70
Arg Ile Tyr Pro Gly Asp Gly Asp Thr Asn Asp Asn Gly Lys Phe Lys 50 55	60 GlyLysAlaThrLeuThrAlaAspLysSerSerSerThrAl aTyrMet 65 70 75 80
Arg Ile Tyr Pro Gly Asp Gly Asp Thr Asn Asp Asn Gly Lys Phe Lys 50 55 60 Gly Lys Ala Thr Leu Thr Ala Asp	60 . GlyLysAlaThrLeuThrAlaAspLysSerSerSerThrAl aTyrMet 65 70 75 80 GlnLeuSerSerLeuThrSerGluAspSerAlaValTyrP
Arg Ile Tyr Pro Gly Asp Gly Asp Thr Asn Asp Asn Gly Lys Phe Lys 50 55 60 Gly Lys Ala Thr Leu Thr Ala Asp Lys Ser Ser Ser Thr Ala Tyr Met	60 . GlyLysAlaThrLeuThrAlaAspLysSerSerSerThrAl aTyrMet 65 70 75 80 GlnLeuSerSerLeuThrSerGluAspSerAlaValTyrP heCysAla
Arg Ile Tyr Pro Gly Asp Gly Asp Thr Asn Asp Asn Gly Lys Phe Lys 50 55 60 Gly Lys Ala Thr Leu Thr Ala Asp Lys Ser Ser Ser Thr Ala Tyr Met	GlyLysAlaThrLeuThrAlaAspLysSerSerSerThrAl aTyrMet 65 70 75 80 GlnLeuSerSerLeuThrSerGluAspSerAlaValTyrP heCysAla 85 90 95
Arg Ile Tyr Pro Gly Asp Gly Asp Thr Asn Asp Asn Gly Lys Phe Lys 50 55 60 Gly Lys Ala Thr Leu Thr Ala Asp Lys Ser Ser Ser Thr Ala Tyr Met 65 70 75 80	60 . GlyLysAlaThrLeuThrAlaAspLysSerSerSerThrAl aTyrMet 65 70 75 80 GlnLeuSerSerLeuThrSerGluAspSerAlaValTyrP heCysAla 85 90 95 ArgSerTyrTyrTyrAspGlySerProTrpPheThrTyrTr
Arg Ile Tyr Pro Gly Asp Gly Asp Thr Asn Asp Asn Gly Lys Phe Lys 50 55 60 Gly Lys Ala Thr Leu Thr Ala Asp Lys Ser Ser Ser Thr Ala Tyr Met 65 70	GlyLysAlaThrLeuThrAlaAspLysSerSerSerThrAl aTyrMet 65 70 75 80 GlnLeuSerSerLeuThrSerGluAspSerAlaValTyrP heCysAla 85 90 95 ArgSerTyrTyrTyrAspGlySerProTrpPheThrTyrTr pGlyGln
Arg Ile Tyr Pro Gly Asp Gly Asp Thr Asn Asp Asn Gly Lys Phe Lys 50 55 60 Gly Lys Ala Thr Leu Thr Ala Asp Lys Ser Ser Ser Thr Ala Tyr Met 65 70 75 80 Gln Leu Ser Ser Leu Thr Ser	GlyLysAlaThrLeuThrAlaAspLysSerSerSerThrAl aTyrMet 65 70 75 80 GlnLeuSerSerLeuThrSerGluAspSerAlaValTyrP heCysAla 85 90 95 ArgSerTyrTyrTyrAspGlySerProTrpPheThrTyrTr pGlyGln
Arg Ile Tyr Pro Gly Asp Gly Asp Thr Asn Asp Asn Gly Lys Phe Lys 50 55 60 Gly Lys Ala Thr Leu Thr Ala Asp Lys Ser Ser Ser Thr Ala Tyr Met 65 70 75 80 Gln Leu Ser Ser Leu Thr Ser Glu Asp Ser Ala Val Tyr Phe	GlyLysAlaThrLeuThrAlaAspLysSerSerSerThrAl aTyrMet 65 70 75 80 GlnLeuSerSerLeuThrSerGluAspSerAlaValTyrP heCysAla 85 90 95 ArgSerTyrTyrTyrAspGlySerProTrpPheThrTyrTr pGlyGln 100 105
Arg Ile Tyr Pro Gly Asp Gly Asp Thr Asn Asp Asn Gly Lys Phe Lys 50 55 60 Gly Lys Ala Thr Leu Thr Ala Asp Lys Ser Ser Ser Thr Ala Tyr Met 65 70 75 80 Gln Leu Ser Ser Leu Thr Ser Glu Asp Ser Ala Val Tyr Phe Cys Ala	GlyLysAlaThrLeuThrAlaAspLysSerSerSerThrAl aTyrMet 65 70 75 80 GlnLeuSerSerLeuThrSerGluAspSerAlaValTyrP heCysAla 85 90 95 ArgSerTyrTyrTyrAspGlySerProTrpPheThrTyrTr pGlyGln 100 105 110
Arg Ile Tyr Pro Gly Asp Gly Asp Thr Asn Asp Asn Gly Lys Phe Lys 50 55 60 Gly Lys Ala Thr Leu Thr Ala Asp Lys Ser Ser Ser Thr Ala Tyr Met 65 70 75 80 Gln Leu Ser Ser Leu Thr Ser Glu Asp Ser Ala Val Tyr Phe Cys Ala 85	GlyLysAlaThrLeuThrAlaAspLysSerSerSerThrAl aTyrMet 65 70 75 80 GlnLeuSerSerLeuThrSerGluAspSerAlaValTyrP heCysAla 85 90 95 ArgSerTyrTyrTyrAspGlySerProTrpPheThrTyrTr pGlyGln 100 105 110 GlyThrThrValThrValSerSer
Arg Ile Tyr Pro Gly Asp Gly Asp Thr Asn Asp Asn Gly Lys Phe Lys 50 55 60 Gly Lys Ala Thr Leu Thr Ala Asp Lys Ser Ser Ser Thr Ala Tyr Met 65 70 75 80 Gln Leu Ser Ser Leu Thr Ser Glu Asp Ser Ala Val Tyr Phe Cys Ala 85 90 95	GlyLysAlaThrLeuThrAlaAspLysSerSerSerThrAl aTyrMet 65 70 75 80 GlnLeuSerSerLeuThrSerGluAspSerAlaValTyrP heCysAla 85 90 95 ArgSerTyrTyrTyrAspGlySerProTrpPheThrTyrTr pGlyGln 100 105 110 GlyThrThrValThrValSerSer
Arg Ile Tyr Pro Gly Asp Gly Asp Thr Asn Asp Asn Gly Lys Phe Lys 50 55 60 Gly Lys Ala Thr Leu Thr Ala Asp Lys Ser Ser Ser Thr Ala Tyr Met 65 70 75 80 Gln Leu Ser Ser Leu Thr Ser Glu Asp Ser Ala Val Tyr Phe Cys Ala 85 90 95 Arg Ser Tyr Tyr Tyr Asp Gly Ser	GlyLysAlaThrLeuThrAlaAspLysSerSerSerThrAl aTyrMet 65 70 75 80 GlnLeuSerSerLeuThrSerGluAspSerAlaValTyrP heCysAla 85 90 95 ArgSerTyrTyrTyrAspGlySerProTrpPheThrTyrTr pGlyGln 100 105 110 GlyThrThrValThrValSerSer



Gly Thr Thr Val Thr Val Ser Ser 115

120

[0066]

配列番号:2

配列の長さ:360

配列の型:核酸

鎖の数:二本鎖

トポロジー:直鎖状

配列の種類: c D N A to

mRNA

起源

マウス

配列の特徴:

特徴を決定した方法:E

配列

GTG CAG CTG CAG GAG TCT GGA CCT GAG CTG GTG AAG CCT GGG GCC TCA

48

GTG AAG ATT TCC TGC AAG
GCT TCT GGC TAT GCA TTC
AGT AGC TCC TGG 96
ATG AAC TGG GTG AAG CAG
AGG CCT GGA AAG GGT CTT
GAG TGG ATT GGA 144
CGA ATT TAT CCT GGA GAT
GGA GAT ACT AAC GAC AAC
GGG AAG TTC AAG 192
GGC AAG GCC ACA CTG
ACC GCA GAC AAA TCC TCC
AGC ACA GCC TAC ATG

240
CAA CTC AGC AGT CTG ACA
TCT GAG GAC TCT GCG GTC
TAC TTC TGT GCA 288
AGA TCG TAT TAC TAC GAT
GGT AGC CCC TGG TTT ACT
TAC TGG GGC CAA 336

GGG ACC ACG GTC ACC

360

[0067]

[0067]

[0066]

Sequence number: 2

Length of a sequence: 360 Sequence type: Nucleic acid

The number of chains: It is double stranded.

Topology: Linear

Kind of sequence: cDNA to mRNA

Origin Mouse

The characteristic of a sequence:

GGTGAAGCCTGGGGCCTCA

Method to have determined the characteristic:

Ε

Sequence

GTGCAGCTGCAGGAGTCTGGACCTGAGCT

48

GTGAAGATTTCCTGCAAGGCTTCTGGCTAT

GCATTCAGTAGCTCCTGG 96

ATGAACTGGGTGAAGCAGAGGCCTGGAAA GGGTCTTGAGTGGATTGGA 144

CGAATTTATCCTGGAGATGGAGATACTAACG

ACAACGGGAAGTTCAAG 192

GGCAAGGCCACACTGACCGCAGACAAATC

CTCCAGCACAGCCTACATG 240

CAACTCAGCAGTCTGACATCTGAGGACTCT

GCGGTCTACTTCTGTGCA 288

AGATCGTATTACTACGATGGTAGCCCCTGGT

TTACTTACTGGGGCCAA 336 GGGACCACGGTCACCGTCTCCTCA

360



Sequence-type: Amino acid Topology: Linear Kind の種類: ペプチド 配列の種類: ペプチド の Ser Ser Leu Ser Ala Ser Leu Gly 1 5 4 5 10 15 4 5 15 5 10 15 4 5 4 5 10 15 5 4 5 10 15 5 5 10 15 5 5 10 15 5 5 10 15 5 5 10 15 5 5 10 15 5 5 10 15 5 5 10 15 6 6 6 70 15 6 70 15 6 8 70 15 6 8 8 8 8 8 8 1	配列番号:3 配列の長さ:108	Sequence number: 3 Length of a sequence: 108
配列の種類:ペプチド Sequence: Peptide Sequence Asplle Gln Met Thr Gln Ser Pro Ser Ser Leu Ser Ala Ser Leu Gly 1 5 10 15	配列の型:アミノ酸	Sequence-type: Amino acid
RE列 Asp Ile Gin Met Thr Gin Ser Pro Ser Ser Leu Ser Ala Ser Leu Gly	トポロジー:直鎖状	
Aspile Gin Met Thr Gin Ser Pro Ser Ser Leu Ser Ala Ser Leu Giy 1 5 4sp Arg Val Thr Ile Ser Cys Arg Ala Ser Gin Asp Ile Ser Asn Tyr 20 25 Asp Gin Asp Ile Ser Asn Tyr 20 25 Asp Gily Thr Val Lys Leu Leu Ile 35 45 Tyr Tyr Thr Ser Arg Leu His Ser Gily Val Pro Ser Arg Phe Ser Gily Ser Gily Thr Asp Tyr Ser Leu Thr Ile Ser Asn Leu Giu Pro 65 70 75 80 Gilu Asp Ile Ala Thr Tyr Phe Cys Gin Gin Tyr Ser Giu Phe Pro Trp 85 90 95 Thr Phe Giy Giy Giy Thr Lys Leu Giu Ile Lys Arg 100	配列の種類:ペプチド	· · · · · · · · · · · · · · · · · · ·
Asp lie Gin Met Thr Gin Ser Pro	配列	
Gly 1	·	
AspArgValThrIleSerCysArgAlaSerGlnAspIleSer Asp Arg Val Thr Ile Ser Cys Arg Ala Ser Gin Asp Ile Ser Asn Tyr 20 25 30 Leu Asn Trp Tyr Gin Gin Lys Pro Asp Giy Thr Val Lys Leu Leu Ile 35 40 45 Tyr Tyr Thr Ser Arg Leu His Ser Giy Val Pro Ser Arg Phe Ser Giy Ser Giy Ser Giy Thr Asp Tyr Ser Leu Thr Ile Ser Asn Leu Glu Pro 65 70 Ser Giy Ser Giy Thr Asp Tyr Ser Leu Thr Ile Ser Asn Leu Glu Pro 65 70 61 Glu Asp Ile Ala Thr Tyr Phe Cys Gin Gin Tyr Ser Giu Phe Pro Trp 85 90 95 Thr Phe Giy Giy Giy Thr Lys Leu Giu Ile Lys Arg 100 AspArgValThrIleSerCysArgAlaSerGinAspIleSer AsnTyr 20 25 AspArgValThrIleSerCysArgAlaSerGinAspIleSer AsnTyr 20 25 AsnTyr 20 25 AsnTyr 20 25 AspArgValThrileSerCysArgAlaSerGinAspIleSer AsnTyr 20 25 AsnTyr 20 25 AsnTyr 20 25 AsnTyr 20 20 LeuAsnTrpTyrGinGinLysProAspGiyThrValLysL euLeulle 35 40 FyrTyrTyrThrSerArgLeuHisSerGiyValProSerArgPh eSerGiy 50 SerGiySerGiyThrAspTyrSerLeuThrIleSerAsnLe uGluPro 65 70 75 80 GluAspIleAlaThrTyrPheCysGinGinTyrSerGiuPh eProTrp 85 90 95 ThrPheGiyGiyGiyThrLysLeuGlulleLysArg 100 105 ThrPheGiyGiyGiyThrLysLeuGlulleLysArg 100 105		1 5 10
Asp Arg Val Thr Ile Ser Cys Arg Ala Ser Gin Asp Ile Ser Asn Tyr 20 25 30 Leu Asn Trp Tyr Gin Gin Lys Pro Asp Giy Thr Val Lys Leu Leu Ile 35 45 Tyr Tyr Thr Ser Arg Leu His Ser Giy Val Pro Ser Arg Phe Ser Giy Val Pro Ser Arg Phe Ser Giy Ser Giy Ser Giy Thr Asp Tyr Ser Leu Thr Ile Ser Asn Leu Giu Pro 65 70 75 80 Giu Asp Ile Ala Thr Tyr Phe Cys Gin Gin Tyr Ser Giu Phe Pro Trp 85 90 95 Thr Phe Giy Giy Giy Thr Lys Leu Giu Ile Lys Arg 100 AsnTyr 20 25 30 LeuAsnTrpTyrGinGinLysProAspGiyThrValLysL euLeulle 35 45 TyrTyrThrSerArgLeuHisSerGiyValProSerArgPh eSerGly 55 60 SerGlySerGlyThrAspTyrSerLeuThrlleSerAsnLe uGluPro 65 70 75 80 GluAspIleAlaThrTyrPheCysGinGinTyrSerGiuPh eProTrp 85 90 95 Thr Phe Giy Giy Giy Thr Lys Leu Giu Ile Lys Arg 100	•	
Asp Arg Val Thr Ile Ser Cys Arg Ala Ser Gln Asp Ile Ser Asn Tyr 20 30 Leu Asn Trp Tyr Gln Gln Lys Pro Asp Gly Thr Val Lys Leu Leu Ile 35 45 45 Tyr Tyr Thr Ser Arg Leu His Ser Gly Val Pro Ser Arg Phe Ser Gly Val Pro Ser Arg Phe Ser Gly Val Pro Ser Arg Phe Ser Gly Ser Gly Thr Asp Tyr Ser Leu Thr Ile Ser Asn Leu Glu Pro 65 70 75 80 Glu Asp Ile Ala Thr Tyr Phe Cys Gln Gln Tyr Ser Glu Phe Pro Trp 85 90 95 Thr Phe Gly Gly Gly Thr Lys Leu Glu Ille Lys Arg 100		, , ,
Ala Ser Gln Asp Ile Ser Asn Tyr 20 Leu Asn Trp Tyr Gln Gln Lys Pro Asp Gly Thr Val Lys Leu Leu Ile 35 45 Tyr Tyr Thr Ser Arg Leu His Ser Gly Val Pro Ser Arg Phe Ser Gly 50 Ser Gly Ser Gly Thr Asp Tyr Ser Leu Thr Ile Ser Asn Leu Glu Pro 65 70 75 80 Glu Asp Ile Ala Thr Tyr Phe Cys Gln Gln Tyr Ser Glu Phe Pro Trp 85 90 95 Thr Phe Gly Gly Gly Thr Lys Leu Glu Ile Lys Arg 100 LeuAsnTrpTyrGlnGlnLysProAspGlyThrValLysL euLeuIle 35 40 LeuAsnTrpTyrGlnGlnLysProAspGlyThrValLysL euLeuIlle 35 55 40 Ser Gly Ser Gly Thr Ser Arg Leu His Ser 60 Ser GlySer GlyThrAspTyrSerLeuThrlleSerAsnLe uGluPro 65 70 75 80 GluAspIleAlaThrTyrPheCysGlnGlnTyrSerGluPh eProTrp 85 90 95 Thr Phe Gly Gly Gly Thr Lys Leu Glu Ile Lys Arg 100		
Leu Asn Trp Tyr Gln Gln Lys Pro Asp Gly Thr Val Lys Leu Leu Ile 35 40 45 Tyr Tyr Thr Ser Arg Leu His Ser Gly Val Pro Ser Arg Phe Ser Gly 50 50 50 Ser Gly Ser Gly Thr Asp Tyr Ser Leu Thr Ile Ser Asn Leu Glu Pro 65 70 75 80 Glu Asp Ile Ala Thr Tyr Phe Cys Gln Gln Tyr Ser Glu Phe Pro Trp 85 90 95 Thr Phe Gly Gly Gly Thr Lys Leu Glu Ile Lys Arg 100 LeuAsnTrpTyrGlnGlnLysProAspGlyThrValLys eucleuile 35 40 45 TyrTyrThrSerArgLeuHisSerGlyValProSerArgPh eSerGly 45 TyrTyrThrSerArgLeuHisSerGlyValProSerArgPh 66 67 60 SerGlySerGlyThrAspTyrSerLeuThrIleSerAsnLe uGluPro 65 70 75 80 GluAspIleAlaThrTyrPheCysGlnGlnTyrSerGluPh eProTrp 85 90 95 ThrPheGlyGlyGlyThrLysLeuGluIleLysArg 100 105 ThrPheGly Gly Gly Thr Lys Leu Glu Ile Lys Arg 100		
Leu Asn Trp Tyr Gln Gln Lys Pro Asp Gly Thr Val Lys Leu Leu Ile 35 45 Tyr Tyr Thr Ser Arg Leu His Ser Gly Val Pro Ser Arg Phe Ser Gly Ser Gly Thr Asp Tyr Ser Leu Thr Ile Ser Asn Leu Glu Pro 65 75 80 Ser Gly Ser Gly Thr Asp Tyr Ser Leu Thr Ile Ser Asn Leu Glu Pro 65 75 80 Glu Asp Ile Ala Thr Tyr Phe Cys Gln Gln Tyr Ser Glu Phe Pro Trp 85 90 95 Thr Phe Gly Gly Gly Thr Lys Leu Glu Ile Lys Arg 100 105	· · · · · · · · · · · · · · · · · · ·	
Leu Asn Trp Tyr Gln Gln Lys Pro Asp Gly Thr Val Lys Leu Leu Ile 35 40 45 Tyr Tyr Thr Ser Arg Leu His Ser Gly Val Pro Ser Arg Phe Ser Gly 50 55 60 Ser Gly Ser Gly Thr Asp Tyr Ser Leu Thr Ile Ser Asn Leu Glu Pro 65 70 75 80 Glu Asp Ile Ala Thr Tyr Phe Cys Gln Gln Tyr Ser Glu Phe Pro Trp 85 90 95 Thr Phe Gly Gly Gly Thr Lys Leu Glu Ile Lys Arg 100 35 45 TyrTyrThrSerArgLeuHisSerGlyValProSerArgPh eSerGly 50 60 SerGlySerGlyThrAspTyrSerLeuThrlleSerAsnLe uGluPro 65 70 65 70 66 GluAspIleAlaThrTyrPheCysGlnGlnTyrSerGluPh eProTrp 85 90 95 Thr Phe Gly Gly Gly Thr Lys Leu Glu Ile Lys Arg 100	25 30	· · · · · · · · · · · · · · · · · · ·
Leu Ile TyrTyrThrSerArgLeuHisSerGlyValProSerArgPh eSerGly 40 45 50 55 Tyr Tyr Thr Ser Arg Leu His Ser Gly Val Pro Ser Arg Phe Ser Gly Val Pro Ser Arg Phe Ser Gly Val Pro Ser Arg Phe Ser Gly SerGlySerGlyThrAspTyrSerLeuThrlleSerAsnLe uGluPro 65 70 70 75 80 60 75 80 Ser Gly Ser Gly Thr Asp Tyr Ser Leu Thr Ile Ser Asn Leu Glu Pro 65 70 85 90 95 Thr Phe Gly Gly Phe Pro Trp 85 90 95 Thr Phe Gly Gly Gly Thr Lys Leu Glu Ile Lys Arg 100 105		
40	• •	
40 45 50 55 Tyr Tyr Thr Ser Arg Leu His Ser Gly Val Pro Ser Arg Phe Ser Gly Val Pro Ser Arg Phe Ser Gly SerGlySerGlyThrAspTyrSerLeuThrlleSerAsnLe uGluPro 50 55 65 70 60 75 80 Ser Gly Ser Gly Thr Asp Tyr Ser Leu Thr Ile Ser Asn Leu Glu Pro 65 70 85 90 95 Thr Phe Gly Gly Ala Thr Tyr Phe Cys Glin Gln Tyr Ser Glu Phe Pro Trp 85 90 95 Thr Phe Gly Gly Gly Thr Lys Leu Glu Ile Lys Arg 100 105		
Tyr Tyr Thr Ser Arg Leu His Ser Gly Val Pro Ser Arg Phe Ser Gly Val Pro Ser Arg Phe Ser Gly Val Pro Ser Arg Phe Ser Gly Ser Gly Thr Asp Tyr Ser Leu Thr Ile Ser Asn Leu Glu Pro 65 70 75 80 GluAspIleAlaThrTyrPheCysGlnGlnTyrSerGluPh eProTrp 85 90 95 Thr Phe Gly Gly Gly Thr Lys Leu Glu Ile Lys Arg 100		
Gly Val Pro Ser Arg Phe Ser Gly Val Pro Ser Arg Phe Ser Gly Ser Gly Ser Gly Ser Gly Ser Gly Thr Asp Tyr Ser Leu Thr lle Ser Asn Leu Glu Pro 65 70 75 80 Glu Asp Ile Ala Thr Tyr Phe Cys Gln Gln Tyr Ser Glu Phe Pro Trp 85 90 95 Thr Phe Gly Gly Gly Thr Lys Leu Glu Ile Lys Arg 100 105		- -
Gly 55 65 70 60 75 80 Ser Gly Ser Gly Thr Asp Tyr Ser Leu Thr lle Ser Asn Leu Glu Pro 65 70 85 90 95 75 80 ThrPheGlyGlyGlyThrLysLeuGlulleLysArg Glu Asp lle Ala Thr Tyr Phe Cys Gln Gln Tyr Ser Glu Phe Pro Trp 85 90 95 Thr Phe Gly Gly Gly Thr Lys Leu Glu lle Lys Arg 100		
50 55 65 70 60 75 80 Ser Gly Ser Gly Thr Asp Tyr Ser Leu Thr lle Ser Asn Leu Glu Pro 65 70 75 80 Glu Asp lle Ala Thr Tyr Phe Cys Gln Gln Tyr Ser Glu Phe Pro Trp 85 90 95 Thr Phe Gly Gly Gly Thr Lys Leu Glu lle Lys Arg 100	•	
Ser Gly Ser Gly Thr Asp Tyr Ser Leu Thr lle Ser Asn Leu Glu Pro 65 70 75 80 Glu Asp lle Ala Thr Tyr Phe Cys Gln Gln Tyr Ser Glu Phe Pro Trp 85 90 95 Thr Phe Gly Gly Gly Thr Lys Leu Glu lle Lys Arg 100 GluAsplleAlaThrTyrPheCysGlnGlnTyrSerGluPh eProTrp 85 90 105 GluAsplleAlaThrTyrPheCysGlnGlnTyrSerGluPh eProTrp 85 90 105 Thr Phe Gly Gly Gly Thr Lys Leu Glu lle Lys Arg 100	•	
Leu Thr Ile Ser Asn Leu Glu Pro 65 70 85 90 95 75 80 ThrPheGlyGlyGlyThrLysLeuGlulleLysArg Glu Asp Ile Ala Thr Tyr Phe Cys Gln Gln Tyr Ser Glu Phe Pro Trp 85 90 95 Thr Phe Gly Gly Gly Thr Lys Leu Glu Ile Lys Arg 100		
65 70 85 90 95 75 80 ThrPheGlyGlyGlyThrLysLeuGlulleLysArg Glu Asp Ile Ala Thr Tyr Phe Cys Gln Gln Tyr Ser Glu Phe Pro Trp 85 90 95 Thr Phe Gly Gly Gly Thr Lys Leu Glu Ile Lys Arg 100		GluAsplleAlaThrTyrPheCysGlnGlnTyrSerGluPh
75 80 ThrPheGlyGlyGlyThrLysLeuGlulleLysArg Glu Asp Ile Ala Thr Tyr Phe Cys Gln Gln Tyr Ser Glu Phe Pro Trp 85 90 95 Thr Phe Gly Gly Gly Thr Lys Leu Glu Ile Lys Arg 100		
Glu Asp Ile Ala Thr Tyr Phe Cys Gln Gln Tyr Ser Glu Phe Pro Trp 85 90 95 Thr Phe Gly Gly Gly Thr Lys Leu Glu Ile Lys Arg 100		
Gln Gln Tyr Ser Glu Phe Pro Trp 85 90 95 Thr Phe Gly Gly Gly Thr Lys Leu Glu Ile Lys Arg 100		
Trp 85 90 95 Thr Phe Gly Gly Gly Thr Lys Leu Glu Ile Lys Arg 100		100 105
90 95 Thr Phe Gly Gly Thr Lys Leu Glu Ile Lys Arg 100		
Thr Phe Gly Gly Thr Lys Leu Glu Ile Lys Arg 100	85	
Leu Glu Ile Lys Arg 100		
100		
	100	
[0068]	[0068]	[0068]
配列番号:4 Sequence number: 4		•
配列の長さ:3 2 4 Length of a sequence: 324		
配列の型: 核酸 Sequence-type: Nucleic acid The number of chains: It is double stranded	配列の型:核酸	
新りかり主・核酸 The number of chains: It is double stranded. Topology: Linear	鎖の数:二本鎖	
トポロジー:直鎖状 Kind of sequence: cDNA to mRNA	トポロジー:直鎖状	



Origin 配列の種類: cDNA t o Mouse mRNAThe characteristic of a sequence: 起源 Method to have determined the characteristic: マウス 配列の特徴: Sequence 特徴を決定した方法:E GACATCCAGATGACGCAGTCTCCATCCTCC 配列 CTGTCTGCCTCTCTGGGA 48 GAC ATC CAG ATG ACG CAG GACAGAGTCACCATCAGTTGCAGGGCAAGT TCT CCA TCC TCC CTG TCT CAGGATATTAGCAATTAT 96 GCC TCT CTG GGA 48 TTAAACTGGTATCAGCAGAAACCAGATGGAA GAC AGA GTC ACC ATC AGT CTGTTAAACTCCTGATC 144 TGC AGG GCA AGT CAG GAT TACTACACATCAAGATTACACTCAGGAGTCC ATT AGC AAT TAT 96 CATCAAGGTTCAGTGGC 192 TTA AAC TGG TAT CAG CAG AGTGGGTCTGGGACAGATTATTCTCTCACC AAA CCA GAT GGA ACT GTT ATCAGCAACCTGGAACCT 240 AAA CTC CTG ATC 144 GAAGATATTGCCACTTACTTTTGTCAGCAAT TAC TAC ACA TCA AGA TTA ATAGTGAATTTCCGTGG 288 CAC TCA GGA GTC CCA TCA ACGTTCGGTGGAGGCACCAAGCTGGAAAT AGG TTC AGT GGC 192 CAAACGG 324 AGT GGG TCT GGG ACA GAT TAT TCT CTC ACC ATC AGC AAC CTG GAA CCT 240 GAA GAT ATT GCC ACT TAC TTT TGT CAG CAA TAT AGT GAA TTT CCG TGG 288 ACG TTC GGT GGA GGC ACC AAG CTG GAA ATC AAA CGG 324 [0069] [0069]

Sequence number: 5 配列番号:5 Length of a sequence: 118 配列の長さ:118 Sequence type: Amino acid 配列の型:アミノ酸 Topology: Linear トポロジー:直鎖状 Kind of sequence: **Peptide** 配列の種類:ペプチド Sequence 配列 ValGlnLeuGlnGlnSerGlyAlaGluLeuValArgProGl Val Gln Leu Gln Gln Ser Gly Ala vThrSer Glu Leu Val Arg Pro Gly Thr Ser 5 10 1 1 5 15 10 15 ValLysMetSerCysLysAlaAlaGlyTyrThrPheThrAs Val Lys Met Ser Cys Lys Ala Ala nTyrTrp Gly Tyr Thr Phe Thr Asn Tyr Trp 20 25 20 30 25 30 IleGlyTrpValLysGlnArgProGlyHisGlyLeuGluTrpI lle Gly Trp Val Lys Gln Arg Pro leGly



40 Gly His Gly Leu Glu Trp lle Gly 35 45 35 40 45 TyrLeuTyrProGlyGlyLeuTyrThrAsnTyrAsnGluLy Tyr Leu Tyr Pro Gly Gly Leu Tyr sPheLys Thr Asn Tyr Asn Glu Lys Phe 50 55 Lys 60 50 55 GlyLysAlaThrLeuThrAlaAspThrSerSerSerThrAl 60 aTvrMet 70 Gly Lys Ala Thr Leu Thr Ala Asp 65 Thr Ser Ser Ser Thr Ala Tyr Met 75 80 65 GInLeuSerSerLeuThrSerGluAspSerAlalleTyrTy 75 80 rCysAla Gln Leu Ser Ser Leu Thr Ser 85 90 95 Glu Asp Ser Ala Ile Tyr Tyr Cys ArgTyrArgAspTyrAspTyrAlaMetAspTyrTrpGlyGl Ala nGlvThr 105 85 100 90 95 110 Arg Tyr Arg Asp Tyr Asp Tyr Ala ThrValThrValSerSer Met Asp Tyr Trp Gly Gln Gly Thr 115 100 105 110 Thr Val Thr Val Ser Ser 115 [0070] [0070] Sequence number: 6 配列番号:6 Length of a sequence: 354 配列の長さ:354 Sequence-type: Nucleic acid 配列の型:核酸 The number of chains: It is double stranded. 鎖の数:二本鎖 Topology: Linear トポロジー:直鎖状 cDNA Kind of sequence: **mRNA** to 配列の種類:cDNA t o Origin mRNA Mouse The characteristic of a sequence: 起源 Method to have determined the characteristic: マウス Ε 配列の特徴: Sequence 特徴を決定した方法:E GTGCAGCTGCAGCAGTCAGGAGCTGAGCT 配列 GGTAAGGCCTGGGACTTCA 48 GTG CAG CTG CAG CAG TCA GTGAAGATGTCCTGCAAGGCTGCTGGATAC GGA GCT GAG CTG GTA **ACCTTCACTAACTACTGG** 96 AGG CCT GGG ACT TCA ATAGGTTGGGTAAAGCAGAGGCCTGGACAT 48 GGCCTTGAGTGGATTGGA 144 GTG AAG ATG TCC TGC AAG TATCTTTACCCTGGAGGTCTTTATACTAACTA GCT GCT GGA TAC ACC TTC CAATGAGAAGTTCAAG 192 ACT AAC TAC TGG 96 GGCAAGGCCACACTGACTGCAGACACATC ATA GGT TGG GTA AAG CAG CTCCAGCACAGCCTACATG 240

[0071]



AGG CCT GGA CAT GGC CTT CAGCTCAGCAGCCTGACATCTGAGGACTCT GCCATCTATTACTGTGCA 288 GAG TGG ATT GGA 144 CTT TAT ACT AAC TAC AAT ACTGGGGCCAAGGGACC 336 GAG AAG TTC AAG 192 ACGGTCACCGTCTCCTCA GGC AAG GCC ACA CTG ACT 354 GCA GAC ACA TCC TCC AGC ACA GCC TAC ATG 240 CAG CTC AGC AGC CTG ACA TCT GAG GAC TCT GCC ATC TAT TAC TGT GCA AGA TAC AGG GAT TAC GAC TAT GCT ATG GAC TAC TGG GGC CAA GGG ACC 336 ACG GTC ACC GTC TCC TCA 354

[0071]

Sequence number: 7 配列番号:7 Length of a sequence: 113 配列の長さ:113 Sequence-type: Amino acid 配列の型:アミノ酸 Topology: Linear トポロジー:直鎖状 Kind of sequence: **Peptide** 配列の種類:ペプチド Sequence 配列 AspValLeuMetThrGInThrProLeuSerLeuProValA Asp Val Leu Met Thr Gln Thr snileGly Pro Leu Ser Leu Pro Val Asn Ile 1 5 10 Gly 15 1 5 AspGinAlaSerIleSerCysLysSerThrLysSerLeuLe 10 15 uAsnSer Asp Gln Ala Ser Ile Ser Cys Lys 20 25 Ser Thr Lys Ser Leu Leu Asn 30 Ser AspGlyPheThrTyrLeuGlyTrpCysLeuGlnLysPro 20 GlyGlnSer 25 30 40 35 Asp Gly Phe Thr Tyr Leu Gly 45 Trp Cys Leu Gln Lys Pro Gly ProGinLeuLeulleTyrLeuValSerAsnArgPheSerGl Gln Ser yValPro 35 55 50 40 45 60 Pro Gln Leu Leu Ile Tyr Leu Val AspArgPheSerGlySerGlySerGlyThrAspPheThr Ser Asn Arg Phe Ser Gly Val LeuLyslle Pro 70 65 50 55 75 80 60 SerArgValGluAlaGluAspLeuGlyValTyrTyrCysPh eGInSer Asp Arg Phe Ser Gly Ser Gly 85 90 95



Ser Gly Thr Asp Phe Thr Leu AsnTyrLeuProLeuThrPheGlySerGlyThrLysLeu Lvs Ile GlulleLys 65 70 100 105 80 75 110 Ser Arg Val Glu Ala Glu Asp Arg Leu Gly Val Tyr Tyr Cys Phe GIn Ser 85 90 95 Asn Tyr Leu Pro Leu Thr Phe Gly Ser Gly Thr Lys Leu Glu lle Lys 100 105 110 Arg [0072] [0072]Sequence number: 8 配列番号:8 Length of a sequence: 339 配列の長さ:339 Sequence type: Nucleic acid 配列の型:核酸 The number of chains: It is double stranded. 鎖の数:二本鎖 Topology: Linear トポロジー:直鎖状 Kind of sequence: **mRNA** cDNA to 配列の種類: c D N A t o Origin mRNAMouse The characteristic of a sequence: 起源 Method to have determined the characteristic: マウス Ε 配列の特徴: Sequence 特徴を決定した方法:E GATGTTTTGATGACCCAAACTCCACTCTCTC 配列 TGCCTGTCAATATTGGA 48

GAT GTT TTG ATG ACC CAA
ACT CCA CTC TCT CTG CCT
GTC AAT ATT GGA 48
GAT CAA GCC TCT ATC TCT
TGC AAG TCT ACT AAG AGC
CTT CTG AAT AGT 96
GAT GGA TTC ACT TAT TTG
GGC TGG TGC CTG CAG
AAG CCA GGC CAG TCT
144

CCA CAG CTC CTA ATA TAT
TTG GTT TCT AAT CGA TTT
TCT GGA GTT CCA 192
GAC AGG TTC AGT GGT AGT
GGG TCA GGG ACA GAT TTC
ACC CTC AAG ATC 240

GATCAAGCCTCTATCTCTTGCAAGTCTACTA AGAGCCTTCTGAATAGT GATGGATTCACTTATTTGGGCTGGTGCCTG CAGAAGCCAGGCCAGTCT 144 CCACAGCTCCTAATATATTTGGTTTCTAATCG ATTTTCTGGAGTTCCA 192 GACAGGTTCAGTGGTAGTGGGTCAGGGAC **AGATTTCACCCTCAAGATC** 240 AGCAGAGTGGAGGCTGAGGATTTGGGAGT TTATTATTGCTTCCAGAGT 288 AACTATCTTCCTCTTACGTTCGGATCGGGGA CCAAGCTGGAAATAAAA 336 339 CGG



AGC AGA GTG GAG GCT
GAG GAT TTG GGA GTT TAT
TAT TGC TTC CAG AGT
288
AAC TAT CTT CCT CTT ACG
TTC GGA TCG GGG ACC
AAG CTG GAA ATA AAA
336
CGG
339

[0073]	[0073]
- 配列番号:9	Sequence number: 9
配列の長さ:116	Length of a sequence: 116
	Sequence type: Amino acid
配列の型:アミノ酸	Topology: Linear
トポロジー:直鎖状	Kind of sequence: Peptide
配列の種類:ペプチド	Sequence
配列	ValLysLeuGlnGluSerGlyProGluLeuValLysProGl
Val Lys Leu Gln Glu Ser Gly Pro	yAlaSer
Glu Leu Val Lys Pro Gly Ala Ser	1 5 10
1 5	15
10 15	ValLyslleSerCysLysAlaSerGlyTyrAlaPheSerSer
Val Lys Ile Ser Cys Lys Ala Ser	SerTrp
Gly Tyr Ala Phe Ser Ser Srr Trp	20 25
20	30
25 30	MetAsnTrpValLysGlnArgProGlyLysGlyLeuGluTr
Met Asn Trp Val Lys Gln Arg	
Pro Gly Lys Gly Leu Glu Trp lle	
Gly	45
35	ArgIleTyrProValAsnGlyAspThrAsnTyrAsnGlyLy
40 45	sPheLys
Arg Ile Tyr Pro Val Asn Gly Asp	50 55
Thr Asn Tyr Asn Gly Lys Phe	60
Lys	GlyLysAlaThrLeuThrAlaAspLysSerSerSerThrAl
50 55	aTyrMet
60	65 70
Gly Lys Ala Thr Leu Thr Ala As	75 80
p Lys Ser Ser Ser Thr Ala Tyr	GlnLeuSerSerLeuThrSerGluAspSerAlaValTyrP
Met	heCysAla
65 70	85 90 95
75 80	ThrAspGlyTyrTrpTyrPheAspValTrpGlyGlnGlyTh
Gln Leu Ser Ser Leu Thr Ser	rThrVal
Glu Asp Ser Ala Val Tyr Phe	100 105
Cys Ala	110
85	ThrValSerSer
90 95	115

02/09/24



Thr Asp Gly Tyr Trp Tyr Phe Asp Val Trp Gly Gln Gly Thr Thr Val

100

105 110

Thr Val Ser Ser

115

[0074]

配列番号:10

配列の長さ:348

配列の型:核酸

鎖の数:二本鎖

トポロジー:直鎖状

配列の種類:cDNA to

mRNA

起源

マウス

配列の特徴:

特徴を決定した方法:E

配列

GTG AAG CTG CAG GAG TCT GGA CCT GAG CTG GTG AAG CCT GGG GCC TCA

48

GTG AAG ATT TCC TGC AAG
GCT TCT GGC TAT GCA TTC
AGT AGC TCC TGG 96
ATG AAC TGG GTG AAA CAG
AGG CCT GGG AAG GGT
CTT GAG TGG ATT GGA

144

CGG ATT TAT CCT GTA AAT GGA GAT ACT AAC TAC AAT **GGG AAG TTC AAG** 192 GGC AAG GCC ACA CTG ACT GCA GAC AAA TCC TCC AGC ACA GCC TAC ATG 240 CAA CTC AGC AGC CTG ACA TCT GAG GAC TCT GCG GTC TAC TTC TGT GCA 288 ACC GAT GGT TAC TGG TAC TTC GAT GTC TGG GGC CAA GGG ACC ACG GTC 336 ACC **GTC** TCC **TCA**

[0074]

Sequence number: 10

Length of a sequence: 348 Sequence-type: Nucleic acid

The number of chains: It is double stranded.

Topology: Linear

Kind of sequence: cDNA to mRNA

Origin Mouse

The characteristic of a sequence:

Method to have determined the characteristic:

Ε

Sequence

GTGAAGCTGCAGGAGTCTGGACCTGAGCT

GGTGAAGCCTGGGGCCTCA 48

GTGAAGATTTCCTGCAAGGCTTCTGGCTAT

GCATTCAGTAGCTCCTGG 96

ATGAACTGGGTGAAACAGAGGCCTGGGAA

GGGTCTTGAGTGGATTGGA 144

CGGATTTATCCTGTAAATGGAGATACTAACTA

CAATGGGAAGTTCAAG 192

GGCAAGGCCACACTGACTGCAGACAAATCC

TCCAGCACAGCCTACATG 240

CAACTCAGCAGCCTGACATCTGAGGACTCT

GCGGTCTACTTCTGTGCA 288

ACCGATGGTTACTGGTACTTCGATGTCTGG

GGCCAAGGGACCACGGTC 336

ACCGTCTCCTCA 348



348

[0075]	[0075]
- 配列番号:11	Sequence number: 11
配列の長さ:118	Length of a sequence: 118
配列の型:アミノ酸	Sequence-type: Amino acid
	Topology: Linear
トポロジー:直鎖状	Kind of sequence: Peptide
配列の種類:ペプチド	Sequence
配列	ValGInLeuGInGluSerGlyProGlyLeuValLysProS
Val Gln Leu Gln Glu Ser Gly	erGlnSer
Pro Gly Leu Val Lys Pro Ser Gln	1 5 10
Ser	15
1 5	LeuSerLeuThrCysSerValThrGlyTyrSerlleThrSer
10 15	GlyTyr
Leu Ser Leu Thr Cys Ser Val	20 25
Thr Gly Tyr Ser Ile Thr Ser Gly	30
Tyr	TyrTrpAsnTrplleArgGlnPheProGlyAsnLysLeuGl
20	uTrpMet
25 30	35 40
Tyr Trp Asn Trp Ile Arg Gln Phe	45
Pro Gly Asn Lys Leu Glu Trp	GlyTyrIleSerTyrAspGlySerAsnAsnTyrAsnProSe
Met	rLeuLys
35	50 55
40 45	60
Gly Tyr Ile Ser Tyr Asp Gly Ser	AsnArglieSerlieThrArgAspThrSerLysAsnGlnPh
Asn Asn Tyr Asn Pro Ser Leu	ePheLeu
Lys	65 70
50 55	75 80
60	LysLeuAsnSerValThrThrGluAspThrAlaThrTyrTy
Asn Arg lie Ser lie Thr Arg Asp	rCysAla
Thr Ser Lys Asn Gln Phe Phe	85 90 95
Leu	ValTyrTyrAspGlySerSerPheAspTyrTrpGlyGl
65 70.	nGlyThr
75 80	100 105
Lys Leu Asn Ser Val Thr Thr	110
Glu Asp Thr Ala Thr Tyr Tyr Cys	ThrValThrValSerSer
Ala	115
85	
90 95	
Val Tyr Tyr Asp Gly Ser Ser	
Phe Asp Tyr Trp Gly Gin Gly	
Thr	
100	
105 110	
Thr Val Thr Val Ser Ser	
115	



[0076]

配列番号:12

配列の長さ:354

配列の型:核酸

鎖の数:二本鎖

トポロジー:直鎖状

配列の種類:cDNA

mRNA

起源

マウス

配列の特徴:

特徴を決定した方法:E

配列

GTG CAG CTG CAG GAG TCT GGA CCT GGC CTC GTG AAA

CCT TCT CAG TCT 48
CTG TCT CTC ACC TGC TCT

GTC ACT GGC TAC TCC ATC

ACC AGT GGT TAT 96

TAC TGG AAC TGG ATC CGG CAG TTT CCA GGA AAC AAA

CTG GAA TGG ATG 14

GGC TAC ATA AGC TAC GAT

GGT AGC AAT AAC TAC AAC

CCA TCT CTC AAA 192

AAT CGA ATC TCC ATC ACT CGT GAC ACA TCT AAG AAC

CAG TTT TTC CTG 240

AAG TTG AAT TCT GTG ACT ACT GAG GAC ACA GCC ACA

TAT TAC TGT GCC 288

GTT TAT TAC TAC GAT GGT

AGC TCT TTT GAC TAC TGG

GGC CAA GGG ACC 336

ACG GTC ACC GTC TCC TCA

354

[0077]

配列番号:13

配列の長さ:112 配列の型:アミノ酸

トポロジー:直鎖状

配列の種類:ペプチド

配列

[0076]

Sequence number: 12

Length of a sequence: 354 Sequence-type: Nucleic acid

The number of chains:

s: It is double stranded.

Topology: Linear

Kind of sequence: cDNA to mRNA

Origin Mouse

The characteristic of a sequence:

Method to have determined the characteristic:

E

t o

Sequence

GTGCAGCTGCAGGAGTCTGGACCTGGCCT

CGTGAAACCTTCTCAGTCT 48

CTGTCTCTCACCTGCTCTGTCACTGGCTAC

TCCATCACCAGTGGTTAT 96

TACTGGAACTGGATCCGGCAGTTTCCAGGA

AACAAACTGGAATGGATG 144

GGCTACATAAGCTACGATGGTAGCAATAACT

ACAACCCATCTCTCAAA 192

AATCGAATCTCCATCACTCGTGACACATCTA

AGAACCAGTTTTTCCTG 240

AAGTTGAATTCTGTGACTACTGAGGACACA

GCCACATATTACTGTGCC 288

GTTTATTACTACGATGGTAGCTCTTTTGACTA

CTGGGGCCAAGGGACC 336

ACGGTCACCGTCTCCTCA

354

[0077]

Sequence number: 13

Length of a sequence: 112 Sequence-type: Amino acid

Topology: Linear

Kind of sequence:

Peptide

Sequence



	AsplieValLeuThrGlnSerProAlaSerLeuAlaValSer
Ala Ser Leu Ala Val Ser Leu Arg 1 5	1 5 10
10 15 Gln Arg Ala Thr Ile Ser Cys Arg Ala Ser Glu Gly Val Asp Ser Tyr 20	20 25
25 30 Gly Ile Ser Phe Met His Trp Tyr Gln Gln Lys Pro Gly Gln Pro	30 GlylleSerPheMetHisTrpTyrGlnGlnLysProGlyGln ProPro
Pro 35	35 45
40 45 Lys Leu Leu Ile Tyr Arg Ala Ser	LysLeuLeulleTyrArgAlaSerTyrLeuLysSerGlyVal
Tyr Leu Lys Ser Gly Val Pro Ala 50 55	60 ArgPheSerGlySerGlySerArgThrAspPheThrLeu
Arg Phe Ser Gly Ser Gly Ser Arg Thr Asp Phe Thr Leu Thr Ile Asp	ThrlleAsp 65 70 75 80
65 70 75 80 Pro Val Glu Ala Asp Asp Ala Ala Thr Tyr Tyr Cys Gln Gln Asn	ProValGluAlaAspAspAlaAlaThrTyrTyrCysGlnGl nAsnAsn 85 90 95 GluAspProTrpThrPheGlyGlyGlyThrLysLeuGlull
Asn 85 90 95 Glu Asp Pro Trp Thr Phe Gly Gly Gly Thr Lys Leu Glu lle Lys Arg	eLysArg 100 105 110
100 105 110	
【0078】 配列番号:14 配列の長さ:336 配列の型:核酸 鎖の数:二本鎖 トポロジー:直鎖状 配列の種類:cDNA to mRNA 起源 マウス 配列の特徴: 特徴を決定した方法:E	[0078] Sequence number: 14 Length of a sequence: 336 Sequence-type: Nucleic acid The number of chains: It is double stranded. Topology: Linear Kind of sequence: cDNA to mRNA Origin Mouse The characteristic of a sequence: Method to have determined the characteristic: E Sequence GACATTGTGCTGACCCAATCTCCAGCTTCTT

25



40

55

配列 GAC ATT GTG CTG ACC CAA TCT CCA GCT TCT TTG GCT GTG TCT CTA AGG 48 CAG AGG GCC ACC ATA TCC TGC AGA GCC AGT GAA GGT GTT GAT AGT TAT 96 GGC ATT AGT TTT ATG CAC TGG TAC CAG CAG AAA CCA GGA CAG CCA CCC 144 AAA CTC CTC ATC TAT CGT GCA TCC TAC CTA AAA TCT GGG GTC CCT GCC 192 AGG TTC AGT GGT AGT GGG TCT AGG ACA GAC TTC ACC CTC ACC ATT GAT 240 CCT GTG GAG GCT GAT GAT GCT GCA ACC TAT TAC TGT CAG CAA AAT AAT 288 GAG GAT CCG TGG ACG TTC GGT GGA GGC ACC AAG CTG GAA ATC AAA CGG 336	TGGCTGTGTCTCTAAGG 48 CAGAGGGCCACCATATCCTGCAGAGCCAGT GAAGGTGTTGATAGTTAT 96 GGCATTAGTTTTATGCACTGGTACCAGCAGA AACCAGGACAGCCACCC 144 AAACTCCTCATCTATCGTGCATCCTACCTAA AATCTGGGGTCCCTGCC 192 AGGTTCAGTGGTAGTGGGTCTAGGACAGAC TTCACCCTCACCATTGAT 240 CCTGTGGAGGCTGATGATGCTGCAACCTAT TACTGTCAGCAAAATAAT 288 GAGGATCCGTGGACGTTCGGTGGAGGCAC CAAGCTGGAAATCAAACGG 336
【0079】 配列番号:15	[0079] Sequence number: 15 Length of a sequence: 117
配列の長さ:117	Sequence-type: Amino acid
配列の型:アミノ酸 トポロジー:直鎖状	Topology: Linear
配列の種類:ペプチド	Kind of sequence: Peptide Sequence
配列	ValGlnLeuGlnGluSerGlyAlaGluProAlaLysProGl
Val Gln Leu Gln Glu Ser Gly Ala	yAlaSer
Glu Pro Ala Lys Pro Gly Ala Ser 1 5	1 5 10
10 15	15 ValLysMetSerCysLysAlaSerGlyTyrThrPheThrT
Val Lys Met Ser Cys Lys Ala	hrTyrTrp
Ser Gly Tyr Thr Phe Thr Tyr	20 25
Trp	30
20	MetHisTrpValLysGlnArgProGlyGlnGlyLeuGluTr

45

plleGly

30

Met His Trp Val Lys Gln Arg Pro 35

Gly Gln Gly Leu Glu Trp Ile Gly



AspLysAlaThrLeuThrAlaAspLysSerSerSerThrAl Lys 50 55 aTyrMet 70 60 65 Asp Lys Ala Thr Leu Thr Ala 75 80 Asp Lys Ser Ser Ser Thr Ala Tyr GlnLeulleSerLeuThrSerGluAspSerAlaValTyrTyr Met CvsAla 65 70 85 90 75 80 ArgArgGlyAsnTyrTyrTyrPheAspTyrTrpGlyGlnGl yThrThr Gln Leu Ile Ser Leu Thr Ser Glu 105 Asp Ser Ala Val Tyr Tyr Cys Ala 100 110 85 90 ValThrValSerSer 95 Arg Arg Gly Asn Tyr Tyr Tyr Phe 115 Asp Tyr Trp Gly Gln Gly Thr Thr 100 105 110 Val Thr Val Ser Ser 115 [0080] [0800] Sequence number: 16 配列番号:16 Length of a sequence: 351 配列の長さ:351 Sequence-type: Nucleic acid 配列の型:核酸 The number of chains: It is double stranded. 鎖の数:二本鎖 Topology: Linear トポロジー:直鎖状 Kind of sequence: **mRNA** cDNA to 配列の種類: c D N A Origin mRNA Mouse The characteristic of a sequence: 起源 Method to have determined the characteristic: マウス Ε 配列の特徴: Sequence 特徴を決定した方法:E GTGCAGCTGCAGGAGTCTGGGGCTGAACC 配列 GGCAAAACCTGGGGCCTCA 48 GTG CAG CTG CAG GAG TCT **GTGAAGATGTCCTGCAAGGCTTCTGGCTAC** GGG GCT GAA CCG GCA **ACCTTTACTACCTACTGG** 96 AAA CCT GGG GCC TCA ATGCACTGGGTAAAACAGAGGCCTGGACAG 48 GGTCTGGAATGGATTGGA 144 GTG AAG ATG TCC TGC AAG TACATTAATCCTAGCAGTGGTTATACTGAGTA GCT TCT GGC TAC ACC TTT CAATCAGAAGTTCAAG 192 ACT ACC TAC TGG 96 GACAAGGCCACATTGACTGCAGACAAATCC ATG CAC TGG GTA AAA CAG TCCAGCACAGCCTACATG 240 AGG CCT GGA CAG GGT CAACTAATCAGCCTGACATCTGAGGACTCT CTG GAA TGG ATT GGA GCAGTCTATTACTGTGCA 288 144 AGAAGGGGTAATTACTACTACTTTGACTACT TAC ATT AAT CCT AGC AGT GGGGCCAAGGGACCACG 336 GGT TAT ACT GAG TAC AAT 351 GTCACCGTCTCCTCA



CAG AAG TTC AAG 192
GAC AAG GCC ACA TTG ACT
GCA GAC AAA TCC TCC AGC
ACA GCC TAC ATG 240
CAA CTA ATC AGC CTG ACA
TCT GAG GAC TCT GCA GTC
TAT TAC TGT GCA 288
AGA AGG GGT AAT TAC TAC
TAC TTT GAC TAC TGG GGC
CAA GGG ACC ACG 336
GTC ACC GTC TCC TCA
351

[0081]	[0081]
配列番号:17	Sequence number: 17
配列の長さ:105	Length of a sequence: 105
配列の型:アミノ酸	Sequence-type: Amino acid
	Topology: Linear
トポロジー:直鎖状	Kind of sequence: Peptide
配列の種類:ペプチド	Sequence
配列	AspValLeuMetThrGlnThrProLysPheLeuProValS
Asp Val Leu Met Thr Gln Thr	erAlaGly
Pro Lys Phe Leu Pro Val Ser	1 5 10
Ala Gly	15
1 5	AspArgValThrMetThrCysLysAlaSerGlnSerValGl
10 15	yAsnAsn
Asp Arg Val Thr Met Thr Cys	20 25
Lys Ala Ser Gln Ser Val Gly Asn	30
Asn	ValAlaTrpTyrGlnGlnLysProGlyGlnSerProLysLe
20	uLeulle
25 30	35 40
Val Ala Trp Tyr Gln Gln Lys Pro	
Gly Gln Ser Pro Lys Leu Leu lle	
35	eThrGly
40 45	50 55
Tyr Tyr Thr Ser Asn Arg Tyr Thr	60
Gly Val Pro Asp Arg Phe Thr	SerGlySerGlyThrAspPheThrPheThrIleSerSerV
Gly	alGlnVal
50 55	65 70
60	75 80
Ser Gly Ser Gly Thr Asp Phe	GluAspLeuAlaValTyrPheCysGlnGlnHisTyrSerS
Thr Phe Thr Ile Ser Ser Val Gln	erProTyr
Val	85 90 95
65 70	ThrPheGlySerGlyThrLysLeuGlu
75 80	100 105
Glu Asp Leu Ala Val Tyr Phe	
Cvs Gln Gln His Tvr Ser Ser	

(C) DERWENT



Pro Tyr

85

90

95

Thr Phe Gly Ser Gly Thr Lys

Leu Glu

100

105

[0082]

配列番号:18

配列の長さ:315

配列の型:核酸

鎖の数:二本鎖

トポロジー:直鎖状

配列の種類:cDNA to

mRNA

起源

マウス

配列の特徴:

特徴を決定した方法:E

配列

GAT GTT TTG ATG ACC CAA ACT CCA AAA TTC CTG CCT GTA TCA GCA GGA 48 GAC AGG GTT ACC ATG ACC TGC AAG GCC AGT CAG AGT GTG GGT AAT AAT GTG GCC TGG TAC CAA CAG AAG CCA GGA CAG TCT CCT AAA CTG CTG ATA 144 TAC TAT ACA TCC AAT CGC TAC ACT GGA GTC CCT GAT CGC TTC ACT GGC 192 AGT GGA TCT GGG ACA GAT TTC ACT TTC ACC ATC AGC AGT GTG CAG GTT 240 GAA GAC CTG GCA GTT TAT TTC TGT CAG CAG CAT TAT

ACG TTC GGA TCG GGG

CTG

[0082]

Sequence number: 18

Length of a sequence: 315

Sequence type: Nucleic acid

The number of chains: It is double stranded.

Topology: Linear

Kind of sequence: cDNA to mRNA

Origin Mouse

The characteristic of a sequence:

Method to have determined the characteristic:

Ε

Sequence

GATGTTTTGATGACCCAAACTCCAAAATTCC

TGCCTGTATCAGCAGGA 48

GACAGGGTTACCATGACCTGCAAGGCCAGT

CAGAGTGTGGGTAATAAT 96

GTGGCCTGGTACCAACAGAAGCCAGGACA

GTCTCCTAAACTGCTGATA 144

TACTATACATCCAATCGCTACACTGGAGTCC

CTGATCGCTTCACTGGC 192

AGTGGATCTGGGACAGATTTCACTTTCACC

ATCAGCAGTGTGCAGGTT 240

GAAGACCTGGCAGTTTATTTCTGTCAGCAG

CATTATAGCTCTCCGTAT 288

ACGTTCGGATCGGGGACCAAGCTGGAG

315

288

GAG

【図面の簡単な説明】

AAG

AGC TCT CCG TAT

ACC

315

[BRIEF EXPLANATION OF DRAWINGS]



【図1】

図1は、抗FasL抗体のVH の遺伝子及びVLの遺伝子のP CR反応液のミニゲル電気泳動 図である。

【図2】

子のPCR生成物のミニゲル電 気泳動図である。

【図3】

図3は、プラスミドDNAのミ ニゲル電気泳動図である。

【図4】

図4は、モノクローナル抗体N OK1~5のVH領域(H鎖) のアミノ酸配列であり、四角の 線で囲った箇所は、超可変領域 (CDR1~3) である。

【図5】

図5は、モノクローナル抗体N OK1、2、4、5のVL領域 (L鎖) のアミノ酸配列であ り、四角の線で囲った箇所は、 超可変領域(CDR1~3)で ある。

【図1】

[FIGURE 1]

Figure 1 is mini gel electropherogram of PCR reaction solution of the gene of VH of an anti-FasL antibody, and the gene of VL.

[FIGURE 2]

図2は、NOK4のVHの遺伝 Figure 2 is mini gel electropherogram of PCR product of the gene of VH of NOK 4.

IFIGURE 31

Figure 3 is mini gel electropherogram of plasmid DNA.

[FIGURE 4]

Figure 4 is the amino acid sequence of VH region (heavy chain) of monoclonal-antibody NOK 1-5.

The part enclosed with the square line is a hypervariable region (CDR 1-3).

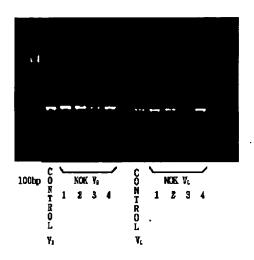
(FIGURE 5)

Figure 5 is the amino acid sequence of VL region (L chain) of monoclonal-antibody NOK 1, 2, 4, and 5.

The part enclosed with the square line is a hypervariable region (CDR 1-3).

[FIGURE 1]





【図2】

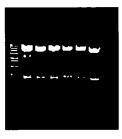
[FIGURE 2]



【図3】

[FIGURE 3]





【図4】

[FIGURE 4]

				CDR1		CI	DR2	
NOK1VH .amino	1: VQLQESGPEL	VKPGASVKIS	CKASGYAF-	-SSSWANW	VKQRPGKG	LEWICRI	YPGDGDTN	58
NOK2VH .amino	1: VQLQQSGAEL	VRPGTSVKMS	CKAAGYTF-	-TNYWIGW	VKQRPGHO	LEWIGYL	YPGGLYTN	58
NOK3VH .amino	1: VKLQESGPEL	VKPGASVK IS	CKASGYAF-	-SSSWMNW	VKQRPGKO	LEWICRI	YPYNGDTN	58
NOK4VH .amino	1: VQLQESGPGL	VKPSQSLSLT	CSVTGYSIT	SCYYW-NW	IRQFPGNK	TEMMG-A	ISYDGSNN	58
NOK5VH .amino	1: VQLQESGAEP.	AKPGASVKMS	CKASGYTF-	-TTYWMHW	VKQRPGQ0	LEWIGYI	NPSSGYTE	58
	* ** **	* *	* **	* *	* **	*** *	 	
					CD	R3		
NOK1VH .amino	59: DNGKFKGKAT	LTADKSSSTA	YMQLSSLTSI	EDSAVYFC	ARSYYYDO	SPW-FTY	WGQGTTVT	117
NOK2VH .amino	59:YNEKFKGKAT							
NOK3VH .amino	59:YNGKFKGKAT	LTADKSSSTA	YMQLSSLTS	EDSAVYFC	A-TD0	Y-WYFDV	WGQGTTVT	113
NOK4VH .amino	59:YNPSLKNRIS	ITRDTSKNQF	FLKLNSVTT	EDTATYYC.	A-VYYYDO	SSFDY	WGQGTTVT	115
NOK5VH .amino	59: YNOKFKOKAT	LTADKSSSTA	YMQLISLTS	EDSAVYYC.	ARRGNY	YYFDY	WGQGTTVT	114
	* *	* * *	* * * *	** * <u>* *</u>	*		******	
NOK1VH .amino	118:YSS							120
NOK2VH .amino	116:VSS							118
NOK3VH .amino	114:VSS							116
NOK4VH . amino	116: VSS							118
NOK5VH .amino	115:YSS							117



【図5】

[FIGURE 5]

	CDR1		CD	R2
NOK1VL .amino	1:DIQMTQSPSSLSASLGDRVTISQRASQDISNY-	LNWYQQK	PDGTV <mark>KLL</mark> IYYTSR	LH 55
NOK2VL . amino	1: DYLMTQTPLSLPVNIGDQASISCKSTKSLLNSDC	FTYLOWCLQK	pgqspqlliylysn	RF 60
NOK4VL .amino	1:DIVLTQSPASLAVSLRQRATISQRASEGVDSY-C	JISFMHWYQQK	PGQPPKLLIYRASY	LK 59
NOK5VL .amino	1:DVLNTQTPKFLPVSAGDRVTMTQKASQS-VG	-nnvawyqqk	PGQSPKLLIYYTSN	RY 55
	* ** * *	* **	* **** <u>*</u>	
		CDR3		
NOK1VL .amino	56:SGYPSRFSGSGSGTDYSLTISNLEPEDIATYFC-	QQYSEFPWTF	GGGTKLEIKR	108
NOK2VL .amino	61:SGVPDRFSGSGSGTDFTLKISRVEAEDLGVYYCF	QSNY-LPLTF	GSGTKLEIKR	113
NOK4VL . amino	60:SGVPARFSGSGSRTDFTLTIDPVEADDAATYYC-	QQNNEDPWTF	GGGTKLE I KR	112
NOK5VL .amino	56:TGVPDRFTGSGSGTDFTFTISSVQVEDLAVYFC- *** ** *** * * * * * *		GSGTKLE * *****	105



DERWENT TERMS AND CONDITIONS

Derwent shall not in any circumstances be liable or responsible for the completeness or accuracy of any Derwent translation and will not be liable for any direct, indirect, consequential or economic loss or loss of profit resulting directly or indirectly from the use of any translation by any customer.

Derwent Information Ltd. is part of The Thomson Corporation

Please visit our home page:

"WWW.DERWENT.CO.UK" (English)
"WWW.DERWENT.CO.JP" (Japanese)